

MODIFICACIONES DE LA CONFIGURACIÓN DE LAS BASES DE DATOS 2021

En el presente documento se compilan las instrucciones para realizar las modificaciones necesarias para actualizar la configuración Base WHONET 2021:

1. Agregado de los discos de **Avibactam y Clavulánico** para contar con campos para poder cargar los resultados de las **predifusiones rápidas de aztreonam** con dichos inhibidores.
2. Modificación del campo "**Mecanismo de resistencia a carbapenemes**" con la finalidad de poder consignar la detección del doble mecanismo de MBL y KPC por métodos fenotípicos y modificar la definición del código COM:
 - 2.1. Agregar en el diccionario el código NBK, definido como "Combinación de MBL y KPC".
 - 2.2. Cambiar la definición del código COM "Combinación de carbapenemasas" por "Otras combinaciones de carbapenemasas".
3. Recordar agregar el campo "**Fecha de ingreso**" a la base de datos, como se acordó en el Taller WHONET 2018.
4. Recordar agregar el campo "**Sensibilidad COL**" a la base de datos, como se acordó en el Taller WHONET 2019.
5. Recordar que desde el taller WHONET 2019, los campos **metalobetalactamasa** y **serincarbapenemasa** ya no se utilizan para consignar los mecanismos de resistencia a carbapenemes, en lugar de ellos es obligatorio detallar el mecanismo en el campo "**Mecanismo de resistencia a carbapenemes**".
6. Revisar que los halos de **Ceftazidima Avibactam (CZA) con carga 10/4ug** se estén cargando en los campos correctos:
 - **CZA_ED10**: para los que cargan los halos manualmente en WHONET.
 - **CZA_ND10**: para los que cargan los halos en el EpiCenter de Phoenix y convierten luego los datos mediante el backlink.Recuerden que los discos de **CZA (30/20ug)** no son adecuados para informar la sensibilidad a esta droga y si se utilizan no deberían ser analizados a nivel local ni nacional para reportar estadísticas de resistencia a los antimicrobianos. Si los utiliza de todos modos, verifique que no esté cargando equivocadamente los valores obtenidos con los discos CZA (30/20ug) en los campos antes descriptos.

INSTRUCTIVO PARA EL AGREGADO Y MODIFICACIÓN DE CAMPOS RED WHONET-ARGENTINA 2021 (MAYO 2021)

1. AGREGADO DE LOS DISCOS DE AVIBACTAM Y CLAVULÁNICO:

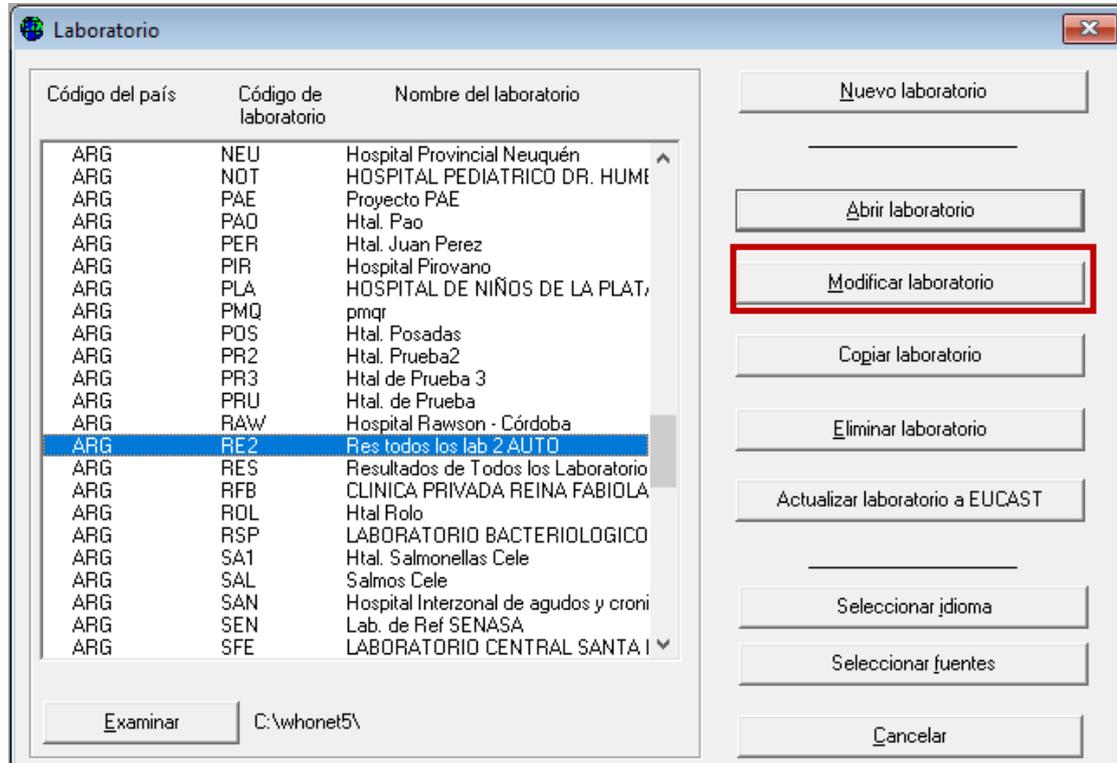
- **AVB_ND (Avibactam CLSI):** Allí se cargará el valor numérico del resultado de la **predifusión** **aztreonam-avibactam**, ver metodología en: <http://antimicrobianos.com.ar/ATB/wp-content/uploads/2021/03/Predifusion-rapida-ATM-AVI.pdf>

Para su interpretación se deben configurar los puntos de corte generales de difusión: **S≥17mm, R≤15mm.**

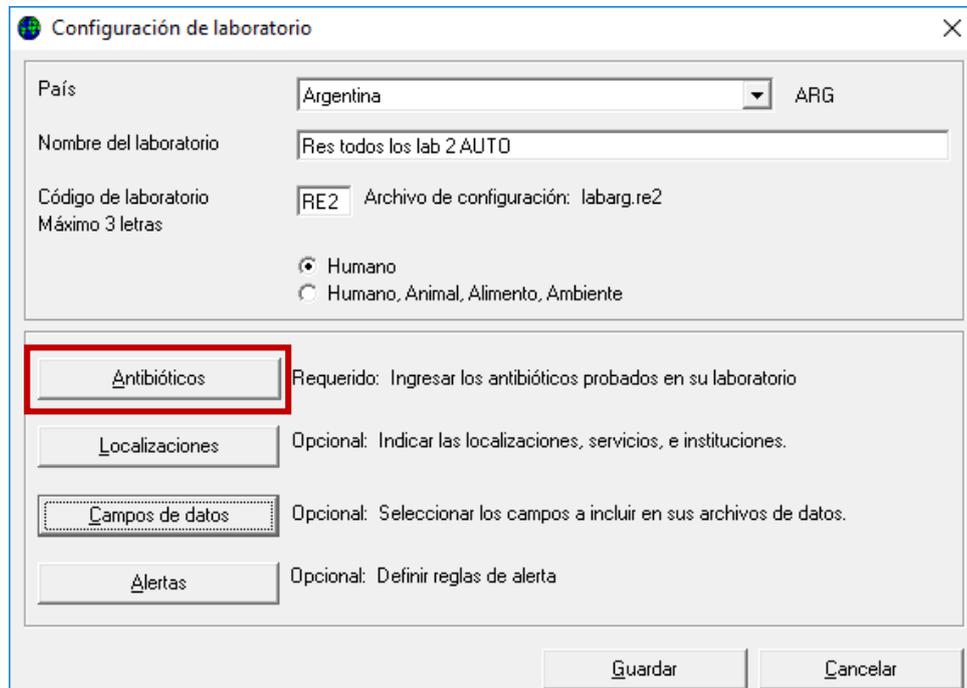
- **CLA_ND (Clavulanic, CLSI):** Allí se cargará el valor numérico del resultado de la **predifusión de aztreonam- ácido clavulánico**, ver metodología en: <http://antimicrobianos.com.ar/ATB/wp-content/uploads/2021/03/Predifusion-rapida-ATM-CLA.pdf>

Para su interpretación se deben configurar los puntos de corte generales de difusión: **S≥22mm, R≤21mm.**

1.1. Abrir el software WHONET seleccionar su laboratorio y presionar el botón “**Modificar laboratorio**”



1.2. En la próxima pantalla presionar el botón “Antibióticos”



Configuración de laboratorio

País: Argentina ARG

Nombre del laboratorio: Res todos los lab 2 AUTO

Código de laboratorio: RE2 Archivo de configuración: labarg.re2
Máximo 3 letras

Humano
 Humano, Animal, Alimento, Ambiente

Antibióticos Requerido: Ingresar los antibióticos probados en su laboratorio

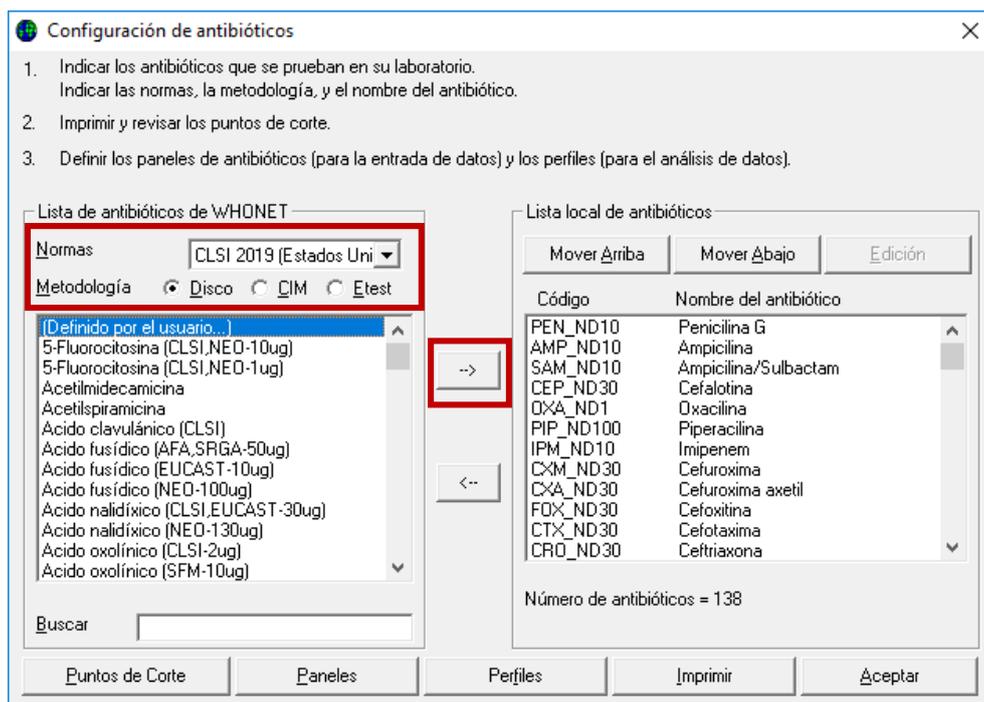
Localizaciones Opcional: Indicar las localizaciones, servicios, e instituciones.

Campos de datos Opcional: Seleccionar los campos a incluir en sus archivos de datos.

Alertas Opcional: Definir reglas de alerta

Guardar Cancelar

1.3. En la siguiente pantalla, debemos asegurarnos la norma seleccionada (CLSI 2019) y la metodología (Disco), luego elegir los siguientes antibióticos: **Ácido Clavulánico (CLSI)** y **Avibactam (CLSI)** de la lista de la izquierda y para cada uno presionar el botón (-->) para pasarlos a nuestra configuración.



Configuración de antibióticos

- Indicar los antibióticos que se prueban en su laboratorio. Indicar las normas, la metodología, y el nombre del antibiótico.
- Imprimir y revisar los puntos de corte.
- Definir los paneles de antibióticos (para la entrada de datos) y los perfiles (para el análisis de datos).

Lista de antibióticos de WHONET

Normas: CLSI 2019 (Estados Uni)

Metodología: Disco CIM Etest

[Definido por el usuario...]
5-Fluorocitosina (CLSI,NEO-10ug)
5-Fluorocitosina (CLSI,NEO-1ug)
Acetilmidecamicina
Acetilspiramicina
Acido clavulánico (CLSI)
Acido fusídico (AFA,SRGA-50ug)
Acido fusídico (EUCAST-10ug)
Acido fusídico (NEO-100ug)
Acido nalidíxico (CLSI,EUCAST-30ug)
Acido nalidíxico (NEO-130ug)
Acido oxolínico (CLSI-2ug)
Acido oxolínico (SFM-10ug)

Buscar: _____

Lista local de antibióticos

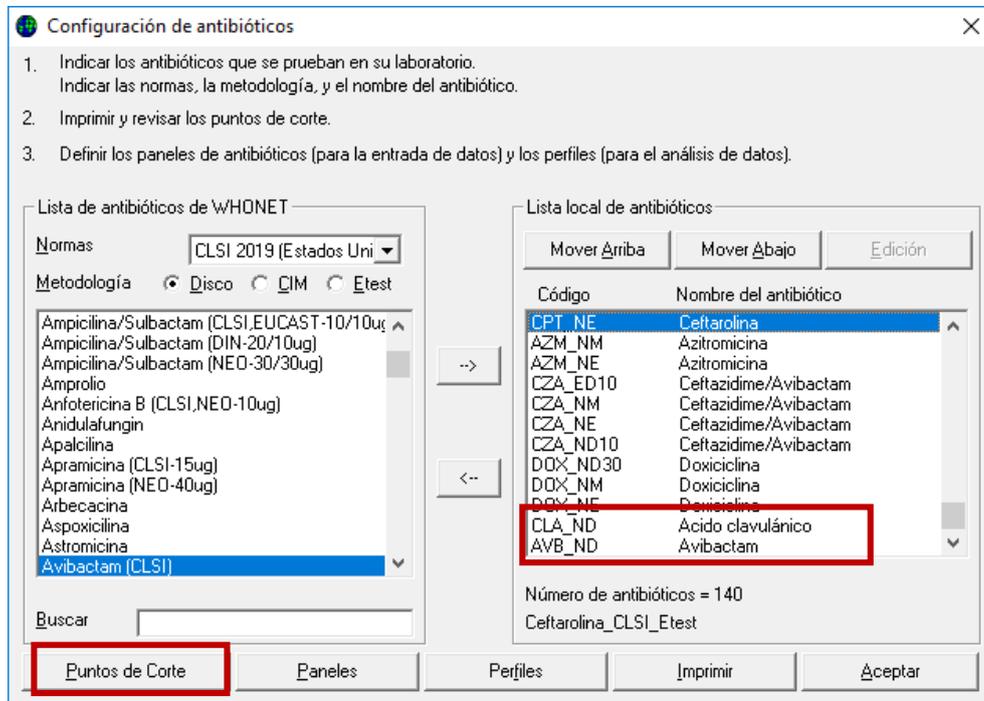
Mover Arriba Mover Abajo Edición

| Código | Nombre del antibiótico |
|-----------|------------------------|
| PEN_ND10 | Penicilina G |
| AMP_ND10 | Ampicilina |
| SAM_ND10 | Ampicilina/Sulbactam |
| CEP_ND30 | Cefalotina |
| OXA_ND1 | Oxacilina |
| PIP_ND100 | Piperacilina |
| IPM_ND10 | Imipenem |
| CXM_ND30 | Cefuroxima |
| CXA_ND30 | Cefuroxima axetil |
| FOX_ND30 | Cefoxitina |
| CTX_ND30 | Cefotaxima |
| CRO_ND30 | Ceftriaxona |

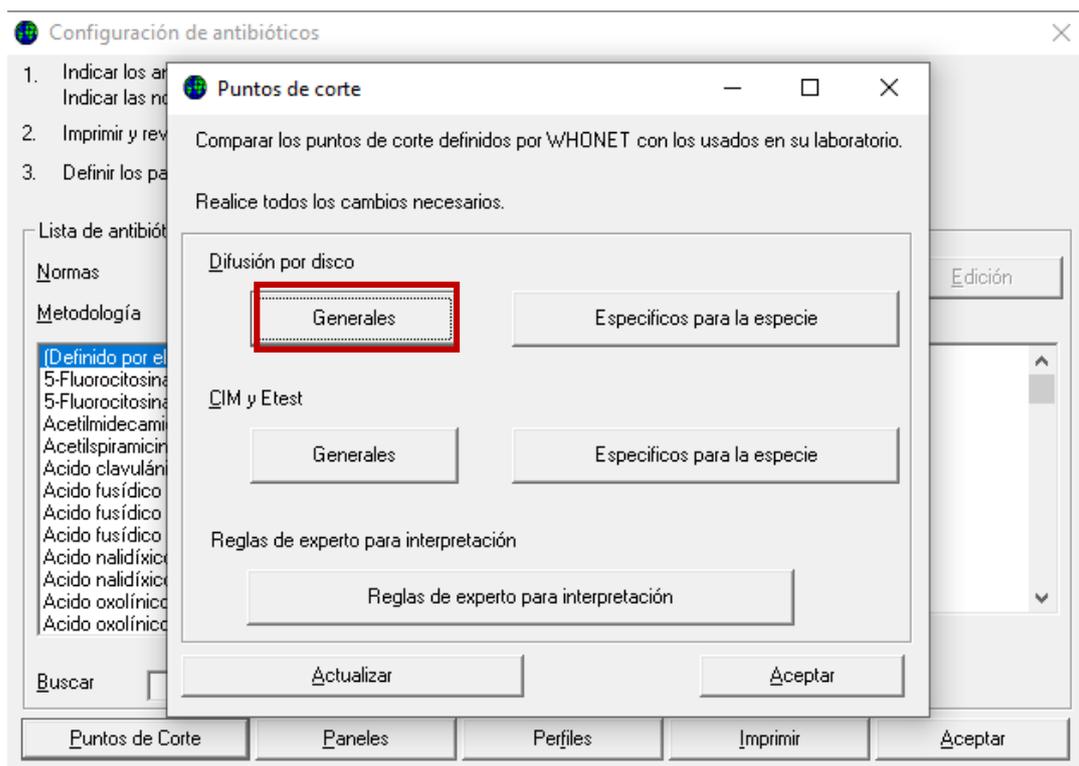
Número de antibióticos = 138

Puntos de Corte Paneles Perfiles Imprimir Aceptar

- 1.4. Si los pasos se realizaron de manera correcta, el listado de la derecha debería tener los nuevos antibióticos al final, como muestra la siguiente pantalla de ejemplo. Luego presionaremos el botón **“Puntos de Corte”** para definirlos.



- 1.5. El paso siguiente será presionar el botón **“Generales”** de la categoría **“Difusión por disco”**, como indica la figura.

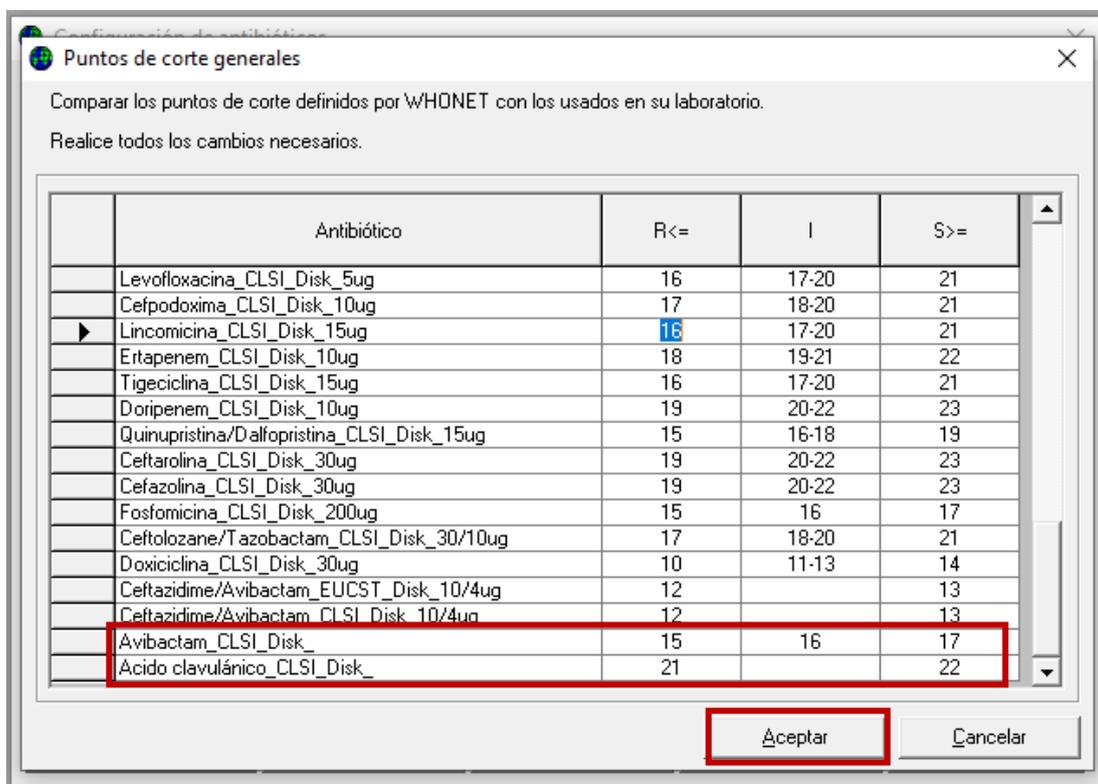


1.6. Cargar los puntos de corte para cada antibiótico según corresponda, como indicamos anteriormente:

- **AVB_ND (Avibactam CLSI):** agregar los puntos de corte de la predifusión rápida **aztreonam-avibactam: S ≥17mm, R ≤ 15mm.**

- **CLA_ND (Clavulanic, CLSI):** agregar los puntos de corte de la predifusión rápida de **aztreonam - ácido clavulánico: S ≥ 22mm, R ≤ 21mm.**

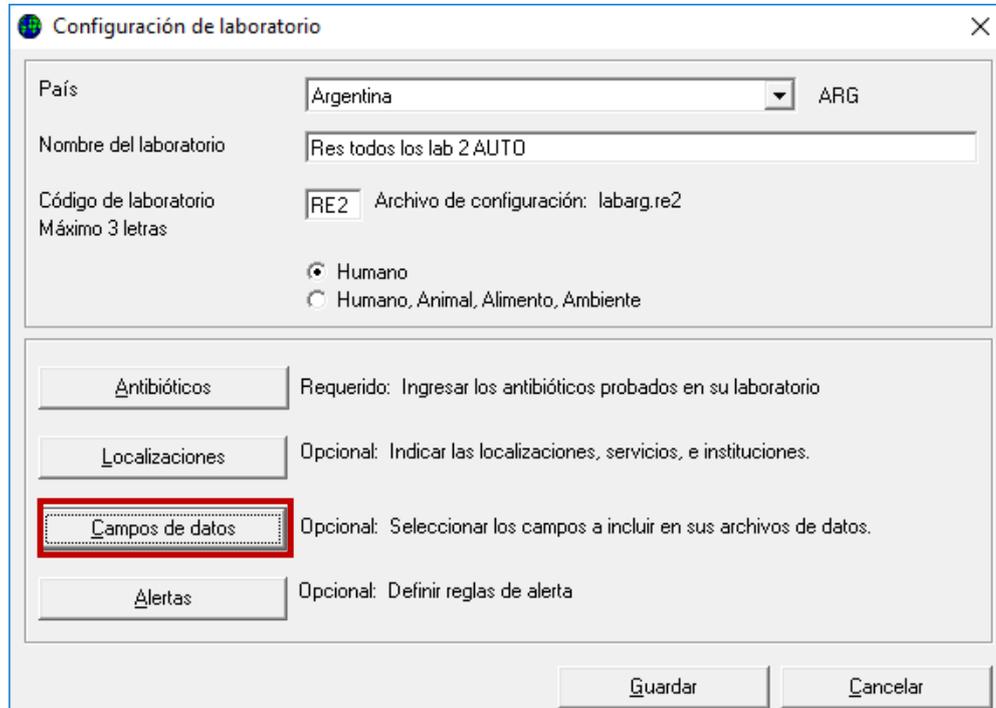
Luego de agregar los puntos de corte para ambos antibióticos presionar el botón **“Aceptar”**.



1.7. Presionar **“Aceptar”** en las pantallas subsiguientes, hasta llegar a la **pantalla principal de configuración de laboratorio.**

2. MODIFICAR OPCIONES EN EL CAMPO “MEC R CARBAPENEMES”:

2.1. Luego de agregar las drogas, en la pantalla principal de configuración, presionar el botón “Campos de datos”



Configuración de laboratorio

País: Argentina ARG

Nombre del laboratorio: Res todos los lab 2 AUTO

Código de laboratorio: RE2 Archivo de configuración: labarg.re2
Máximo 3 letras

Humano
 Humano, Animal, Alimento, Ambiente

Antibióticos Requerido: Ingresar los antibióticos probados en su laboratorio

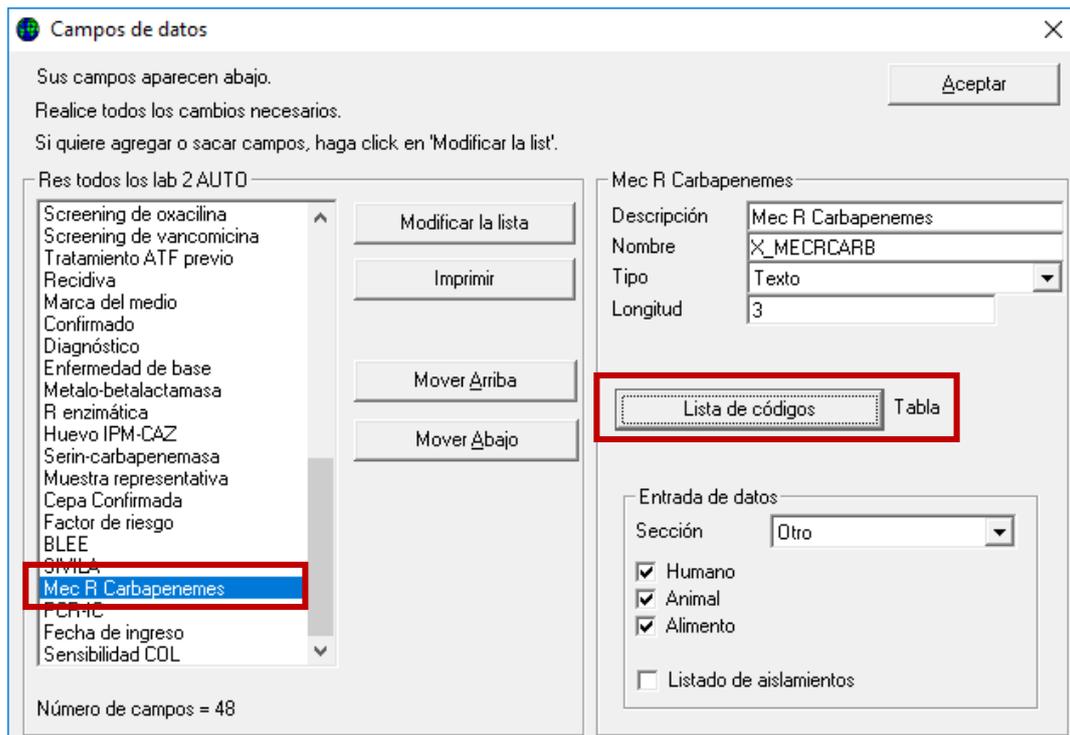
Localizaciones Opcional: Indicar las localizaciones, servicios, e instituciones.

Campos de datos Opcional: Seleccionar los campos a incluir en sus archivos de datos.

Alertas Opcional: Definir reglas de alerta

Guardar Cancelar

2.2. Desplazarse por el listado de la izquierda, hasta encontrar el campo “Mec R Carbapenemes” y seleccionarlo, para luego presionar el botón “Lista de códigos”



Campos de datos

Sus campos aparecen abajo.
Realice todos los cambios necesarios.
Si quiere agregar o sacar campos, haga click en 'Modificar la list'.

Res todos los lab 2 AUTO

Screening de oxacilina
Screening de vancomicina
Tratamiento ATF previo
Recidiva
Marca del medio
Confirmado
Diagnóstico
Enfermedad de base
Metalò-betalactamasa
R enzimática
Huevo IPM-CAZ
Serin-carbapenemasa
Muestra representativa
Cepa Confirmada
Factor de riesgo
BLEE
SIMLA
Mec R Carbapenemes
PCHIC
Fecha de ingreso
Sensibilidad COL

Modificar la lista
Imprimir
Mover Arriba
Mover Abajo

Mec R Carbapenemes

Descripción: Mec R Carbapenemes
Nombre: X_MECCARB
Tipo: Texto
Longitud: 3

Lista de códigos Tabla

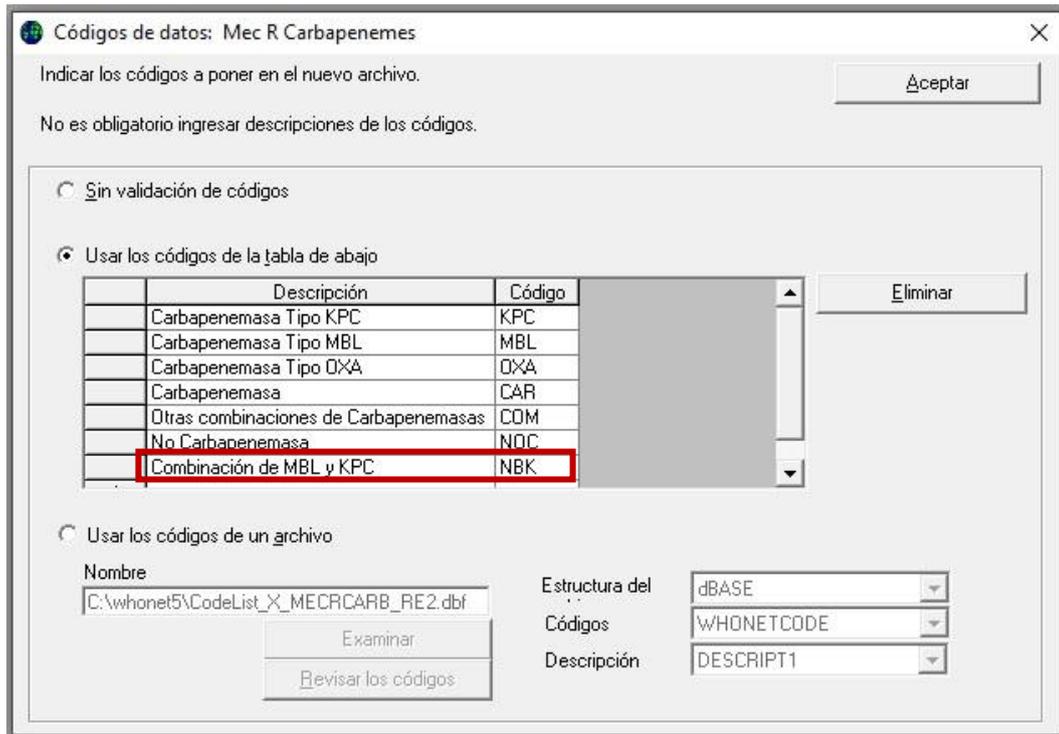
Entrada de datos
Sección: Otro

Humano
 Animal
 Alimento
 Listado de aislamientos

Número de campos = 48

Aceptar

2.3. En la pantalla de la lista de códigos agregar en descripción "**Combinación de MBL y KPC**" y código "**NBK**"



Códigos de datos: Mec R Carbapenemes

Indicar los códigos a poner en el nuevo archivo. Aceptar

No es obligatorio ingresar descripciones de los códigos.

Sin validación de códigos

Usar los códigos de la tabla de abajo

| Descripción | Código |
|---------------------------------------|--------|
| Carbapenemasa Tipo KPC | KPC |
| Carbapenemasa Tipo MBL | MBL |
| Carbapenemasa Tipo OXA | OXA |
| Carbapenemasa | CAR |
| Otras combinaciones de Carbapenemasas | COM |
| No Carbapenemasa | NOC |
| Combinación de MBL y KPC | NBK |

Eliminar

Usar los códigos de un archivo

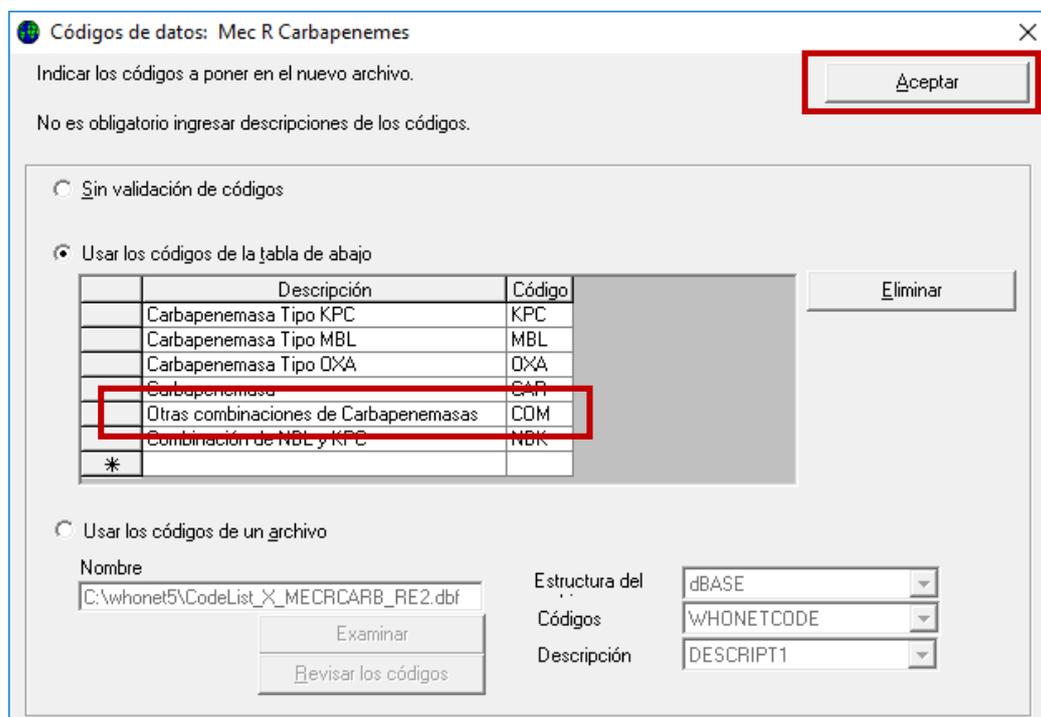
Nombre: Examinar

Estructura del: Revisar los códigos

Códigos:

Descripción:

2.4. También se debe modificar la descripción "Combinación de Carbapenemasas" por "**Otras combinaciones de Carbapenemasas**" manteniendo el mismo código "COM", Luego presionar el botón "**Aceptar**"



Códigos de datos: Mec R Carbapenemes

Indicar los códigos a poner en el nuevo archivo. Aceptar

No es obligatorio ingresar descripciones de los códigos.

Sin validación de códigos

Usar los códigos de la tabla de abajo

| Descripción | Código |
|---------------------------------------|--------|
| Carbapenemasa Tipo KPC | KPC |
| Carbapenemasa Tipo MBL | MBL |
| Carbapenemasa Tipo OXA | OXA |
| Carbapenemasa | CAR |
| Otras combinaciones de Carbapenemasas | COM |
| Combinación de MBL y KPC | NBK |
| * | |

Eliminar

Usar los códigos de un archivo

Nombre: Examinar

Estructura del: Revisar los códigos

Códigos:

Descripción:

2.5. En la próxima pantalla presionar nuevamente "**Aceptar**"

Campos de datos

Sus campos aparecen abajo.
Realice todos los cambios necesarios.
Si quiere agregar o sacar campos, haga click en 'Modificar la list'.

Res todos los lab 2 AUTO

- Screening de oxacilina
- Screening de vancomicina
- Tratamiento ATF previo
- Recidiva
- Marca del medio
- Confirmado
- Diagnóstico
- Enfermedad de base
- Metalo-beta lactamasa
- R enzimática
- Huevo IPM-CAZ
- Serin-carbapenemasa
- Muestra representativa
- Cepa Confirmada
- Factor de riesgo
- BLEE
- SIMILA
- Mec R Carbapenemes**
- PCR-IC
- Fecha de ingreso
- Sensibilidad COL

Número de campos = 48

Mec R Carbapenemes

Descripción: Mec R Carbapenemes
Nombre: X_MECCARB
Tipo: Texto
Longitud: 3

Lista de códigos: Tabla

Entrada de datos

Sección: Otro

Humano
 Animal
 Alimento
 Listado de aislamientos

Aceptar

2.6. Por último y muy importante presionar el botón **“GUARDAR”** para salvar los cambios realizados.

Configuración de laboratorio

País: Argentina ARG

Nombre del laboratorio: Res todos los lab 2 AUTO

Código de laboratorio: RE2 Archivo de configuración: labarg.re2
Máximo 3 letras

Humano
 Humano, Animal, Alimento, Ambiente

Antibióticos Requerido: Ingresar los antibióticos probados en su laboratorio

Localizaciones Opcional: Indicar las localizaciones, servicios, e instituciones.

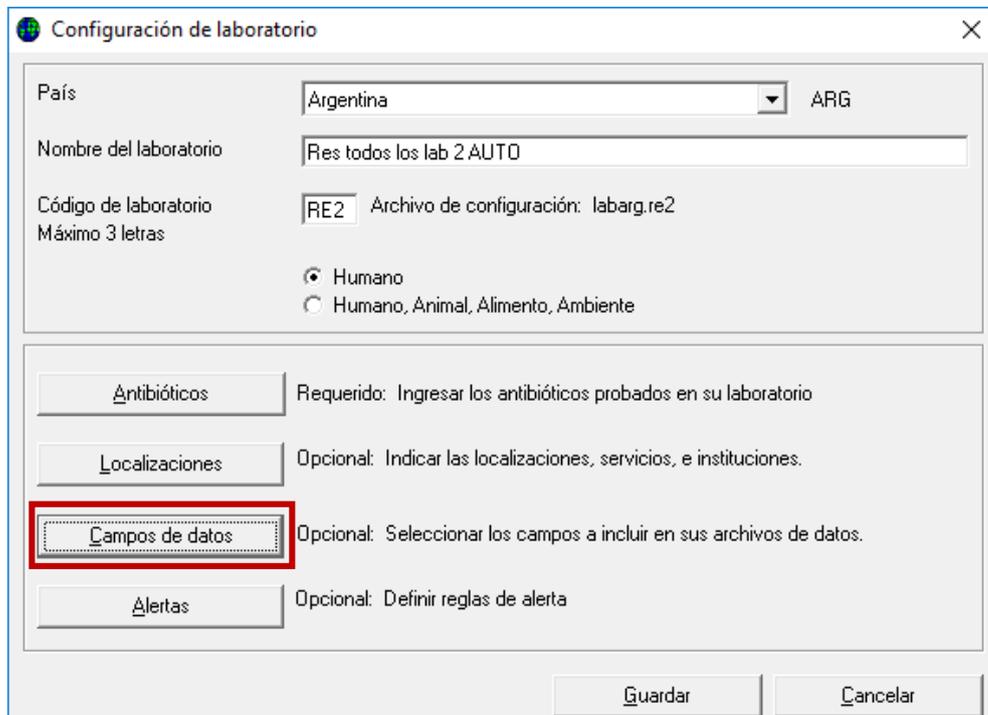
Campos de datos Opcional: Seleccionar los campos a incluir en sus archivos de datos.

Alertas Opcional: Definir reglas de alerta

Guardar Cancelar

3. Agregar campo Fecha de ingreso (DATE_ADMIS), si no se realizó anteriormente.

3.1. Hacer clic en el botón “Campos de datos”



Configuración de laboratorio

País: Argentina ARG

Nombre del laboratorio: Res todos los lab 2 AUTO

Código de laboratorio: RE2 Archivo de configuración: labarg.re2
Máximo 3 letras

Humano
 Humano, Animal, Alimento, Ambiente

Antibióticos: Requerido: Ingresar los antibióticos probados en su laboratorio

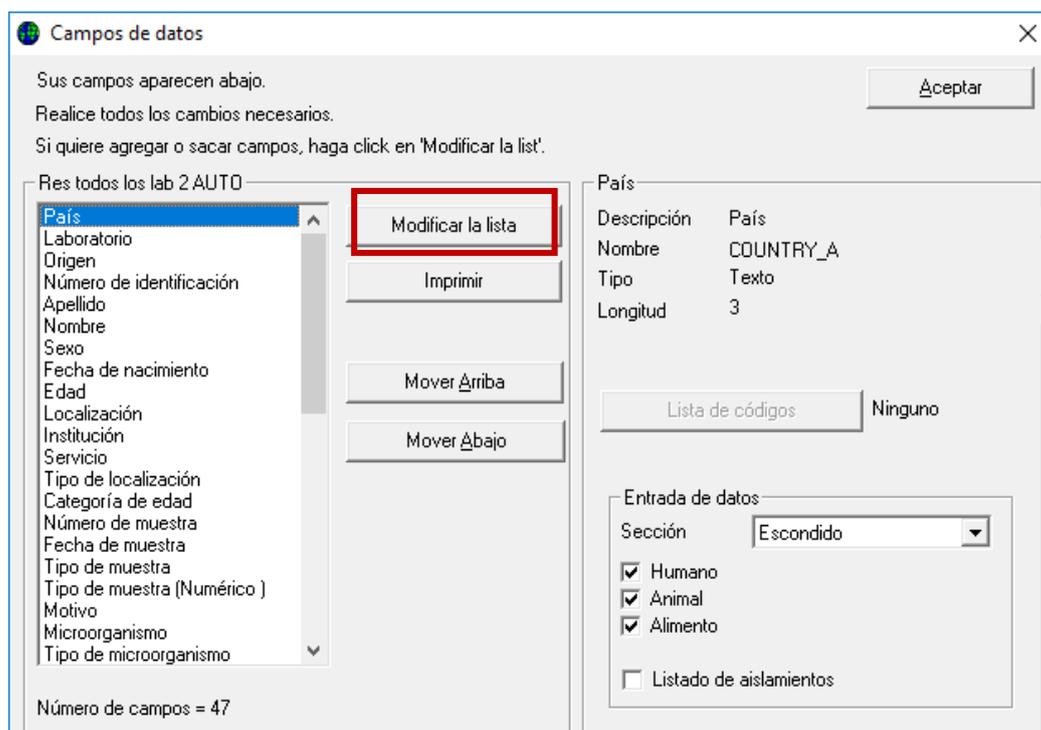
Localizaciones: Opcional: Indicar las localizaciones, servicios, e instituciones.

Campos de datos: Opcional: Seleccionar los campos a incluir en sus archivos de datos.

Alertas: Opcional: Definir reglas de alerta

Guardar Cancelar

3.2. En la próxima pantalla presionar el botón “Modificar la lista”



Campos de datos

Sus campos aparecen abajo.
Realice todos los cambios necesarios.
Si quiere agregar o sacar campos, haga click en 'Modificar la list'.

Res todos los lab 2 AUTO

País

| Descripción | País |
|-------------|-----------|
| Nombre | COUNTRY_A |
| Tipo | Texto |
| Longitud | 3 |

Lista de códigos: Ninguno

Entrada de datos: Sección: Escondido

Humano
 Animal
 Alimento
 Listado de aislamientos

Número de campos = 47

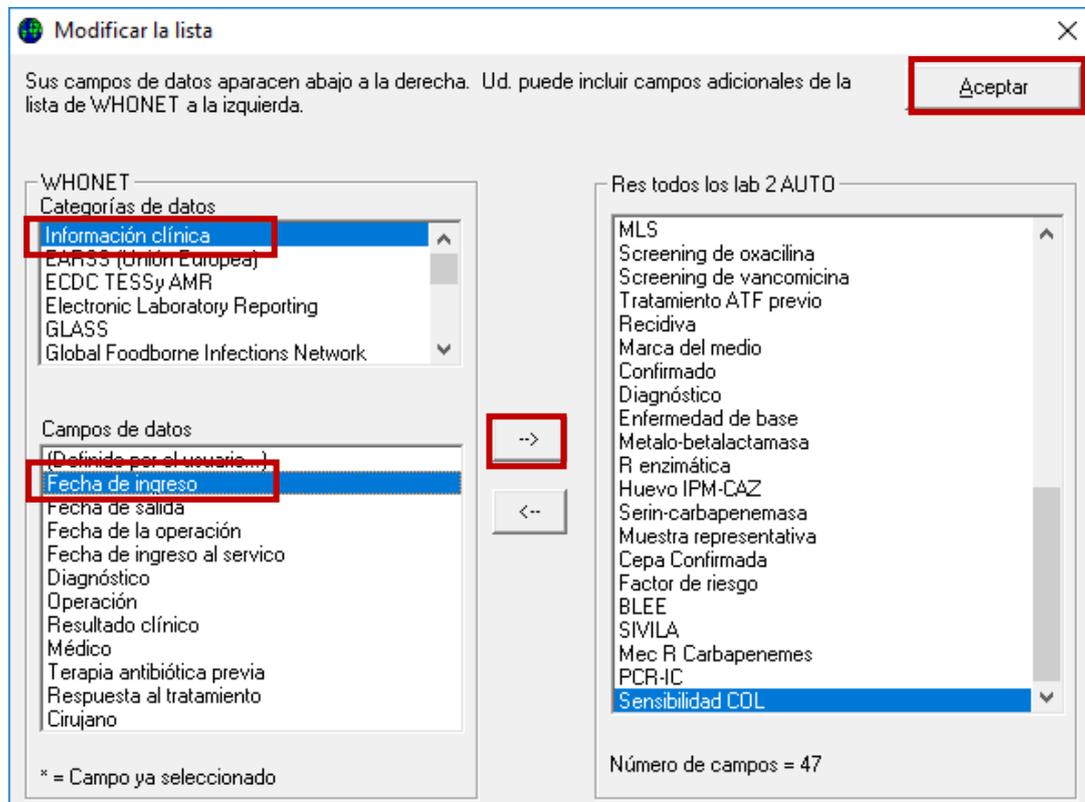
Modificar la lista

Imprimir

Mover Arriba

Mover Abajo

3.3. Luego seleccionar en el cuadro Categoría de datos la opción “**Información Clínica**” y el cuadro Campos de datos “**Fecha de ingreso**”, por ultimo presionar la flecha hacia la derecha para agregar el campo a nuestra configuración y presionar el botón “**Aceptar**”.



3.4. En la próxima pantalla presionar el botón “**Aceptar**”, y en la pantalla principal de configuración hacer clic en el botón “**GUARDAR**”, para salvar el cambio realizado.

4. Agregar campo **SENSIBILIDAD COL (X_SENCOL)**, si no se realizó anteriormente.

Creación del campo **SENSIBILIDAD COL**: En este campo se incluirán los resultados de los métodos aceptados para la evaluación de la sensibilidad a colistín. (Ver <http://antimicrobianos.com.ar/2017/09/desafios-en-los-metodos-de-evaluacion-de-la-sensibilidad-a-polimixinas-colistinapolimixina-b/>). La finalidad del mismo es cargar sólo el resultado de los métodos aceptados por el LNR, no se cargarán aquí los resultados de métodos cuestionados por su gran cantidad de errores (difusión con discos, Vitek2C, Phoenix o método epsilométrico, estos resultados se siguen cargando en los campos habituales).

Las opciones de llenado del campo serán:

- **S (sensible) o R (resistente)**: Se cargarán los resultados de interpretación de Microscan, Sensititre, Elución con discos, Dilución en agar, macro o microdilución en caldo y predifusión. La presencia de crecimiento (más de dos colonias) en Agar Spot, Col Brit o Colistín Drop se cargan como “R” y la ausencia de desarrollo se considera (o presencia de una colonia) “S”.

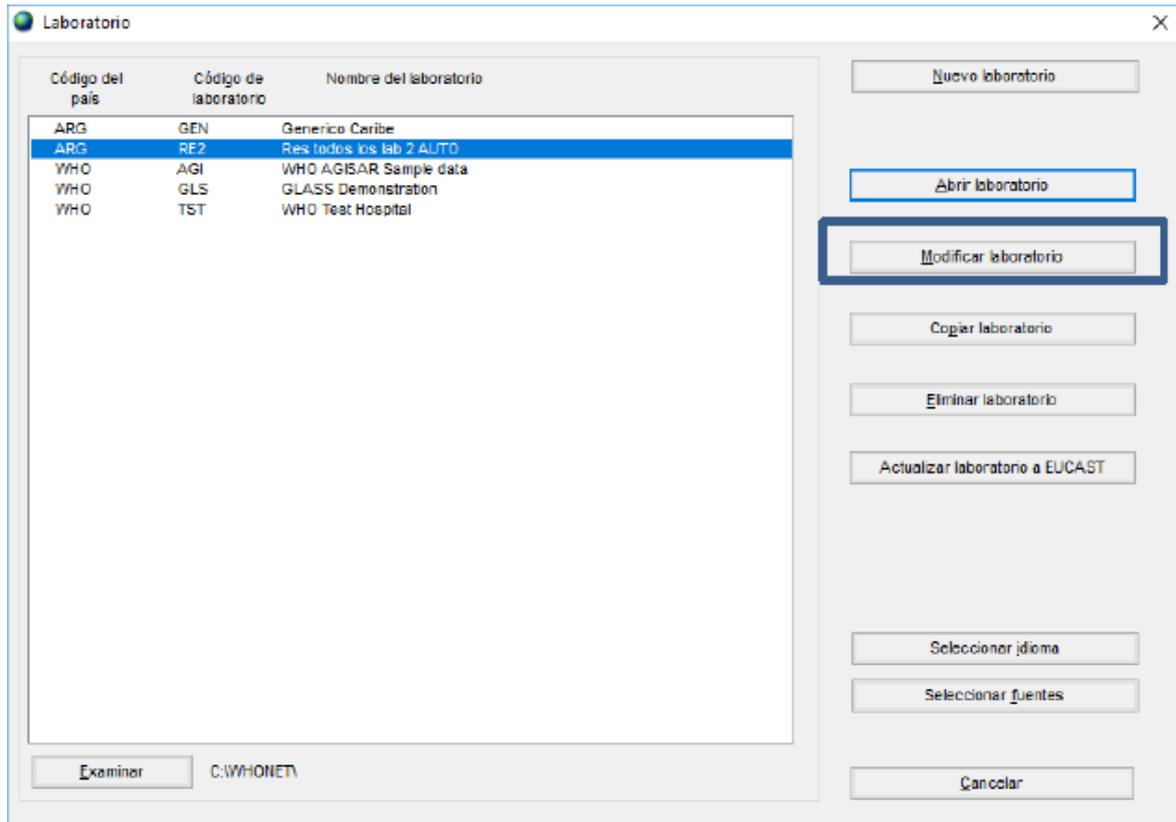
- I: Para las situaciones indeterminadas de las técnicas de elución, micro o macrodilución en caldo (ej: crecimiento en tubos/pocillos salteados) o los intermedios de la predifusión.

4.1. Crear el campo de Sensibilidad COL y agregar las posibles respuestas. Para realizar esta acción se detalla a continuación el procedimiento:

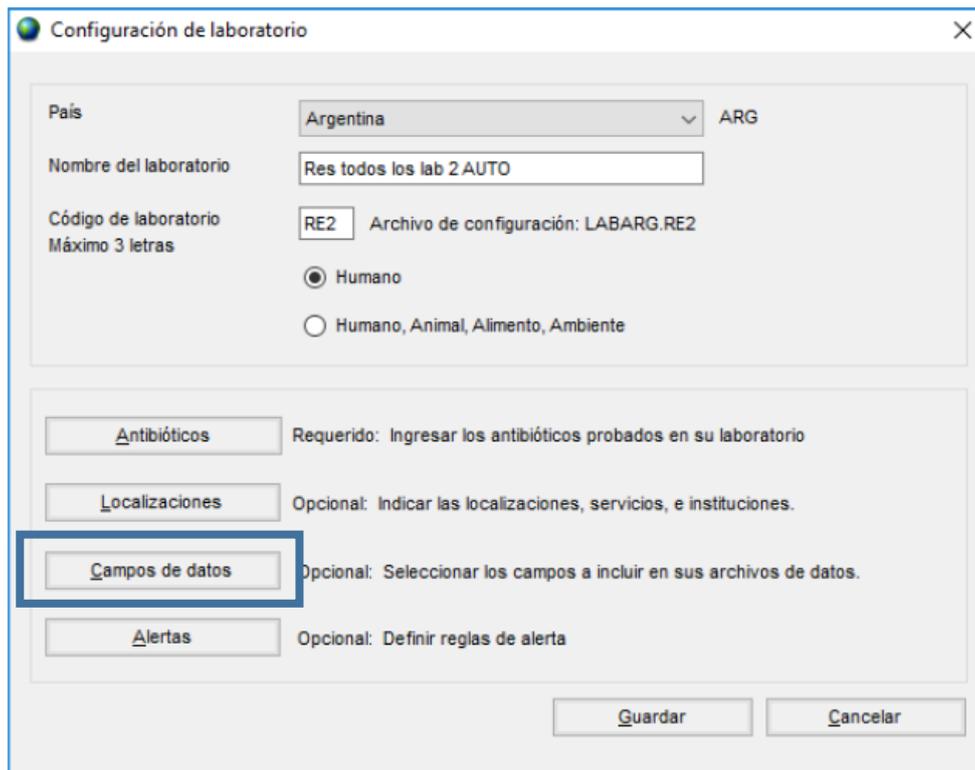
- Abrir el Programa WHONET

- Seleccionar su laboratorio

- En el menú principal superior, elegir la opción Archivo y dentro de esta “**Modificar el laboratorio**”



4.2. En la siguiente ventana elegir la opción “Campos de Datos”



Configuración de laboratorio

País: Argentina ARG

Nombre del laboratorio: Res todos los lab 2 AUTO

Código de laboratorio: RE2 Archivo de configuración: LABARG.RE2
Máximo 3 letras

Humano
 Humano, Animal, Alimento, Ambiente

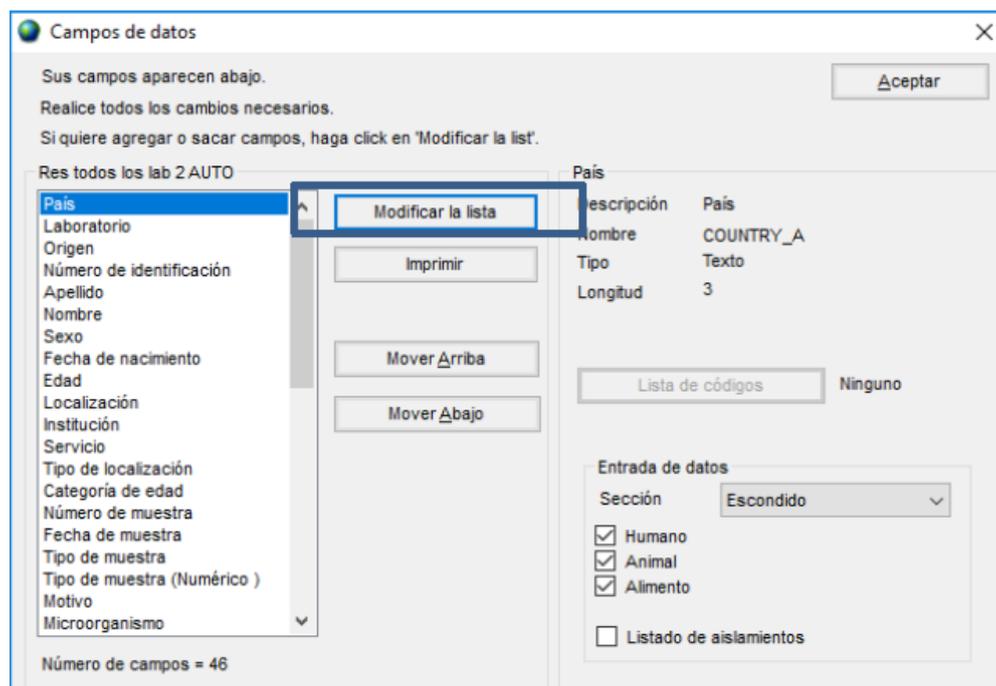
Requerido: Ingresar los antibióticos probados en su laboratorio

Opcional: Indicar las localizaciones, servicios, e instituciones.

Opcional: Seleccionar los campos a incluir en sus archivos de datos.

Opcional: Definir reglas de alerta

4.3. En la próxima ventana elegir la opción “Modificar la lista”



Campos de datos

Sus campos aparecen abajo.
Realice todos los cambios necesarios.
Si quiere agregar o sacar campos, haga click en 'Modificar la lista'.

Res todos los lab 2 AUTO

País

| Descripción | País |
|-------------|-----------|
| Nombre | COUNTRY_A |
| Tipo | Texto |
| Longitud | 3 |

Ninguno

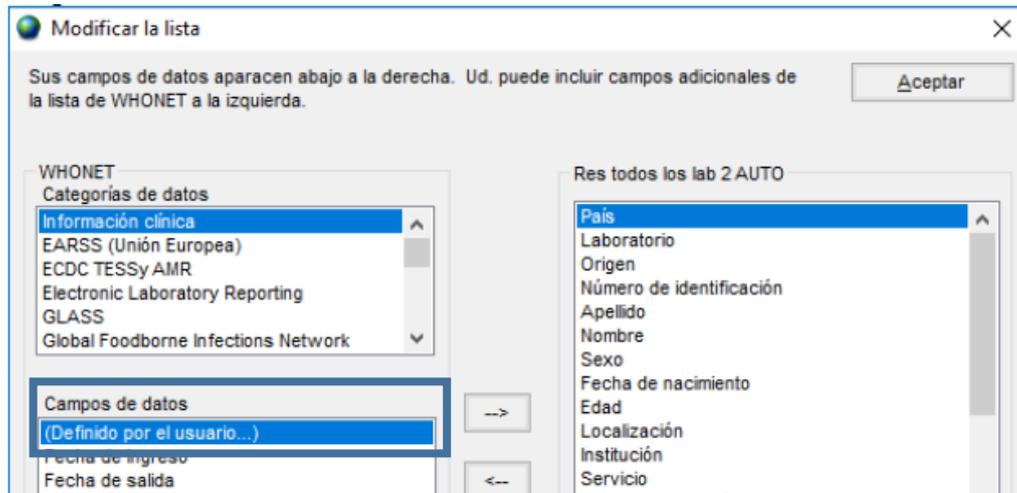
Entrada de datos

Sección: Escondido

Humano
 Animal
 Alimento
 Listado de aislamientos

Número de campos = 46

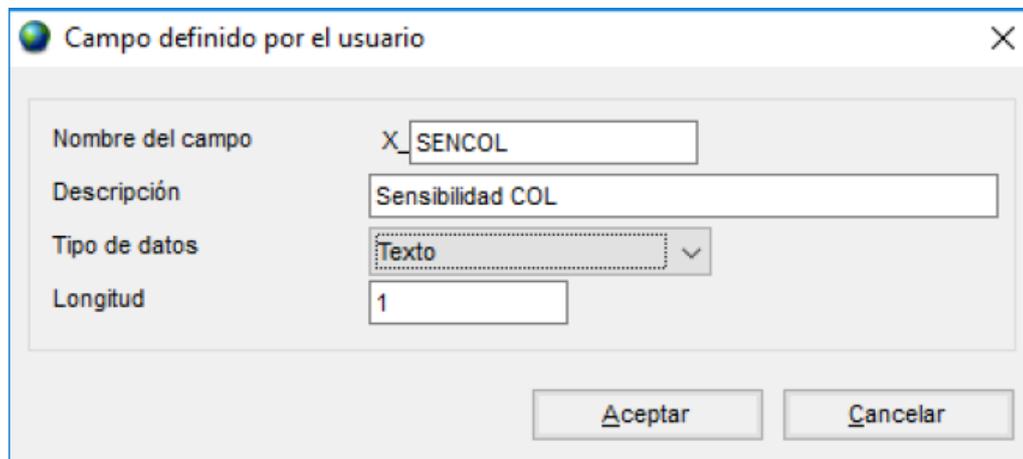
4.4. A continuación hacer doble clic en la opción “**Definido por el usuario**” dentro del área “**Campos de datos**”



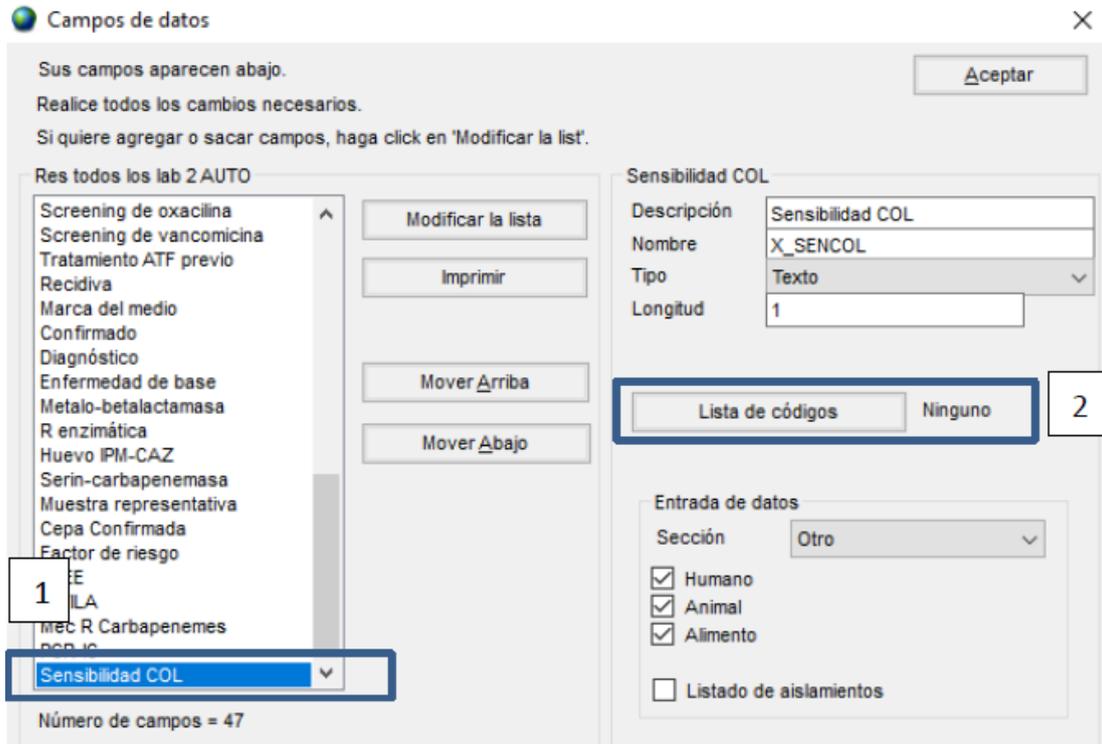
4.5. En este paso prestar mucha atención para completar los siguientes campos:

- Nombre de campo: **SENCOL** (WHONET agrega automáticamente “X_” quedando “X_SENCOL”)
- Descripción: **Sensibilidad COL**
- Tipo de datos: **Texto**
- Longitud: **1**

Presionar “**Aceptar**” y nuevamente “**Aceptar**” en la próxima pantalla.



- 4.6. En la ventana campos de datos, **(1)** ubicar el campo recientemente creado “Sensibilidad COL” (se encuentra al final del listado) y seleccionarlo. **(2)** Presionar el botón “Lista de códigos”



- 4.7. En la ventana siguiente elegir la opción “Usar los código de la tabla de abajo”. Se habilita la tabla donde debemos completar las siguientes opciones:

| Descripción | Código |
|-------------|--------|
| Resistente | R |
| Intermedio | I |
| Sensible | S |

Códigos de datos: Sensibilidad COL

Indicar los códigos a poner en el nuevo archivo. Aceptar

No es obligatorio ingresar descripciones de los códigos.

Sin validación de códigos

Usar los códigos de la tabla de abajo

| | Descripción | Código | Eliminar |
|---|-------------|--------|----------|
| | Resistente | R | |
| | Intermedio | I | |
| | Sensible | S | |
| * | | | |

Usar los códigos de un archivo

Nombre: C:\WHONET\Codes\CodeList_X_SENCOLO_RE2.dbf Examinar

Revisar los códigos

File structure: dBASE

Códigos: WHONETCODE

Description: DESCRIPT1

4.8. A continuación presionar **“Aceptar”**, nuevamente **“Aceptar”** en la ventana de **“lista de campos”**. Por último presionar en **“Guardar”**, para salvar los cambios realizados.