

INFORME ANUAL DE LA VIGILANCIA DE LA RESISTENCIA A LOS ANTIMICROBIANOS

AÑO	2022	
PAÍS	ARGENTINA	
Nombre de la Institución que reporta	Servicio Antimicrobianos - INEI - ANLIS "Dr. C. G. Malbrán"	
Red WHONET - Argentina	Grupo responsable	LNR Antimicrobianos: Alejandra Corso, Celeste Lucero, Ezequiel Tuduri, Fernando Pasteran, Alejandra Menocal, Juan Manuel de Mendieta
	Correo electrónico	acorso@anlis.gob.ar, clucero@anlis.gob.ar, etuduri@anlis.gob.ar, fpasteran@gmail.com, amenocal@anlis.gob.ar, jmdemendieta@anlis.gob.ar
	Teléfono	+54-11-43032812
Red SIREVA II - Argentina	Grupo responsable	LNR Antimicrobianos: Alejandra Corso, Paula Gagetti, Celeste Lucero, Alejandra Menocal, Juan de Mendieta. LNR Bacteriología Clínica: Jonathan Zintgraff, Nahuel Sanchez Eluchans, Adriana Efron, Claudia Lara.
Programa Nacional de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG)	Grupo responsable	Red Nacional de Infecciones de Transmisión Sexual - Servicio de Infecciones de transmisión sexual: Patricia Galarza, Martin Vacchino.

Evaluación externa del desempeño de los participantes de la red

Especies enviadas para la evaluación del desempeño cada año

Especies	Información adicional
Klebsiella oxytoca	CARBAPENEMASA INHIBIBLE POR APB (KPC Y
Klebsiella pneumoniae ss. pneumoniae	CARBAPENEMASA INHIBIBLE POR APB (KPC) +
Klebsiella aerogenes	CARBAPENEMASA INHIBIBLE POR APB (KPC,
Kocuria kristinae	Actualmente Rothia kristinae. Enviada solo para identificación

Concordancia de resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos

Diagnóstico microbiológico	Nº	%
Género y especie correctos	341	93,68
Género correcto	11	3,02
Género correcto y especie incorrecta	3	0,82
Género incorrecto	9	2,47
Nº total de identificaciones	364	

Difusión con discos

Tamaño del halo del antibiograma	Nº	%
Dentro del rango de referencia	853	90,94
Fuera del rango de referencia	85	9,06
Nº total de halos de inhibición	938	

Concentración Inhibitoria Mínima (CIM)

Valor de CIM (ug/ml)	Nº	%
Dentro del rango de referencia	0	#¡DIV/0!
Fuera del rango de referencia	0	#¡DIV/0!
Nº total de halos de inhibición	0	

Errores de interpretación	Nº	%
Menor	14	1,21
Grave	15	1,30
Muy grave	17	1,47
No total de errores de interpretación	1157	

* Interpretación del resultado del antibiograma

En esta parte, se debe colocar la información sobre la concordancia de los resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos que se evaluaron. Por favor, coloque aquí solo el número de pruebas que coincidieron con el resultados esperado por el laboratorio nacional de referencia. Ej.: de acuerdo a las cepas enviadas y al nro de laboratorios participantes de la encuesta el laboratorio de referencia espera un total de 100 interpretaciones "sensible" pero solo 90 interpretaciones fueron recibidas. De estas 90, 80 fueron correctamente informadas como "sensible". Por lo tanto, los números a reportar serían: 100 (esperado), 90 (informado), 80 (informado correctamente). Por favor, no incluir en "informado correctamente" los resultados "sensible" que fueron reportados erróneamente para antibióticos cuyo resultado esperado es "intermedio" o "resistente". Proceder de la misma manera para las interpretaciones de "resistente" e "intermedio".

Errores de interpretación

ERROR MENOR: Definido como un resultado intermedio que se informa erróneamente como susceptible o resistente o un resultado sensible o resistente se informa erróneamente como intermedio.

ERROR GRAVE: Definido como un resultado sensible que se informa erróneamente como resistente.

ERROR MUY GRAVE: Definido como un resultado resistente que se informa erróneamente como sensible.

Shigella spp. de origen comunitario - 2022

Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedio			Resistente	Intermedio
963	5	775	<i>Shigella flexneri</i>	AMP	0,52	80,48
NT	NT	NT		AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
939	0	11		CTX o CRO o POD	0,00	1,17
NT	NT	NT		CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT		FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT		CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
949	13	217		SXT	1,37	22,87
NT	NT	NT		NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
967	20	34		CIP	2,07	3,52
NT	NT	NT		LEV	#¡VALOR!	#¡VALOR!
856	1	2		FOS	0,12	0,23
935	7	0		NIT	0,75	0,00
NT	NT	NT		TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
830	12	10		AZM	1,45	1,20
NT		NT		COL		#¡VALOR!

Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedio			Resistente	Intermedio
266	0	53	<i>Shigella sonnei</i>	AMP	0,00	19,92
NT	NT	NT		AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
259	0	5		CTX o CRO o POD	0,00	1,93
NT	NT	NT		CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT		FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT		CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
266	3	245		SXT	1,13	92,11
NT	NT	NT		NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
262	46	4		CIP	17,56	1,53
NT	NT	NT		LEV	#¡VALOR!	#¡VALOR!
248	0	0		FOS	0,00	0,00
259	4	1		NIT	1,54	0,39
NT	NT	NT		TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
136	3	1		AZM	2,21	0,74
NT		NT		COL		#¡VALOR!

Salmonella por serotipos de origen comunitario - 2022

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
S. Paratyphi B	503	7	0	AMP	1,39	0,00
	NT	NT	NT	AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	503	0	0	CTX o CRO o POD	0,00	0,00
	NT	NT	NT	CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	502	0	1	SXT	0,00	0,20
	NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	497	65	0	CIP	13,08	0,00
	NT	NT	NT	LVX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT		NT	NIT		#¡VALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	268		1	AZM		0,37
	NT	NT	NT	IPM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT	NT	NT	MEM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT		NT	COL		#¡VALOR!

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
S. Typhimurium	37	0	7	AMP	0,00	18,92
	NT	NT	NT	AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	37	0	3	CTX o CRO o POD	0,00	8,11
	NT	NT	NT	CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	35	0	2	SXT	0,00	5,71
	NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	35	7	1	CIP	20,00	2,86
	NT	NT	NT	LVX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT		NT	NIT		#¡VALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	29		0	AZM		0,00
	NT	NT	NT	IPM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT	NT	NT	MEM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	NT		NT	COL		#¡VALOR!

Salmonella por serotipos de origen comunitario - 2022

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
S. Enteritidis	40	1	7	AMP	2,50	17,50
	NT	NT	NT	AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
	39	0	3	CTX o CRO o POD	0,00	7,69
	NT	NT	NT	CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	40	0	0	SXT	0,00	0,00
	NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
	36	6	0	CIP	16,67	0,00
	NT	NT	NT	LVX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT		NT	NIT		#iVALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!
	35		0	AZM		0,00
	NT	NT	NT	IPM	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	MEM	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT		NT	COL		#iVALOR!

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Salmonella spp. (no-Typhimurium, no-Enteritidis, no-Paratyphi B)	534	6	71	AMP	1,12	13,30
	NT	NT	NT	AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
	478	0	8	CTX o CRO o POD	0,00	1,67
	NT	NT	NT	CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	544	0	20	SXT	0,00	3,68
	NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
	375	66	3	CIP	17,60	0,80
	NT	NT	NT	LVX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT		NT	NIT		#iVALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!
	402		4	AZM		1,00
	NT	NT	NT	IPM	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	MEM	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT		NT	COL		#iVALOR!

Otros comentarios
<p>Desde 2016 CHL no se evalúa en el Protocolo de la Red Whonet- Argentina. CHL fue reemplazado por el disco de azitromicina. R a CTX o CRO o POD es la sumatoria de esas tres drogas, siendo POD la más probada. Solo se analizaron los resultados de disco, debido a que las tarjetas/ paneles no poseen las diluciones que permitan diferenciar Intermedios de sensibles en CIMs menores de 0,25ug/ml. Shigella boydii solo 2 aislamientos. Shigella dysenteriae solo 1 aislamientos. Shigella sp 68 aislamientos. En el contexto del brote de Salmonella Paratyphi B no se probó azitromicina a todos los aislamientos. Salmonella spp = Salmonella no- Typhimurium, no-Enteritidis, no-Paratyphi B. Resistencia a C3G: marcamos cefpodoxima porque es el más probado, pero el resultado es la combinación de la resistencia a cefpodoxima, cefotaxima y ceftriaxona. El % de NS a fosfomicina es 0,3%, sobre un total de 449 probadas. Azitromicina se está probando en el Protocolo de trabajo desde 2016. No está presente en las tarjetas / paneles de los sistemas automatizados por lo que algunos laboratorios aún no la prueban.</p>

Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario - 2022

Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje			
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente		
508	0	0	M	≤14 años	AMK	0,00	0,00		
587	1	60			GEN	0,17	10,22		
815	11	552			AMP	1,35	67,73		
744	157	105			AMC, SAM	21,10	14,11		
NT	NT	NT			TZP	#iVALOR!	#iVALOR!		
637		72			CZO		11,30		
NT	NT	NT			CXM	#iVALOR!	#iVALOR!		
834	4	313			SXT	0,48	37,53		
NT	NT	NT			NAL	#iVALOR!	#iVALOR!		
839	44	124			CIP, NOR	5,24	14,78		
818	7	7			NIT	0,86	0,86		
394	2	2			FOS	0,51	0,51		
NT	NT	NT			IPM	#iVALOR!	#iVALOR!		
NT	NT	NT			MEM	#iVALOR!	#iVALOR!		
NT	NT	NT			ERT	#iVALOR!	#iVALOR!		
NT		NT			COL		#iVALOR!		
777	0	74			CTX or CRO	0,00	9,52		
NT	NT	NT			CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!		
NT	NT	NT			FOX	#iVALOR!	#iVALOR!		
NT	NT	NT			ATM	#iVALOR!	#iVALOR!		
	SDD	Resistente				SDD	Resistente		
NT	NT	NT			FEP	#iVALOR!	#iVALOR!		
3525	4	5			F	≤14 años	AMK	0,11	0,14
3961	12	255					GEN	0,30	6,44
6015	64	3523	AMP	1,06			58,57		
5529	818	536	AMC, SAM	14,79			9,69		
NT	NT	NT	TZP	#iVALOR!			#iVALOR!		
4713		323	CZO				6,85		
NT	NT	NT	CXM	#iVALOR!			#iVALOR!		
6131	19	2193	SXT*	0,31			35,77		
NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!			#iVALOR!		
6119	349	743	CIP, NOR	5,70			12,14		
6040	61	27	NIT	1,01			0,45		
3003	9	24	FOS	0,30			0,80		
NT	NT	NT	IPM	#iVALOR!			#iVALOR!		
NT	NT	NT	MEM	#iVALOR!			#iVALOR!		
NT	NT	NT	ERT	#iVALOR!			#iVALOR!		
NT		NT	COL				#iVALOR!		
5757	0	357	CTX or CRO	0,00			6,20		
NT	NT	NT	CAZ	#iVALOR!			#iVALOR!		
NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!			#iVALOR!		
NT	NT	NT	ATM	#iVALOR!			#iVALOR!		
	SDD	Resistente		SDD			Resistente		
NT	NT	NT	FEP	#iVALOR!			#iVALOR!		

Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario - - 2022

Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia				Resistente	Intermedia
683	2	0	M	15 a 60	AMK	0,29	0,00
717	4	93			GEN	0,56	12,97
1028	11	721			AMP	1,07	70,14
917	171	149			AMC, SAM	18,65	16,25
NT	NT	NT			TZP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
831		104			CZO		12,52
NT	NT	NT			CXM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
1103	1	478			SXT	0,09	43,34
NT	NT	NT			NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
1107	41	363			CIP, NOR	3,70	32,79
1067	8	17			NIT	0,75	1,59
586	1	10			FOS	0,17	1,71
NT	NT	NT			IPM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			MEM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			ERT	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT		NT			COL		#¡VALOR!
936	0	119			CTX or CRO	0,00	12,71
NT	NT	NT			CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			ATM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	SDD	Resistente			SDD	Resistente	
NT	NT	NT			FEP	#¡VALOR!	
6529	4	10	F	15 a 60	AMK	0,06	0,15
7155	16	525			GEN	0,22	7,34
11592	208	6358			AMP	1,79	54,85
10159	1351	859			AMC, SAM	13,30	8,46
NT	NT	NT			TZP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
9484		838			CZO		8,84
NT	NT	NT			CXM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
11963	49	3923			SXT	0,41	32,79
NT	NT	NT			NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
11876	466	2940			CIP, NOR	3,92	24,76
11084	135	95			NIT	1,22	0,86
6298	16	46			FOS	0,25	0,73
NT	NT	NT			IPM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			MEM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			ERT	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT		NT			COL		#¡VALOR!
10404	0	978			CTX or CRO	0,00	9,40
NT	NT	NT			CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			ATM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	SDD	Resistente			SDD	Resistente	
NT	NT	NT			FEP	#¡VALOR!	

Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario - 2022

Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje			
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente		
663	4	5	M	> 60	AMK	0,60	0,75		
672	2	85			GEN	0,30	12,65		
974	20	657			AMP	2,05	67,45		
831	167	135			AMC, SAM	20,10	16,25		
NT	NT	NT			TZP	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
731		107			CZO		14,64		
NT	NT	NT			CXM	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
1021	2	446			SXT	0,20	43,68		
NT	NT	NT			NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
1017	38	451			CIP, NOR	3,74	44,35		
962	14	29			NIT	1,46	3,01		
511	7	3			FOS	1,37	0,59		
NT	NT	NT			IPM	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT	NT	NT			MEM	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT	NT	NT			ERT	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT		NT			COL		#¡VALOR!		
870	0	146			CTX or CRO	0,00	16,78		
NT	NT	NT			CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT	NT	NT			FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT	NT	NT			ATM	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
	SDD	Resistente					SDD	Resistente	
NT	NT	NT			FEP	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
1781	0	5			F	> 60	AMK	0,00	0,28
1835	2	85					GEN	0,11	4,63
2829	69	1674					AMP	2,44	59,17
2309	363	271					AMC, SAM	15,72	11,74
NT	NT	NT					TZP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
2147		280					CZO		13,04
NT	NT	NT	CXM	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
2913	13	1091	SXT	0,45			37,45		
NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
2901	122	1082	CIP, NOR	4,21			37,30		
2831	59	38	NIT	2,08			1,34		
1444	14	24	FOS	0,97			1,66		
NT	NT	NT	IPM	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
NT	NT	NT	MEM	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
NT	NT	NT	ERT	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
NT		NT	COL				#¡VALOR!		
2473	0	348	CTX or CRO	0,00			14,07		
NT	NT	NT	CAZ	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
NT	NT	NT	FOX	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
NT	NT	NT	ATM	#¡VALOR!			#¡VALOR!		
	SDD	Resistente					SDD	Resistente	
NT	NT	NT	FEP	#¡VALOR!			#¡VALOR!		

Otros comentarios
 En E. coli de la comunidad en el campo ctx o cro se completa con los datos de % de BLEE.

***Escherichia coli*, de origen hospitalario - 2022**

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
3198	56	195	AMK	1,75	6,10
4868	79	746	GEN	1,62	15,32
4663	56	3311	AMP	1,20	71,01
4162	1086	993	AMC o SAM	26,09	23,86
4836	264	499	TZP	5,46	10,32
4826	39	87	IPM	0,81	1,80
4843	24	97	MEM	0,50	2,00
4022	27	124	ERT	0,67	3,08
5105	27	1315	CTX o CRO	0,53	25,76
4451	27	1079	CAZ	0,61	24,24
3207	63	147	FOX	1,96	4,58
NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
5261	350	1994	CIP	6,65	37,90
5237	8	2321	SXT	0,15	44,32
3366	69	57	NIT	2,05	1,69
2109	5	64	FOS	0,24	3,03
2325		16	COL		0,69
NT	NT	NT	TGC	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!
NT		NT	CZA		#iVALOR!
NT	NT	NT	C/T	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT	ATM	#iVALOR!	#iVALOR!
N°	SDD	Resistente		SDD	Resistente
4634	52	1097	FEP	1,12	23,67

***Neisseria meningitidis* de origen comunitario 2022 - Red SIREVA II**

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
23	16	0	PEN o AMP	69,57	0,00
23		0	CRO o CTX		0,00
NT		NT	MEM		NT
23	0	0	CHL	0,00	0,00
23	1	19	SXT	4,35	82,61
23		0	NAL		0,00
23	0	0	CIP	0,00	0,00
23	0	0	RIF	0,00	0,00
23		0	AZM		0,00

Staphylococcus spp de origen comunitario - 2022

Total	N°		Especie	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedio			Resistente	Intermedio
2440	118	338	<i>S. aureus</i>	GEN	4,84	13,85
1839		587		FOX o OXA		31,92
2492	3	57		SXT	0,12	2,29
2464	58	95		CIP	2,35	3,86
1719	0	0		TEC	0,00	0,00
2071	0	0		VAN	0,00	0,00
2230	8	597		CLI	0,36	26,77
2306	0	809		ERI	0,00	35,08
2299	7	42		RIF	0,30	1,83
2075		4		LNZ		0,19
2137	2	3		MNO o DOX	0,09	0,14
915	0	13		TCY	0,00	1,42
1417		0		DAP		0,00
	SDD	Resistente			SDD	Resistente
1330	91	0		CPT	6,84	0,00
1164	41	137		<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	3,52
1569		623	FOX o OXA			39,71
1410	15	191	SXT		1,06	13,55
1377	22	164	CIP		1,60	11,91
737	0	0	TEC		0,00	0,00
730	0	0	VAN		0,00	0,00
877	7	179	CLI		0,80	20,41
900	93	412	ERI		10,33	45,78
847	5	25	RIF		0,59	2,95
793		12	LNZ			1,51
783	6	3	MNO o DOX		0,77	0,38
406	2	44	TCY		0,49	10,84
561		0	DAP			0,00

Staphylococcus spp de origen hospitalario - 2022

Total	N°		Especie	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedio			Resistente	Intermedio
2907	128	477	<i>S. aureus</i>	GEN	4,40	16,41
2173		700		FOX o OXA		32,21
2936	6	80		SXT	0,20	2,72
2716	37	141		CIP	1,36	5,19
2230	0	0		TEC	0,00	0,00
2661	0	0		VAN	0,00	0,00
2869	14	745		CLI	0,49	25,97
2933	0	971		ERI	0,00	33,11
2907	9	59		RIF	0,31	2,03
2444		6		LNZ		0,25
2679	11	3		MNO o DOX	0,41	0,11
824	0	17		TCY	0,00	2,06
1854		0		DAP		0,00
	SDD	Resistente			SDD	Resistente
2117	91	1		CPT	4,30	0,05
3633	292	1346		<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	8,04
3952		2891	FOX o OXA			73,15
3682	19	1631	SXT		0,52	44,30
3482	96	1524	CIP		2,76	43,77
2703	36	56	TEC		1,33	2,07
2904	0	0	VAN		0,00	0,00
3372	24	1763	CLI		0,71	52,28
3474	99	2554	ERI		2,85	73,52
3452	26	690	RIF		0,75	19,99
3004		44	LNZ			1,46
3248	17	22	MNO o DOX		0,52	0,68
1345	6	85	TCY		0,45	6,32
2447		0	DAP			0,00

Neisseria gonorrhoeae de origen comunitario - 2022

El estándar oro para la vigilancia de la susceptibilidad a los antimicrobianos en *N. gonorrhoeae* es la determinación de la concentración inhibitoria mínima sea por el método de dilución en agar o por la utilización de tiras de gradiente (p.ej. E-test, Mice, Liofilchem).

Teniendo en cuenta que muchos países se encuentran en proceso de implementación de la metodología para determinar la CIM, se consideraran los datos provenientes de la difusión por discos, hasta que la metodología de vigilancia sea implementada.

Para aquellos países que tengan implementada las dos metodologías sólo deberá cargar los datos de CIM

Prueba de Concentración Inhibitoria Mínima (CIM)

Método utilizado:	Dilución en agar
--------------------------	------------------

ANTIMICROBIANO		CONCENTRACIÓN INHIBITORIA MÍNIMA (µg/mL)																S	I	R			
		Número de aislamientos incluidos en cada dilución de CIM (n)																					
	n	≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256								
PEN																							
n (todas)	394		3	14	62	77	67	35	38	38	30	15	14	1									
%	100,0	0,0	0,8	3,6	15,7	19,5	17,0	8,9	9,6	9,6	7,6	3,8	3,6	0,3	0,0				0,8	55,8	43,4		
n PPNG (solo Blac +)	394																						
%	42,1	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0								
TCY																							
n (todas)	394			1	21	132	118	23	1	0	16	82											
%	100,0	0,0	0,0	0,3	5,3	33,5	29,9	5,8	0,3	0,0	4,1	20,8	0,0	0,0	0,0				5,6	63,5	31,0		
n TRNG (conf. X BM)	98											16	82										
%	100,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	16,3	83,7	0,0	0,0	0,0								
AZM																							
n (todas)	394																						
%	100,0	8,6	15,0	27,4	29,4	8,1	5,3	3,0	0,5	1,0	0,3	0,0	0,0	0,0	1,3				80,5	8,1	11,4		
CIP																							
n (todas)	394																						
%	100,0	5,3	2,8	2,3	1,3	2,0	1,8	0,0	0,3	0,5	0,5	11,4	22,1	43,7	5,1	1,0	0,0	0,0	0,0	0,0	15,5	1,3	83,2
SP																							
n (todas)	385										4	177	204										
%	100,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,0	46,0	53,0	0,0	0,0	0,0				100,0	0,0	0,0		
CRO																							
n (todas)	394																						
%	100,0	0,0	0,0	0,0	0,0	7,6	25,9	34,0	27,2	4,6	0,5	0,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0		
CFM																							
n (todas)	394																						
%	100,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,5	6,9	42,4	21,6	9,1	11,2	8,1	0,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0		
GEN																							
n (todas)	385																						
%	100,0	0,0	0,0	2,6	16,4	72,7	8,3	0,0												19,0	81,0	0,0	

Abreviaturas: "Blac +": beta-lactamasa positiva; "Conf. X BM": confirmados por métodos de biología molecular

Otros comentarios
Los datos fueron aportados por el Programa Nacional de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG). Servicio Enfermedades de Transmisión Sexual INEI ANLIS - Red Nacional de ITS.

Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de meningitis - 2022

Total	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente			Intermedia	Resistente
24		8	< 5 años	OXA		33,33
24	0	0		MEM	0,00	0,00
24		8		PEN		33,33
24	0	0		CTX, CRO	0,00	0,00
24		0		CHL		0,00
24	3	3		SXT	12,50	12,50
24	0	0		LVX	0,00	0,00
24		0		VAN	0,00	0,00
24	0	4		CLI	0,00	16,67
24	0	6		ERI	0,00	25,00
24	0	0		RIF	0,00	0,00
24	0	8		TCY	0,00	33,33
41		13		≥ 5 años	OXA	
41	0	2	MEM		0,00	4,88
41		13	PEN			31,71
41	2	0	CTX, CRO		4,88	0,00
41		0	CHL			0,00
41	3	4	SXT		7,32	9,76
41	0	0	LVX		0,00	0,00
41		0	VAN			0,00
41	0	3	CLI		0,00	7,32
41	0	5	ERI		0,00	12,20
41	0	0	RIF		0,00	0,00
41	0	6	TCY		0,00	14,63

Otros comentarios
Red SIREVA II - Método de dilución (CIM)
SPN sitio meníngeo:
PEN y CTX según BP meníngeo.
Ceftarolina 100% sensible en todas las edades.
SPN infecciones no meníngeas:
PEN y CTX según BP no meníngeo.
PEN según BP sitio meníngeo <5 años R: 43,4%; ≥ 5 años R: 17,4%
CTX según BP sitio meníngeo <5 años R: 6,6%,
I: 6,6%; ≥ 5 años I: 2,7%, R: 0,5%
Ceftarolina 100% sensible en todas las edades.

Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de infecciones no meningéas - 2022

Total	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje		
	Intermedio	Resistente			Intermedia	Resistente	
106		22	< 5 años	OXA		20,75	
106	6	1		MEM	5,66	0,94	
106	5	2		PEN	4,72	1,89	
106	4	3		CTX, CRO	3,77	2,83	
106		0		CHL		0,00	
106	16	29		SXT	15,09	27,36	
106	0	0		LVX	0,00	0,00	
106		0		VAN		0,00	
106	0	25		CLI	0,00	23,58	
106	0	35		ERI	0,00	33,02	
106	0	0		RIF	0,00	0,00	
106	0	49		TCY	0,00	46,23	
184		32		≥ 5 años	OXA		17,39
184	1	0			MEM	0,54	0,00
184	3	0	PEN		1,63	0,00	
184	2	0	CTX, CRO		1,09	0,00	
184		0	CHL			0,00	
184	24	24	SXT		13,04	13,04	
184	0	0	LVX		0,00	0,00	
184		0	VAN			0,00	
184	0	6	CLI		0,00	3,26	
184	0	20	ERI		0,00	10,87	
184	0	0	RIF		0,00	0,00	
184	0	44	TCY		0,00	23,91	

Otros comentarios
Red SIREVA II - Método de dilución (CIM)
SPN sitio meníngeo:

PEN y CTX según BP meníngeo.

Ceftarolina 100% sensible en todas las edades.

SPN infecciones no meningéas:

PEN y CTX según BP no meníngeo.

PEN según BP sitio meníngeo <5 años R: 43,4%; ≥ 5 años R: 17,4%

CTX según BP sitio meníngeo <5 años R: 6,6%,

I: 6,6%; ≥ 5 años I: 2,7%, R: 0,5%

Ceftarolina 100% sensible en todas las edades.

Haemophilus influenzae de origen comunitario - 2022

Total	N°		Procedencia	Edad	Antibiótico	Porcentaje		
	N°	Intermedia				Resistente	Intermedia	Resistente
107	8	22	Invasivos	< 5 años	AMP	7,48	20,56	
107	11	0			SAM, AMC	10,28	0,00	
107		0			CTX, CRO		0,00	
107	0	2			CHL	0,00	1,87	
107	3	22			SXT	2,80	20,56	
107		0			NAL		0,00	
107		0			CIP, LEV		0,00	
107		0			AZM		0,00	
43	3	6			AMP	6,98	13,95	
43	2	0		SAM, AMC	4,65	0,00		
43		0		CTX, CRO		0,00		
43	0	0		CHL	0,00	0,00		
43	0	10		SXT	0,00	23,26		
43		0		NAL		0,00		
43		0		CIP, LEV		0,00		
43		0		AZM		0,00		
204	10	64		No invasivos	< 5 años	AMP	4,90	31,37
NT		NT				SAM, AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
65		0	CTX, CRO				0,00	
147	7	2	CHL			4,76	1,36	
195	2	102	SXT			1,03	52,31	
136		5	NAL				3,68	
61		0	CIP, LEV				0,00	
200		0	AZM				0,00	
626	13	144	AMP			2,08	23,00	
NT		NT	SAM, AMC			#¡VALOR!		
64		0	CTX, CRO			0,00		
214	17	7	CHL		7,94	3,27		
616	3	244	SXT		0,49	39,61		
540		21	NAL			3,89		
92		0	CIP, LEV			0,00		
574		0	AZM			0,00		

Otros comentarios

AMC En 2022 CLSI elimino los puntos de corte para difusión con discos.
 Aislamientos invasivos: Datos SIREVA II (CIM)
 Aislamientos no invasivos : Datos Red WHONET (Difusión)

Streptococcus β-hemolítico del grupo A (S. pyogenes) de origen comunitario - 2022

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
525		0	PEN		0,00
496	1	2	LVX	0,20	0,40
814	6	22	CLI	0,74	2,70
820	22	41	ERI	2,68	5,00
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

Streptococcus β-hemolítico del grupo B (S. agalactiae) de origen comunitario - 2022

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
601		0	PEN		0,00
715	5	49	LVX	0,70	6,85
670	11	89	CLI	1,64	13,28
756	22	161	ERI	2,91	21,30
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

Campylobacter spp de origen comunitario - 2022

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
371	7	239	CIP	1,89	64,42
NT	NT	NT	CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
371	0	13	AZM o ERI	0,00	3,50
NT	NT	NT	NIT	#¡VALOR!	#¡VALOR!
354	6	121	TCY	1,69	34,18

Enterobacter cloacae de origen hospitalario - 2022

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1641	25	62	AMK	1,52	3,78
1626	21	403	GEN	1,29	24,78
1634	88	500	TZP	5,39	30,60
1631	59	192	IPM	3,62	11,77
1633	21	175	MEM	1,29	10,72
1343	68	236	ETP	5,06	17,57
1591	54	570	CAZ	3,39	35,83
1114	36	483	CTX, CRO	3,23	43,36
1638	3	536	SXT	0,18	32,72
NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
1661	65	513	CIP	3,91	30,89
680	6	101	FOS	0,88	14,85
856		15	COL		1,75
1027	334	108	TGC	32,52	10,52
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
533	0	36	CZA		6,75
NT	NT	NT	C/T	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	ATM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
	SDD	Resistente		SDD	Resistente
1570	162	301	FEP	10,32	19,17

***Klebsiella pneumoniae* de origen hospitalario - 2022**

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
6767	115	1326	AMK	1,70	19,60
6696	80	2718	GEN	1,19	40,59
5357	257	3010	AMC, SAM	4,80	56,19
6733	471	3010	TZP	7,00	44,71
6739	148	2055	IPM	2,20	30,49
6715	107	2048	MEM	1,59	30,50
5545	105	1885	ETP	1,89	33,99
NT	NT	NT	CZO	#¡VALOR!	#¡VALOR!
6297	31	3412	CAZ	0,49	54,18
4901	15	2749	CTX, CRO	0,31	56,09
4771	267,176	1474	FOX	5,60	30,89
6958	35	3590	SXT	0,50	51,60
NT	NT	NT	NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!
7018	211	3537	CIP	3,01	50,40
4111	1143	1418	NIT	27,80	34,49
3636	102	607	FOS	2,81	16,69
3150		324	COL		10,29
4266	1288	636	TGC	30,19	14,91
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!
2331		453	CZA		19,43
NT	NT	NT	C/T	#¡VALOR!	#¡VALOR!
2765	25	1659	ATM	0,90	60,00
	SDD	Resistente		SDD	Resistente
6254	163	3290	FEP	2,61	52,61

Enterococcus spp. de origen hospitalario - 2022

Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia			Resistente	Intermedia
1702		666	<i>Enterococcus faecalis</i>	GEH*		39,13
1983		337		STH*		16,99
2762		0		AMP*		0,00
2108	37	27		LNZ	1,76	1,28
2501	2	103		TEC	0,08	4,12
2671	13	103		VAN*	0,49	3,86
NT		NT		DAP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT		TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
665		366		<i>Enterococcus faecium</i>	GEH*	
920		330	STH*			35,87
1166		1025	AMP*			87,91
1102	9	11	LNZ		0,82	1,00
1081	18	777	TEC		1,67	71,88
1147	3	841	VAN*		0,26	73,32
NT		NT	DAP			#¡VALOR!
NT	NT	NT	TGC		#¡VALOR!	#¡VALOR!
2499		1061	<i>Enterococcus spp</i>		GEH*	
3058		687		STH*		22,47
4169		1138		AMP*		27,30
3358	54	45		LNZ	1,61	1,34
3793	22	900		TEC	0,58	23,73
4061	21	969		VAN*	0,52	23,86
NT		NT		DAP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT		TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!

Acinetobacter baumannii de origen hospitalario - 2022

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1950	90	872	AMK	4,62	44,72
1920	150	1402	GEN	7,81	73,02
1824	461	967	SAM	25,27	53,02
1935	14	1720	TZP	0,72	88,89
1965		1745	IPM o MEM		88,80
1810	125	1462	CAZ	6,91	80,77
1924	42	1666	FEP	2,18	86,59
1792	7	1512	SXT	0,39	84,38
1930	2	1698	CIP	0,10	87,98
1004		21	COL		2,09
1604	236	363	MNO	14,71	22,63
NT	NT	NT	TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!

***Pseudomonas aeruginosa* de origen hospitalario - 2022**

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
3847	65	408	AMK	1,69	10,61
3762	94	591	GEN	2,50	15,71
3838	296	622	TZP	7,71	16,21
3857	189	852	IPM	4,90	22,09
3850	235	778	MEM	6,10	20,21
2385	434	281	ATM	18,20	11,78
3718	219	457	CAZ	5,89	12,29
3734	261	418	FEP	6,99	11,19
1947		41	COL		2,11
3833	142	790	CIP	3,70	20,61
1135		39	CZA		3,44
1413	28	49	C/T	1,98	3,47

Glosario de Antimicrobianos		
Sigla	Agente Antimicrobiano	Clase
AMK	Amikacina	Aminoglucósido
GEH	Gentamicina de alta carga	Aminoglucósido
GEN	Gentamicina	Aminoglucósido
STH	Estreptomina de alta carga	Aminoglucósido
AMP	Ampicilina	Betalactámico
OXA	Oxacilina	Betalactámico
PEN	Penicilina	Betalactámico
AMC	Amoxicilina-Ac, Clavulanico	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
SAM	Ampicilina-sulbactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
PTZ	Piperacilina-Tazobactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
CZA	Ceftazidima-Avibactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
C/T	Ceftolozano-Tazobactam	Betalactámico + inhibidores de betalactamasas
IMI	Imipenem	Betalactámico, Carbapenem
MEM	Meropenem	Betalactámico, Carbapenem
ERT	Ertapenem	Betalactámico, Carbapenem
ATM	Aztreonam	Betalactámico, Monobactámico
CFZ	Cefazolina	Cefalosporina, 1ra Generación
CEC	Cefaclor	Cefalosporina, 2da Generación
CXM	Cefuroxima	Cefalosporina, 2da Generación
FOX	Cefoxitina	Cefalosporina, 2da Generación
C3G	Cefalosporinas de tercera genera	Cefalosporina, 3ra Generación
CAZ	Ceftazidima	Cefalosporina, 3ra Generación
CRO	Ceftriaxona	Cefalosporina, 3ra Generación
CTX	Cefotaxima	Cefalosporina, 3ra Generación
FEP	Cefepime	Cefalosporina, 4ta Generación
CPT	Ceftarolina	Cefalosporina, 5ta Generación
CHL	Cloranfenicol	Cloranfenicol
COL	Colistina	Péptido cíclico
DAP	Daptomicina	Lipopéptido cíclico
TMS	Trimethoprima + Sulfametoxazol	Inhibidor de dihidrofolato reductasa + Sulfa
LEV	Levofloxacina	Fluoroquinolona
CIP	Ciprofloxacina	Fluoroquinolona, 2da Generación
FOS	Fosfomicina	Fosfomicina
TEI	Teicoplanina	Glucopéptido
VAN	Vancomicina	Glucopéptido
CLI	Clindamicina	Lincosamida
LNZ	Linezolid	Oxazolidinona
AZI	Azitromicina	Macrólido
ERI	Eritromicina	Macrólido
NIT	Nitrofurantoina	Nitrofurano
RIF	Rifampicina	Rifampicina
DOX	Doxiciclina	Tetraciclina
MIN	Minociclina	Tetraciclina
TET	Tetraciclina	Tetraciclina
TIG	Tigeciclina	Tetraciclina (gliciliciclina)