

INFORME ANUAL DE LA VIGILANCIA DE LA RESISTENCIA A LOS ANTIMICROBIANOS

AÑO	2023
PAÍS	ARGENTINA
Nombre de la Institución que reporta	Servicio Antimicrobianos - INEI - ANLIS "Dr. C. G. Malbrán"
Red WHONET - Argentina	LNR Antimicrobianos: Alejandra Corso, Celeste Lucero, Ezequiel Tuduri, Fernando Pasteran, Alejandra Menocal, Juan Manuel de Mendieta
Red SIREVA II - Argentina	LNR Antimicrobianos: Alejandra Corso, Paula Gagetti, Celeste Lucero, Alejandra Menocal, Juan de Mendieta. LNR Bacteriología Clínica: Jonathan Zintgraff, Nahuel Sanchez Eluchans, Adriana Efron, Claudia Lara.
Programa Nacional de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG)	Red Nacional de Infecciones de Transmisión Sexual Servicio de Infecciones de transmisión sexual: Patricia Galarza, Martin Vacchino.

Evaluación externa del desempeño de los participantes de la red

Especies enviadas para la evaluación del desempeño cada año

Especies	Información adicional
<i>Acinetobacter baumannii</i>	Carbapenemasa NDM-1 + BLEE PER-7
<i>Staphylococcus epidermidis</i>	Resistencia a Linezolid (gen cfr) + Meticilino resistencia (gen mecA)
<i>Klebsiella pneumoniae</i>	Carbapenemasa NDM-5 + BLEE CTXM-15
<i>Elizabethkingia anophelis</i>	Enviado para identificación bioquímica

Concordancia de resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos

Diagnóstico microbiológico	Nº	%
Género y especie correctos	330	91,67
Género correcto	0	0,00
Género correcto y especie incorrecta	7	1,94
Género incorrecto	23	6,39
Nº total de identificaciones	360	

Difusión con discos

Tamaño del halo del antibiograma	Nº	%
Dentro del rango de referencia	648	91,14
Fuera del rango de referencia	63	8,86
Nº total de halos de inhibición	711	

Concentración Inhibitoria Mínima (CIM)

Valor de CIM (ug/ml)	Nº	%
Dentro del rango de referencia	0	#¡DIV/0!
Fuera del rango de referencia	0	#¡DIV/0!
Nº total de halos de inhibición	0	

Errores de interpretación	Nº	%
Menor	6	0,49
Grave	4	0,33
Muy grave	6	0,49
No total de errores de interpretación	1219	

* Interpretación del resultado del antibiograma

En esta parte, se debe colocar la información sobre la concordancia de los resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos que se evaluaron. Por favor, coloque aquí solo el número de pruebas que coincidieron con el resultado esperado por el laboratorio nacional de referencia. Ej: de acuerdo a las cepas enviadas y al nro de laboratorios participantes de la encuesta el laboratorio de referencia espera un total de 100 interpretaciones "sensible" pero solo 90 interpretaciones fueron recibidas. De estas 90, 80 fueron correctamente informadas como "sensible". Por lo tanto, los números a reportar serían: 100 (esperado), 90 (informado), 80 (informado correctamente). Por favor, no incluir en "informado correctamente" los resultados "sensible" que fueron reportados erróneamente para antibióticos cuyo resultado esperado es "intermedio" o "resistente". Proceder de la misma manera para las interpretaciones de "resistente" e "intermedio".

Errores de interpretación

ERROR MENOR: Definido como un resultado intermedio que se informa erróneamente como susceptible o resistente o un resultado sensible o resistente se informa erróneamente como intermedio.

ERROR GRAVE: Definido como un resultado sensible que se informa erróneamente como resistente.

ERROR MUY GRAVE: definido como un resultado resistente que se informa erróneamente como sensible.

Staphylococcus spp de origen comunitario

Total	N°		Especie	Antibiótico	Porcentaje		
	N°	Intermedio			Resistente	Intermedio	Resistente
2995	162	504	<i>S. aureus</i>	GEN	5,41	16,83	
2108		706		FOX o OXA		33,49	
3017	3	70		SXT	0,10	2,32	
3010	54	161		CIP	1,79	5,35	
2222	0	0		TEC	0,00	0,00	
2577	0	0		VAN	0,00	0,00	
2737	17	804		CLI	0,62	29,38	
2831	0	1117		ERI	0,00	39,46	
2848	5	39		RIF	0,18	1,37	
2664	54	9		LNZ		0,34	
2657	5	7		MNO o DOX	0,19	0,26	
1033	1	11		TCY	0,10	1,06	
1907		0		DAP		0,00	
N°	SDD	Resistente			SDD	Resistente	
1824	111	2		CPT	6,09	0,11	
1591	56	159		<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	3,52	9,99
1410		536			FOX o OXA		38,01
1933	22	250	SXT		1,14	12,93	
1921	24	216	CIP		1,25	11,24	
1075	3	11	TEC		0,28	1,02	
1144	1	0	VAN		0,09	0,00	
1234	6	273	CLI		0,49	22,12	
1269	141	599	ERI		11,11	47,20	
1174	6	44	RIF		0,51	3,75	
1129	3	14	LNZ			1,24	
1149	3	3	MNO o DOX		0,26	0,26	
642	0	72	TCY		0,00	11,21	
858		0	DAP			0,00	

Staphylococcus spp de origen hospitalario

Total	N°		Especie	Antibiótico	Porcentaje		
	N°	Intermedio			Resistente	Intermedio	Resistente
3465	191	537	S. aureus	GEN	5,51	15,50	
2425		779		FOX o OXA		32,12	
3464	5	64		SXT	0,14	1,85	
3336	52	141		CIP	1,56	4,23	
2844	1	0		TEC	0,04	0,00	
3267	1	0		VAN	0,03	0,00	
3305	10	952		CLI	0,30	28,80	
3491	0	1364		ERI	0,00	39,07	
3427	6	53		RIF	0,18	1,55	
3171	72	17		LNZ		0,54	
3275	8	6		MNO o DOX	0,24	0,18	
1140	0	15		TCY	0,00	1,32	
2450		0		DAP		0,00	
N°	SDD	Resistente			SDD	Resistente	
2393	91	8			CPT	3,80	0,33
4427	405	1584		Staphylococcus coagulasa negativa	GEN	9,15	35,78
3223		2428	FOX o OXA			75,33	
4451	33	1942	SXT		0,74	43,63	
4304	140	1789	CIP		3,25	41,57	
3599	36	0	TEC		1,00	0,00	
4050	5	0	VAN		0,12	0,00	
3994	33	2073	CLI		0,83	51,90	
4259	158	3127	ERI		3,71	73,42	
4147	45	767	RIF		1,09	18,50	
3884	31	45	LNZ			1,16	
4007	17	15	MNO o DOX		0,42	0,37	
1846	4	150	TCY		0,22	8,13	
3283		0	DAP			0,00	

Enterococcus spp. de origen hospitalario

Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia			Resistente	Intermedia
1868			<i>Enterococcus faecalis</i>	GEH*		38,44
2070		718		STH*		15,46
3180		320		AMP*		0,00
2536	56	0		LNZ	2,21	1,50
2855	5	38		TEC	0,18	4,73
3109	27	135		VAN*	0,87	4,15
2088	0	129		DAP	0,00	1,96
1243	22	41		TGC	1,77	0,16
		2				
705			<i>Enterococcus faecium</i>	GEH*		46,67
831		329		STH*		36,46
1296		303		AMP*		85,96
1241	17	1114		LNZ	1,37	1,37
1156	17	17		TEC	1,47	69,64
1290	1	805		VAN*	0,08	71,09
292	7	917		TGC	2,40	2,74
		8				
	N°	SDD	Resistente		SDD	Resistente
501	484	17		DAP	96,61	3,39
2703			<i>Enterococcus spp</i>	GEH*		39,70
3049		1073		STH*		21,25
4738		648		AMP*		25,79
3950	82	1222		LNZ	2,08	1,70
4220	24	67		TEC	0,57	23,22
4649	36	980		VAN*	0,77	23,17
2646	0	1077		DAP	0,00	2,38
1596	30	63		TGC	1,88	0,63
		10				

***Streptococcus* β -hemolítico del grupo A (*S. pyogenes*) de origen comunitario**

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
2050		0	PEN		0,00
1980	9	3	LVX	0,45	0,15
3340	35	60	CLI	1,05	1,80
3326	65	71	ERI	1,95	2,13
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

***Streptococcus* β -hemolítico del grupo B (*S. agalactiae*) de origen comunitario**

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
711		0	PEN		0,00
906	13	59	LVX	1,43	6,51
799	18	121	CLI	2,25	15,14
911	30	225	ERI	3,29	24,70
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

***Streptococcus pneumoniae* de origen comunitario aislamientos de meningitis**

Total	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente			Intermedia	Resistente
26		15	< 5 años	OXA		57,69
26	0	1		MEM	0,00	3,85
26		15		PEN		57,69
26	1	0		CTX, CRO	3,85	0,00
26		0		CHL		0,00
26	8	6		SXT	30,77	23,08
26	0	0		LVX	0,00	0,00
26		0		VAN	0,00	0,00
26	0	9		CLI	0,00	34,62
26	0	10		ERI	0,00	38,46
26	0	0		RIF	0,00	0,00
26	1	11		TCY	3,85	42,31
55		14		≥ 5 años	OXA	
55	1	3	MEM		1,82	5,45
55		14	PEN			25,45
55	2	1	CTX, CRO		3,64	1,82
55		0	CHL			0,00
55	15	13	SXT		27,27	23,64
55	0	0	LVX		0,00	0,00
55		0	VAN			0,00
55	0	8	CLI		0,00	14,55
55	0	12	ERI		0,00	21,82
55	0	0	RIF		0,00	0,00
55	0	18	TCY		0,00	32,73

Comentarios

Red SIREVA II - Método de dilución (CIM)
 SPN sitio meníngeo:
 PEN y CTX según BP meníngeo.
 Ceftarolina 100% sensible en todas las edades.

Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de infecciones no meningéas

Total	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje		
	N°	Intermedio			Resistente	Intermedia	Resistente
123		45	< 5 años	OXA		36,59	
123	6	6		MEM	4,88	4,88	
123	8	0		PEN	6,50	0,00	
123	0	0		CTX, CRO	0,00	0,00	
123		0		CHL		0,00	
123	30	22		SXT	24,39	17,89	
123	0	0		LVX	0,00	0,00	
123		0		VAN		0,00	
123	0	30		CLI	0,00	24,39	
123	0	34		ERI	0,00	27,64	
123	0	0		RIF	0,00	0,00	
123	1	48		TCY	0,81	39,02	
271		48		≥ 5 años	OXA		17,71
271	7	3			MEM	2,58	1,11
271	4	0	PEN		1,48	0,00	
271	0	0	CTX, CRO		0,00	0,00	
271		0	CHL			0,00	
271	57	35	SXT		21,03	12,92	
271	0	0	LVX		0,00	0,00	
271		0	VAN			0,00	
271	0	6	CLI		0,00	2,21	
271	0	20	ERI		0,00	7,38	
271	0	0	RIF		0,00	0,00	
271	2	86	TCY		0,74	31,73	

Comentarios

Red SIREVA II - Método de dilución (CIM)
 Ceftarolina 100% sensible en todas las edades.

SPN infecciones no meningéas:

PEN según BP sitio meningéico <5 años R: 36,5%; >5 años R: 16%

CTX según BP sitio meningéico <5 años R: 0%, I: 8.8%; >5 años R: 0%, I: 2,9%

Haemophilus influenzae de origen comunitario

Total	N°		Procedencia	Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente
66	6	17	Invasivos	< 5 años	AMP	9,09	25,76
66	2	2			SAM, AMC	3,03	3,03
66		0			CTX, CRO		0,00
66	0	1			CHL	0,00	1,52
66	1	12			SXT	1,52	18,18
66		0			NAL		0,00
66		0			CIP, LEV		0,00
66		0			AZM		0,00
57	2	12		AMP	3,51	21,05	
57	1	1		SAM, AMC	1,75	1,75	
57		0		CTX, CRO		0,00	
57	0	0		CHL	0,00	0,00	
57	1	7		SXT	1,75	12,28	
57		0		NAL		0,00	
57		0		CIP, LEV		0,00	
57		0		AZM		0,00	
288	13	72	No invasivos	< 5 años	AMP	4,51	25,00
195		19			SAM, AMC	0,00	9,74
NR		NR			CTX, CRO		#¡VALOR!
194	1	2			CHL	0,52	1,03
280	3	91			SXT	1,07	32,50
215		4			NAL		1,86
NR		NR			CIP, LEV		#¡VALOR!
272		3			AZM		1,10
849	29	213		AMP	3,42	25,09	
NR		NR		SAM, AMC		#¡VALOR!	
NR		NR		CTX, CRO		#¡VALOR!	
NR	NR	NR		CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
836	5	263		SXT	0,60	31,46	
685		19		NAL		2,77	
NR		NR		CIP, LEV		#¡VALOR!	
789		10		AZM		1,27	

Comentarios
NR: no representativo. Fuente de datos invasivos: SIREVA II. Método Dilución en Agar (CIM). Ácido nalidíxico se utiliza el punto de corte de Enterobacterales. Betalactamasas: 18 positivas/66 (27%) para <5a y 13 positivas/66 (22%) para > 5a.
Aislamientos no invasivos: Datos Red WHONET (Difusión) - Los antimicrobianos que no poseen datos se debe a que el número probado es menor al 60% con respecto al antimicrobiano más probado. AMC, no tiene puntos de corte por disco desde 2022, se interpreta con puntos de corte CLSI 2021. NAL: punto de corte de enterobacterales. AMC <60% de los aislamientos probados (19 R/389 en >5a). CIP <60% de los aislamientos probados (3 R/113 en <5a y 8 R/137 en >5a). CHL <60% de los aislamientos probados (8 R 10 I/290 en >5a). CRO <60% de los aislamientos probados (0 R/99 en <5a y 0 R/114 en >5a).

***Neisseria meningitidis* de origen comunitario - Red SIREVA II**

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
31	16	0	PEN o AMP	51,61	0,00
31		0	CRO o CTX		0,00
NT		NT	MEM		NT
31	0	0	CHL	0,00	0,00
NT	NT	NT	SXT	#¡VALOR!	#¡VALOR!
31		1	NAL		3,23
31	0	1	CIP	0,00	3,23
31	0	0	RIF	0,00	0,00
31		0	AZM		0,00

Neisseria gonorrhoeae de origen comunitario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente		Intermedia	Resistente
512	262	162	PEN	51,17	31,64
512	0	0	CRO	0,00	0,00
512	0	0	CFM	0,00	0,00
512	233	190	TCY	45,51	37,11
512	0	37	AZM	0,00	7,23
512	30	418	CIP	5,86	81,64
0	0	0	GEN*	#¡DIV/0!	#¡DIV/0!

Comentarios

Datos provenientes del Programa Nacional de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG). Red Nacional de Infecciones de Transmisión Sexual.

*CLSI no posee punto de corte para Gentamicina

Shigella spp. de origen comunitario

Total N°	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente			Intermedio	Resistente
1066	1	830	<i>Shigella flexneri</i>	AMP	0,09	77,86
NR	NR	NR		AMC	#i VALOR!	#i VALOR!
1033	0	21		CTX o CRO o POD	0,00	2,03
NR	NR	NR		CAZ	#i VALOR!	#i VALOR!
NR	NR	NR		FOX	#i VALOR!	#i VALOR!
NR	NR	NR		CHL	#i VALOR!	#i VALOR!
1063	13	255		SXT	1,22	23,99
NR	NR	NR		NAL	#i VALOR!	#i VALOR!
1059	32	34		CIP	3,02	3,21
NR	NR	NR		LEV	#i VALOR!	#i VALOR!
991	0	2		FOS	0,00	0,20
1005	5	4		NIT	0,50	0,40
NR	NR	NR		TCY	#i VALOR!	#i VALOR!
943	20	16		AZM	2,12	1,70
NR		NR		COL		#i VALOR!

Total N°	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente			Intermedio	Resistente
583	9	205	<i>Shigella sonnei</i>	AMP	1,54	35,16
NR	NR	NR		AMC	#i VALOR!	#i VALOR!
539	0	37		CTX o CRO o POD	0,00	6,86
NR	NR	NR		CAZ	#i VALOR!	#i VALOR!
NR	NR	NR		FOX	#i VALOR!	#i VALOR!
NR	NR	NR		CHL	#i VALOR!	#i VALOR!
579	28	429		SXT	4,84	74,09
NR	NR	NR		NAL	#i VALOR!	#i VALOR!
573	94	32		CIP	16,40	5,58
NR	NR	NR		LEV	#i VALOR!	#i VALOR!
531	1	2		FOS	0,19	0,38
539	7	1		NIT	1,30	0,19
NR	NR	NR		TCY	#i VALOR!	#i VALOR!
438	25	3		AZM	5,71	0,68
NR		NR		COL		#i VALOR!

Comentarios

NR: no representativo

1) La R a CTX o CRO o POD es el resultado del análisis de los datos de las tres drogas, siendo POD la más probada.

2) Desde 2016 CHL no se evalúa en el Protocolo de la Red Whonet- Argentina. CHL fue reemplazado por el disco de azitromicina.

 3) SHD Hasta 2021 no había punto de corte de disco para *Shigella sonnei*. Por ese motivo menos laboratorios probaron este disco. En 2021 AZI se probó en el 42% de los aislamientos vs 51% en 2022.

Salmonella por serotipos de origen comunitario

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
S. Paratyphi B	320	0	0	AMP	0,00	0,00
	NR	NR	NR	AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
	320	0	0	CTX o CRO o POD	0,00	0,00
	NR	NR	NR	CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR	NR	NR	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR	NR	NR	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	320	0	1	SXT	0,00	0,31
	NR	NR	NR	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
	321	95	0	CIP	29,60	0,00
	NR	NR	NR	LVX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR		NR	NIT		#iVALOR!
	NR	NR	NR	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!
	318		1	AZM		0,31
	NR	NR	NR	IPM	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR	NR	NR	MEM	#iVALOR!	#iVALOR!
NR		NR	COL		#iVALOR!	

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Salmonella spp. (no-Paratyphi B)	700	5	125	AMP	0,71	17,86
	NR	NR	NR	AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
	636	0	9	CTX o CRO o POD	0,00	1,42
	NR	NR	NR	CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR	NR	NR	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR	NR	NR	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	718	2	19	SXT	0,28	2,65
	NR	NR	NR	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
	598	129	20	CIP	21,57	3,34
	NR	NR	NR	LVX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR		NR	NIT		#iVALOR!
	NR	NR	NR	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!
	564		8	AZM		1,42
	NR	NR	NR	IPM	#iVALOR!	#iVALOR!
	NR	NR	NR	MEM	#iVALOR!	#iVALOR!
NR		NR	COL		#iVALOR!	

Comentarios

NR: no representativo.
 1) Ciprofloxacina: solo se analizaron los resultados de disco, debido a que las tarjetas /paneles no poseen las diluciones que permitan diferenciar Intermedios de sensibles en CIMs menores de 0,25ug/ml.
 2) La R a CTX o CRO o POD es el resultado de la integración de las tres drogas, siendo POD la más probada.
 3) Desde 2016 CHL no se evalúa en el Protocolo de la Red Whonet- Argentina. CHL fue reemplazado por el disco de azitromicina.
 4) S. Paratyphi B: corresponden a un brote de la provincia Salta. 319 /321 son datos de un solo hospital.
 5) Salmonella spp =no-Paratyphi B.
 El % de NS a fosfomicina es 1%, sobre un N probado de 614. Salmonella sp FOS 6R/614.

Campylobacter spp de origen comunitario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
570	7	386	CIP	1,23	67,72
0	0	0	CHL	#¡DIV/0!	#¡DIV/0!
591	1	27	AZM o ERI	0,17	4,57
0	0	0	NIT	#¡DIV/0!	#¡DIV/0!
540	10	189	TCY	1,85	35,00

***Escherichia coli*, de infección urinaria de origen comunitario**

Total N°	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje			
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente		
576	10	9	M	≤14 años	AMK	1,74	1,56		
638	3	63			GEN	0,47	9,87		
869	11	593			AMP	1,27	68,24		
649	94	110			AMC, SAM	14,48	16,95		
NR	NR	NR			TZP	#i VALOR!	#i VALOR!		
730		89			CZO		12,19		
NR	NR	NR			CXM	#i VALOR!	#i VALOR!		
901	2	354			SXT	0,22	39,29		
NR	NR	NR			NAL	#i VALOR!	#i VALOR!		
894	78	129			CIP, NOR	8,72	14,43		
880	16	9			NIT	1,82	1,02		
621	2	7			FOS	0,32	1,13		
NR	NR	NR			IPM	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			MEM	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			ERT	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR		NR			COL		#i VALOR!		
824	0	83			CTX or CRO	0,00	10,07		
NR	NR	NR			CAZ	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			FOX	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			ATM	#i VALOR!	#i VALOR!		
N°	SDD	Resistente			N°	SDD	Resistente		
NR	NR	NR			FEP	#i VALOR!	#i VALOR!		
3712	64	30			F	≤14 años	AMK	1,72	0,81
4187	24	283					GEN	0,57	6,76
5785	84	3361					AMP	1,45	58,10
4234	570	400	AMC, SAM	13,46			9,45		
NR	NR	NR	TZP	#i VALOR!			#i VALOR!		
4981		416	CZO				8,35		
NR	NR	NR	CXM	#i VALOR!			#i VALOR!		
6070	24	2077	SXT*	0,40			34,22		
NR	NR	NR	NAL	#i VALOR!			#i VALOR!		
5982	577	860	CIP, NOR	9,65			14,38		
5892	57	17	NIT	0,97			0,29		
3998	9	37	FOS	0,23			0,93		
NR	NR	NR	IPM	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	MEM	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	ERT	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR		NR	COL				#i VALOR!		
5532	0	402	CTX or CRO	0,00			7,27		
NR	NR	NR	CAZ	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	FOX	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	ATM	#i VALOR!			#i VALOR!		
N°	SDD	Resistente	N°	SDD			Resistente		
NR	NR	NR	FEP	#i VALOR!			#i VALOR!		

Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario

Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje			
	N°	Intermedia				Resistente	Intermedia	Resistente	
798	14	13	M	15 a 60	AMK	1,75	1,63		
898	11	120			GEN	1,22	13,36		
1188	17	806			AMP	1,43	67,85		
769	117	104			AMC, SAM	15,21	13,52		
NR	NR	NR			TZP	#i VALOR!	#i VALOR!		
1046		169			CZO		16,16		
NR	NR	NR			CXM	#i VALOR!	#i VALOR!		
1280	5	550			SXT	0,39	42,97		
NR	NR	NR			NAL	#i VALOR!	#i VALOR!		
1293	82	456			CIP, NOR	6,34	35,27		
1216	18	18			NIT	1,48	1,48		
907	3	14			FOS	0,33	1,54		
NR	NR	NR			IPM	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			MEM	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			ERT	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR		NR			COL		#i VALOR!		
1097	0	169			CTX or CRO	0,00	15,41		
NR	NR	NR			CAZ	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			FOX	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			ATM	#i VALOR!	#i VALOR!		
N°	SDD	Resistente			N°	SDD	Resistente		
NR	NR	NR			FEP	#i VALOR!	#i VALOR!		
8438	108	54			F	15 a 60	AMK	1,28	0,64
9207	88	638					GEN	0,96	6,93
13216	244	7233	AMP	1,85			54,73		
8698	960	732	AMC, SAM	11,04			8,42		
NR	NR	NR	TZP	#i VALOR!			#i VALOR!		
11871		1245	CZO				10,49		
NR	NR	NR	CXM	#i VALOR!			#i VALOR!		
13826	34	4463	SXT	0,25			32,28		
NR	NR	NR	NAL	#i VALOR!			#i VALOR!		
13810	1029	3549	CIP, NOR	7,45			25,70		
13447	183	102	NIT	1,36			0,76		
9786	42	88	FOS	0,43			0,90		
NR	NR	NR	IPM	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	MEM	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	ERT	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR		NR	COL				#i VALOR!		
12119	0	1245	CTX or CRO	0,00			10,27		
NR	NR	NR	CAZ	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	FOX	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	ATM	#i VALOR!			#i VALOR!		
N°	SDD	Resistente	N°	SDD			Resistente		
NR	NR	NR	FEP	#i VALOR!			#i VALOR!		

Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario

Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje			
	N°	Intermedia				Resistente	Intermedia	Resistente	
795	17	23	M	> 60	AMK	2,14	2,89		
863	9	136			GEN	1,04	15,76		
1112	21	760			AMP	1,89	68,35		
757	129	131			AMC, SAM	17,04	17,31		
NR	NR	NR			TZP	#i VALOR!	#i VALOR!		
1092		257			CZO		23,53		
NR	NR	NR			CXM	#i VALOR!	#i VALOR!		
1192	5	498			SXT	0,42	41,78		
NR	NR	NR			NAL	#i VALOR!	#i VALOR!		
1211	78	554			CIP, NOR	6,44	45,75		
1120	29	29			NIT	2,59	2,59		
838	4	20			FOS	0,48	2,39		
NR	NR	NR			IPM	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			MEM	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			ERT	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR		NR			COL		#i VALOR!		
1024	0	221			CTX or CRO	0,00	21,58		
NR	NR	NR			CAZ	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			FOX	#i VALOR!	#i VALOR!		
NR	NR	NR			ATM	#i VALOR!	#i VALOR!		
N°	SDD	Resistente			N°	SDD	Resistente		
NR	NR	NR			FEP	#i VALOR!	#i VALOR!		
2296	38	28			F	> 60	AMK	1,66	1,22
2451	19	258					GEN	0,78	10,53
3337	69	1972					AMP	2,07	59,09
2124	276	238					AMC, SAM	12,99	11,21
NR	NR	NR					TZP	#i VALOR!	#i VALOR!
2916		433					CZO		14,85
NR	NR	NR	CXM	#i VALOR!			#i VALOR!		
3493	12	1280	SXT	0,34			36,64		
NR	NR	NR	NAL	#i VALOR!			#i VALOR!		
3519	218	1356	CIP, NOR	6,19			38,53		
3422	49	41	NIT	1,43			1,20		
2564	9	41	FOS	0,35			1,60		
NR	NR	NR	IPM	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	MEM	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	ERT	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR		NR	COL				#i VALOR!		
3049	0	433	CTX or CRO	0,00			14,20		
NR	NR	NR	CAZ	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	FOX	#i VALOR!			#i VALOR!		
NR	NR	NR	ATM	#i VALOR!			#i VALOR!		
N°	SDD	Resistente	N°	SDD			Resistente		
NR	NR	NR	FEP	#i VALOR!			#i VALOR!		

Comentarios
<p>1) En E. coli de la comunidad en el campo CTX o CRO se completa con los datos de % de BLEE.</p> <p>2) Fosfomicina se incluyó en el protocolo de trabajo en 2019 para infecciones urinarias de la comunidad y el sistema Phoenix no incluye este antimicrobiano en su panel urinario, por esta razón no todos laboratorios lo prueban.</p> <p>3) En el campo de AMS/AMC se consignan los datos de AMS que es la combinación más probada.</p> <p>4) En 2023 CLSI modificó los puntos de corte de aminoglicósidos, por lo que el análisis de sensibilidad a gentamicina y ampicacina va a presentar porcentajes de resistencia son mayores que con los puntos de corte 2022.</p>

Escherichia coli, de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
3770	175	169	AMK	4,64	4,48
4617	42	651	GEN	0,91	14,10
3267	20	2437	AMP	0,61	74,59
3426	716	1021	AMC o SAM	20,90	29,80
4366	17	83	IPM	0,39	1,90
4367	13	87	MEM	0,30	1,99
3882	12	105	ERT	0,31	2,70
4837	10	1367	CTX o CRO	0,21	28,26
4485	36	1202	CAZ	0,80	26,80
3298	40	139	FOX	1,21	4,21
NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
4767	443	1873	CIP	9,29	39,29
4434	22	1978	SXT	0,50	44,61
2450	47	39	NIT	1,92	1,59
2583	10	49	FOS	0,39	1,90
1514		24	COL		1,59
NT	NT	NT	TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT		NT	CZA		#¡VALOR!
NT	NT	NT	C/T	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	ATM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
N°	SDD	Resistente		SDD	Resistente
4471	49	1162	FEP	1,10	25,99
4614	235	458	PTZ	5,09	9,93

Enterobacter cloacae de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1299	74	121	AMK	5,70	9,31
1538	8	378	GEN	0,52	24,58
1858	49	180	IPM	2,64	9,69
1868	20	173	MEM	1,07	9,26
1843	62	202	ETP	3,36	10,96
1845	57	594	CAZ	3,09	32,20
2038	32	797	CTX, CRO	1,57	39,11
1742	3	557	SXT	0,17	31,97
NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
1937	101	571	CIP	5,21	29,48
881	7	153	FOS	0,79	17,37
517		16	COL		3,09
NT	NT	NT	TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
807	0	36	CZA		4,46
NT	NT	NT	C/T	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	ATM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
N°	SDD	Resistente		SDD	Resistente
1849	161	348	FEP	8,71	18,82
1989	114	499	PTZ	5,73	25,09

Klebsiella pneumoniae de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
6093	228	2090	AMK	3,74	34,30
7744	61	3075	GEN	0,79	39,71
6028	241	3438	AMC, SAM	4,00	57,03
7930	147	2375	IPM	1,85	29,95
7344	88	2416	MEM	1,20	32,90
5772	92	1968	ETP	1,59	34,10
NT	NT	NT	CZO	#¡VALOR!	#¡VALOR!
7238	29	4017	CAZ	0,40	55,50
5149	21	2909	CTX, CRO	0,41	56,50
4784	230	1569	FOX	4,81	32,80
7161	43	3738	SXT	0,60	52,20
NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
7947	270	4045	CIP	3,40	50,90
3301	802	1070	NIT	24,30	32,41
4396	141	734	FOS	3,21	16,70
2928		494	COL		16,87
NT	NT	NT	TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
3639		1070	CZA		29,40
NT	NT	NT	C/T	#¡VALOR!	#¡VALOR!
3053	28	1798	ATM	0,92	58,89
N°	SDD	Resistente		SDD	Resistente
7126	86	3798	FEP	1,21	53,30
7646	474	3464	PTZ	6,20	45,30

Acinetobacter baumannii de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
2178	131	1187	AMK	6,01	54,50
2140	73	1884	GEN	3,41	88,04
2077	440	1235	SAM	21,18	59,46
2173	13	1882	TZP	0,60	86,61
2173		1886	IPM o MEM		86,79
2081	65	1738	CAZ	3,12	83,52
2123	183	1673	FEP	8,62	78,80
1553	8	1221	SXT	0,52	78,62
2168	9	1873	CIP	0,42	86,39
1319		45	COL		3,41
1758	243	492	MNO	13,82	27,99
1754	444	545	TGC	25,31	31,07

Pseudomonas aeruginosa de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
4117	49	399	AMK	1,19	9,69
4285	334	600	TZP	7,79	14,00
4283	227	891	IPM	5,30	20,80
4304	232	749	MEM	5,39	17,40
2570	409	290	ATM	15,91	11,28
4202	219	437	CAZ	5,21	10,40
4176	271	280	FEP	6,49	6,70
1256		29	COL		2,31
4283	180	844	CIP	4,20	19,71
1842		111	CZA		6,03
1343	18	60	C/T	1,34	4,47

Glosario de Antimicrobianos		
Sigla	Agente Antimicrobiano	Clase
AMK	Amikacina	Aminoglucósido
GEH	Gentamicina de alta carga	Aminoglucósido
GEN	Gentamicina	Aminoglucósido
STH	Estreptomocina de alta carga	Aminoglucósido
AMP	Ampicilina	Betalactámico
OXA	Oxacilina	Betalactámico
PEN	Penicilina	Betalactámico
AMC	Amoxicilina-Ac. Clavulánico	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
SAM	Ampicilina-sulbactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
PTZ	Piperacilina-Tazobactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
CZA	Ceftazidima-Avibactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
C/T	Ceftolozano-Tazobactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
IMI	Imipenem	Betalactámico, Carbapenem
MEM	Meropenem	Betalactámico, Carbapenem
ERT	Ertapenem	Betalactámico, Carbapenem
ATM	Aztreonam	Betalactámico, Monobactámico
CFZ	Cefazolina	Cefalosporina, 1ra Generación
CEC	Cefaclor	Cefalosporina, 2da Generación
CXM	Cefuroxima	Cefalosporina, 2da Generación
FOX	Cefoxitina	Cefalosporina, 2da Generación
C3G	Cefalosporinas de tercera generación	Cefalosporina, 3ra Generación
CAZ	Ceftazidima	Cefalosporina, 3ra Generación
CRO	Ceftriaxona	Cefalosporina, 3ra Generación
CTX	Cefotaxima	Cefalosporina, 3ra Generación
FEP	Cefepime	Cefalosporina, 4ta Generación
CPT	Ceftarolina	Cefalosporina, 5ta Generación
CHL	Cloranfenicol	Cloranfenicol
COL	Colistina	Péptido cíclico
DAP	Daptomicina	Lipopéptido cíclico
TMS	Trimethoprima + Sulfametoxazol	Inhibidor de dihidrofolato reductasa + Sulfa
LEV	Levofloxicana	Fluoroquinolona
CIP	Ciprofloxacina	Fluoroquinolona, 2da Generación
FOS	Fosfomicina	Fosfomicina
TEI	Teicoplanina	Glucopéptido
VAN	Vancomicina	Glucopéptido
CLI	Clindamicina	Lincosamida
LNZ	Linezolid	Oxazolidinona
AZI	Azitromicina	Macrólido
ERI	Eritromicina	Macrólido
NIT	Nitrofurantoina	Nitrofurano
RIF	Rifampicina	Rifampicina
DOX	Doxiciclina	Tetraciclina
MIN	Minociclina	Tetraciclina
TET	Tetraciclina	Tetraciclina
TIG	Tigeciclina	Tetraciclina (glicilciclina)