

INFORME ANUAL DE LA VIGILANCIA DE LA RESISTENCIA A LOS ANTIMICROBIANOS

AÑO	2016	
PAÍS	ARGENTINA	
Nombre de la Institución que reporta	Servicio Antimicrobianos - INEI - ANLIS "Dr. C. G. Malbrán"	
Red WHONET - Argentina	Grupo responsable	LNR Antimicrobianos: Alejandra Corso, Celeste Lucero, Ezequiel Tuduri, Fernando Pasteran, Alejandra Menocal, Juan Manuel de Mendieta
	Correo electrónico	acorso@anlis.gob.ar, clucero@anlis.gob.ar, etuduri@anlis.gob.ar, fpasteran@gmail.com, amenocal@anlis.gob.ar, jmdemendieta@anlis.gob.ar
	Teléfono	+54-11-43032812
Red SIREVA II - Argentina	Grupo responsable	LNR Antimicrobianos: Alejandra Corso, Paula Gagetti, Celeste Lucero, Alejandra Menocal, Juan de Mendieta. LNR Bacteriología Clínica: Jonathan Zintgraff, Nahuel Sanchez Eluchans, Adriana Efron, Claudia Lara.
Programa Nacional de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG)	Grupo responsable	Red Nacional de Infecciones de Transmisión Sexual - Servicio de Infecciones de transmisión sexual: Patricia Galarza, Martin Vacchino.

Evaluación externa del desempeño de los participantes de la Red

Especies enviadas para la evaluación del desempeño

Laboratorios Tipo A	1er. semestre	2do. semestre
Mayor complejidad	<i>Plesiomonas shigelloides</i>	<i>Staphylococcus aureus</i>
Red Nacional de Vigilancia de la Resistencia a los Antimicrobianos WHONET-ARGENTINA (N= 90 Laboratorios)	<i>Cronobacter sakazakii</i>	<i>Moraxella lacunata</i>
	<i>Acinetobacter ursingii</i>	<i>Vibrio cholerae</i>

Evaluación del desempeño de las instituciones participantes

Concordancia de resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos

Diagnóstico microbiológico	Nº	%
Género y especie correctos	380	84,3
Género correcto	25	5,5
Género correcto y especie incorrecta	31	6,9
Género incorrecto	15	3,3
Nº total de identificaciones	451	

Tamaño del halo del antibiograma	Nº	%
Dentro del rango de referencia	1748	91,3
Fuera del rango de referencia	167	8,7
Nº total de halos de inhibición	1915	

Interpretación del resultado del antibiograma *	Laboratorio de referencia Nº (Esperado)	Laboratorio clínico Nº (Informado)	Laboratorio clínico Nº (Informado correctamente)	%
Sensible	1632	1625	1617	99,5
Resistente	523	527	515	97,7
Intermedio	4	5	4	80,0
Nº total de resultados de antibiograma	2159	2157	2136	99,0

Errores de interpretación	Nº	%
Menor	1	0,0
Grave	12	0,6
Muy grave	8	0,4
No total de errores de interpretación	21	1,0

NOTA: Ubicarse en cada casilla con el ratón en la pestaña roja y aparecerá el comentario de que dato insertar, el cálculo es automático

* Interpretación del resultado del antibiograma

En esta parte, se debe colocar la información sobre la concordancia de los resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos que se evaluaron. Por favor, coloque aquí solo el número de pruebas que coincidieron con el resultado esperado por el laboratorio nacional de referencia. Ej.: de acuerdo a las cepas enviadas y al nro de laboratorios participantes de la encuesta el laboratorio de referencia espera un total de 100 interpretaciones "sensible" pero solo 90 interpretaciones fueron recibidas. De estas 90, 80 fueron correctamente informadas como "sensible". Por lo tanto, los números a reportar serían: 100 (esperado), 90 (informado), 80 (informado correctamente). Por favor, no incluir en "informado correctamente" los resultados "sensible" que fueron reportados erróneamente para antibióticos cuyo resultado esperado es "intermedio" o "resistente". Proceder de la misma manera para las interpretaciones de "resistente" e "intermedio".

Errores de interpretación

ERROR MENOR: Definido como un resultado intermedio que se informa erróneamente como susceptible o resistente o un resultado sensible o resistente se informa erróneamente como intermedio.

ERROR GRAVE: Definido como un resultado sensible que se informa erróneamente como resistente.

ERROR MUY GRAVE: Definido como un resultado resistente que se informa erróneamente como sensible.

Laboratorios Tipo B	1er. semestre	2do. semestre
Menor complejidad	<i>Plesiomonas shigelloides</i>	<i>Staphylococcus aureus</i>
Programa Nacional de Control de Calidad en Bacteriología (PCC-NAC); NO WHONET (N= 315 Laboratorios)	<i>Cronobacter sakazakii</i>	<i>Moraxella lacunata</i>
	<i>Acinetobacter ursingii</i>	<i>Vibrio cholerae</i>

Evaluación del desempeño de las instituciones participantes

Concordancia de resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos

Diagnóstico microbiológico	Nº	%
Género y especie correctos	1190	79,1
Género correcto	120	8,0
Género correcto y especie incorrecta	48	3,2
Género incorrecto	147	9,8
Nº total de identificaciones	1505	

Tamaño del halo del antibiograma	Nº	%
Dentro del rango de referencia	6158	86,5
Fuera del rango de referencia	960	13,5
Nº total de halos de inhibición	7118	

Interpretación del resultado del antibiograma *	Laboratorio de referencia Nº (Esperado)	Laboratorio clínico Nº (Informado)	Laboratorio clínico Nº (Informado correctamente)	%
Sensible	5474	5444	5398	99,2
Resistente	1817	1822	1768	97,0
Intermedio	23	46	23	50,0
Nº total de resultados de antibiograma	7314	7312	7189	98,3

Errores de interpretación	Nº	%
Menor	23	0,3
Grave	54	0,7
Muy grave	46	0,6
No total de errores de interpretación	123	1,7

NOTA: Ubicarse en cada casilla con el ratón en la pestaña roja y aparecerá el comentario de que dato insertar, el cálculo es automático

* Interpretación del resultado del antibiograma

En esta parte, se debe colocar la información sobre la concordancia de los resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos que se evaluaron. Por favor, coloque aquí solo el número de pruebas que coincidieron con el resultado esperado por el laboratorio nacional de referencia. Ej.: de acuerdo a las cepas enviadas y al nro de laboratorios participantes de la encuesta el laboratorio de referencia espera un total de 100 interpretaciones "sensible" pero solo 90 interpretaciones fueron recibidas. De estas 90, 80 fueron correctamente informadas como "sensible". Por lo tanto, los números a reportar serían: 100 (esperado), 90 (informado), 80 (informado correctamente). Por favor, no incluir en "informado correctamente" los resultados "sensible" que fueron reportados erróneamente para antibióticos cuyo resultado esperado es "intermedio" o "resistente". Proceder de la misma manera para las interpretaciones de "resistente" e "intermedio".

Errores de interpretación

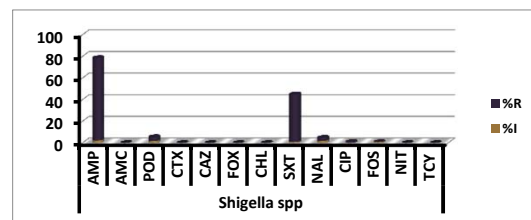
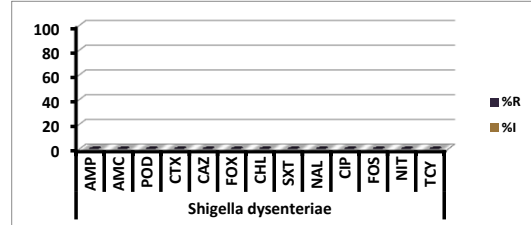
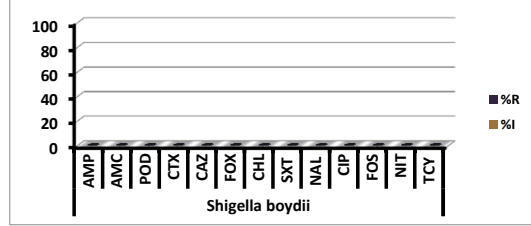
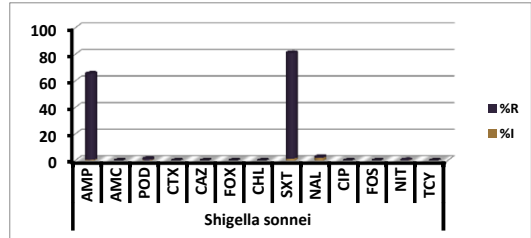
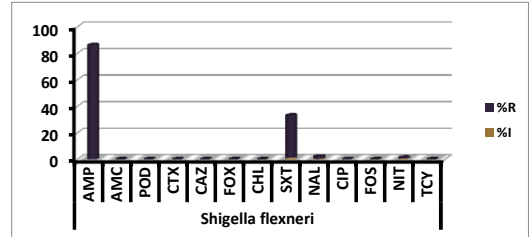
ERROR MENOR: Definido como un resultado intermedio que se informa erróneamente como susceptible o resistente o un resultado sensible o resistente se informa erróneamente como intermedio.

ERROR GRAVE: Definido como un resultado sensible que se informa erróneamente como resistente.

ERROR MUY GRAVE: Definido como un resultado resistente que se informa erróneamente como sensible.

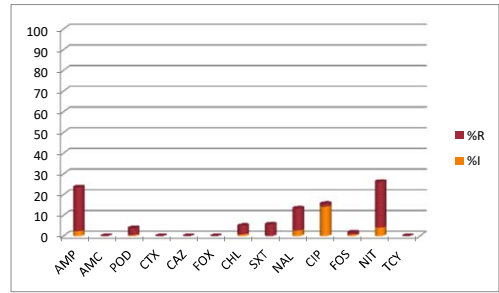
Shigella spp. de origen comunitario

Total N°	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje		
	Intermedio	Resistente			Intermedio	Resistente	
1520	0	1310	<i>Shigella flexneri</i>	AMP	0,00	86,18	
NT	NT	NT		AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
1501	1	3		POD	0,07	0,00	
NT	NT	NT		CTX	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
1513	21	479		SXT	1,39	31,66	
1495	7	26		NAL	0,47	1,74	
1491	0	2		CIP	0,00	0,13	
1283	0	0		FOS	0,00	0,00	
1496	12	5		NIT	0,80	0,33	
NT	NT	NT		TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
545	3	354		<i>Shigella sonnei</i>	AMP	0,55	64,95
NT	NT	NT			AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
523	2	5	POD		0,38	0,96	
NT	NT	NT	CTX		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	CAZ		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	FOX		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	CHL		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
541	8	431	SXT		1,48	79,67	
531	11	4	NAL		2,07	0,75	
519	0	0	CIP		0,00	0,00	
528	0	0	FOS		0,00	0,00	
528	1	1	NIT		0,19	0,19	
NT	NT	NT	TCY		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	<i>Shigella boydii</i>		AMP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT		POD	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CTX	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		SXT	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		NAL	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CIP	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		FOS	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		NIT	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		<i>Shigella dysenteriae</i>	AMP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT			AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	POD		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	CTX		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	CAZ		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	FOX		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	CHL		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	SXT		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	NAL		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	CIP		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	FOS		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	NIT		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	TCY		#¡VALOR!	#¡VALOR!	
131	3	100	<i>Shigella spp</i>		AMP	2,29	76,34
NT	NT	NT			AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
109	2	4		POD	1,83	3,67	
NT	NT	NT		CTX	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CAZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		FOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
120	1	53		SXT	0,83	44,17	
103	2	3		NAL	1,94	2,91	
111	0	1		CIP	0,00	0,90	
120	1	0		FOS	0,83	0,00	
96	0	0		NIT	0,00	0,00	
NT	NT	NT		TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!	

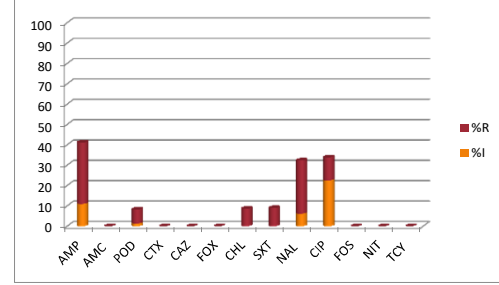


Salmonella por serotipos de origen comunitario

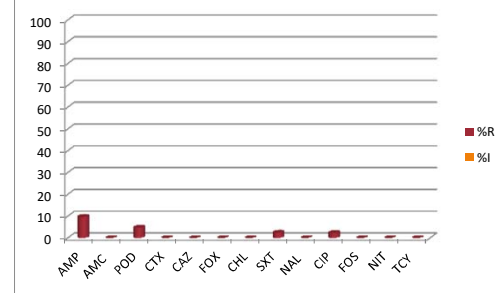
Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
spp	382	9	81	AMP	2,36	21,20
	NT	NT	NT	AMC	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	367	2	12	POD	0,54	3,27
	NT	NT	NT	CTX	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	CAZ	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	222	2	9	CHL	0,90	4,05
	372	0	21	SXT	0,00	5,65
	366	10	39	NAL	2,73	10,66
	379	54	5	CIP	14,25	1,32
	287	2	3	FOS	0,70	1,05
	172	7	38	NIT	4,07	22,09
	NT	NT	NT	TCY	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!



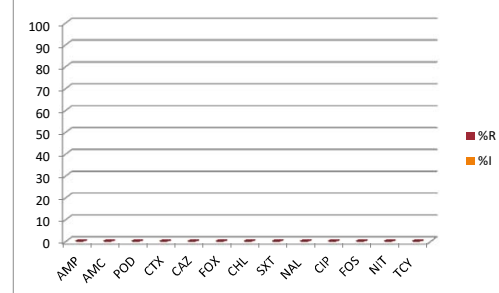
Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Tiphymurium	73	8	22	AMP	10,96	30,14
	NT	NT	NT	AMC	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	73	1	5	POD	1,37	6,85
	NT	NT	NT	CTX	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	CAZ	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	58	0	5	CHL	0,00	8,62
	67	0	6	SXT	0,00	8,96
	65	4	17	NAL	6,15	26,15
	71	16	8	CIP	22,54	11,27
	66	0	0	FOS	0,00	0,00
	NT	NT	NT	NIT	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!



Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Enteritidis	41	0	4	AMP	0,00	9,76
	NT	NT	NT	AMC	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	42	0	2	POD	0,00	4,76
	NT	NT	NT	CTX	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	CAZ	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	35	0	0	CHL	0,00	0,00
	40	0	1	SXT	0,00	2,50
	38	0	0	NAL	0,00	0,00
	42	0	1	CIP	0,00	2,38
	35	0	0	FOS	0,00	0,00
	NT	NT	NT	NIT	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#_¡VALOR!	#_¡VALOR!

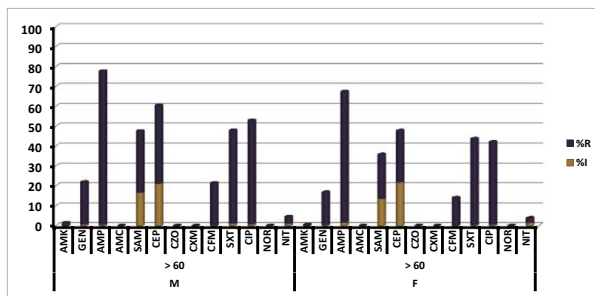
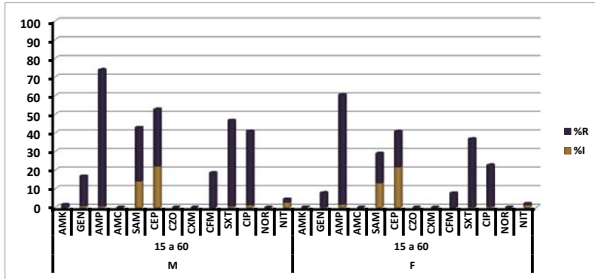
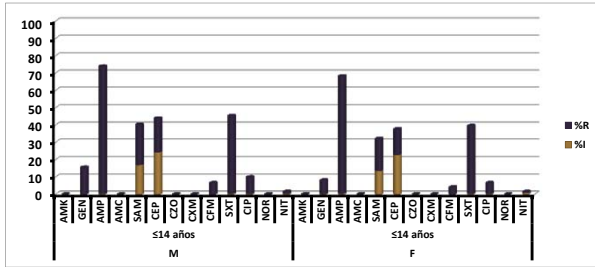


Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
				AMP	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				AMC	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				POD	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				CTX	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				CAZ	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				FOX	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				CHL	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				SXT	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				NAL	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				CIP	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				FOS	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				NIT	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!
				TCY	#_¡DIV/0!	#_¡DIV/0!



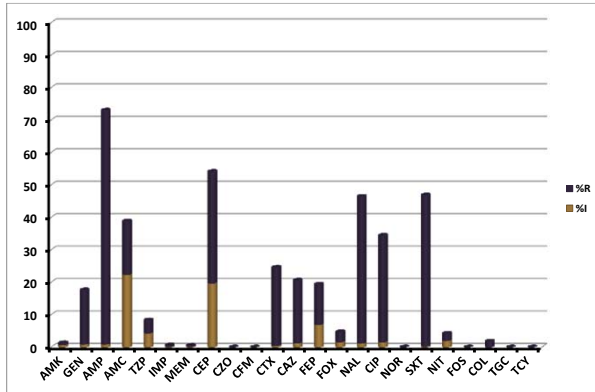
Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario

Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje			
	N°	Intermedia				Resistente	Intermedia	Resistente	
272	0	0	M	≤14 años	AMK	0,00	0,00		
271	0	42			GEN	0,00	15,50		
750	3	551			AMP	0,40	73,47		
NT	NT	NT			AMC	#,VALORI	#,VALORI		
726	124	168			SAM	17,08	23,14		
614	150	119			CEP	24,43	19,38		
NT	NT	NT			CZO	#,VALORI	#,VALORI		
38	NT	NT			CMX	#,VALORI	#,VALORI		
722	0	47			CFM	0,00	6,51		
736	5	328			SXT	0,68	44,57		
755	4	71			CIP	0,53	9,40		
NT	NT	NT			NOR	#,VALORI	#,VALORI		
744	4	7			NIT	0,54	0,94		
2334	0	1			AMK	0,00	0,04		
2341	5	183			GEN	0,21	7,82		
6216	42	4193			AMP	0,68	67,45		
NT	NT	NT			AMC	#,VALORI	#,VALORI		
6041	829	1108			SAM	13,72	18,34		
5100	1170	747	CEP	22,94	14,65				
NT	NT	NT	CZO	#,VALORI	#,VALORI				
NT	NT	NT	CMX	#,VALORI	#,VALORI				
5986	0	242	CFM	0,00	4,04				
6116	34	2383	SXT	0,56	38,96				
6251	32	376	CIP	0,51	6,02				
NT	NT	NT	NOR	#,VALORI	#,VALORI				
6191	64	26	NIT	1,03	0,42				
276	0	4	M	15 a 60	AMK	0,00	1,45		
281	3	44			GEN	1,07	15,66		
721	6	526			AMP	0,83	72,95		
NT	NT	NT			AMC	#,VALORI	#,VALORI		
452	93	186			SAM	14,26	28,53		
555	123	169			CEP	22,16	30,45		
NT	NT	NT			CZO	#,VALORI	#,VALORI		
NT	NT	NT			CMX	#,VALORI	#,VALORI		
666	0	123			CFM	0,00	18,47		
701	6	321			SXT	0,86	45,79		
740	10	293			CIP	1,35	39,59		
NT	NT	NT			NOR	#,VALORI	#,VALORI		
658	19	10			NIT	2,89	1,52		
3608	1	3			AMK	0,03	0,08		
3646	9	277			GEN	0,25	7,60		
9797	172	5744			AMP	1,76	58,63		
NT	NT	NT			AMC	#,VALORI	#,VALORI		
9512	1267	1483			SAM	13,32	15,59		
7800	1702	1471	CEP	21,82	18,86				
NT	NT	NT	CZO	#,VALORI	#,VALORI				
NT	NT	NT	CMX	#,VALORI	#,VALORI				
9136	0	694	CFM	0,00	7,60				
9442	44	3424	SXT	0,47	36,26				
9927	74	2173	CIP	0,75	21,89				
9292	129	63	NOR	1,39	0,68				
219	0	3	M	> 60	AMK	0,00	1,37		
219	2	46			GEN	0,91	21,00		
561	4	431			AMP	0,71	76,83		
NT	NT	NT			AMC	#,VALORI	#,VALORI		
522	88	160			SAM	16,86	30,65		
454	92	177			CEP	21,37	38,99		
NT	NT	NT			CZO	#,VALORI	#,VALORI		
NT	NT	NT			CMX	#,VALORI	#,VALORI		
518	0	111			CFM	0,00	21,43		
565	7	263			SXT	1,24	46,55		
575	6	298			CIP	1,04	51,83		
NT	NT	NT			NOR	#,VALORI	#,VALORI		
501	6	16			NIT	1,20	3,19		
663	0	3			F	> 60	AMK	0,00	0,45
663	4	107					GEN	0,60	16,14
1780	32	1166					AMP	1,80	65,51
NT	NT	NT					AMC	#,VALORI	#,VALORI
1683	230	371					SAM	13,67	22,04
1420	312	365	CEP	21,97			25,70		
NT	NT	NT	CZO	#,VALORI			#,VALORI		
NT	NT	NT	CMX	#,VALORI			#,VALORI		
1574	0	220	CFM	0,00			13,98		
1730	10	745	SXT	0,58			43,06		
1796	13	741	CIP	0,72			41,26		
NT	NT	NT	NOR	#,VALORI			#,VALORI		
1666	27	37	NIT	1,62			2,22		



Escherichia coli, de origen hospitalario

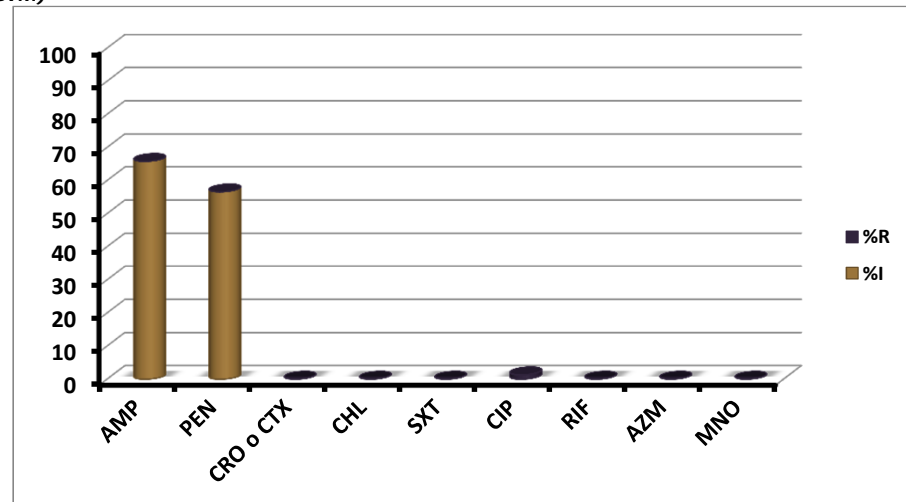
Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
3514	25	21	AMK	0,71	0,60
3673	33	613	GEN	0,90	16,69
3812	34	2748	AMP	0,89	72,09
2012	449	332	AMC	22,32	16,50
3503	151	140	TZP	4,31	4,00
3552	7	14	IMP	0,20	0,39
3503	4	14	MEM	0,11	0,40
2783	548	957	CEP	19,69	34,39
NT	NT	NT	CZO	#,VALORI	#,VALORI
NT	NT	NT	CFM	#,VALORI	#,VALORI
3794	19	913	CTX	0,50	24,06
3406	44	657	CAZ	1,29	19,29
3097	215	384	FEP	6,94	12,40
2836	46	87	FOX	1,62	3,07
3741	45	1691	NAL	1,20	45,20
3997	64	1311	CIP	1,60	32,80
NT	NT	NT	NOR	#,VALORI	#,VALORI
3898	12	1813	SXT	0,31	46,51
2900	58	64	NIT	2,00	2,21
NT	NT	NT	FOS	#,VALORI	#,VALORI
1697	0	30	COL	0,00	1,77
NT	NT	NT	TGC	#,VALORI	#,VALORI
NT	NT	NT	TCY	#,VALORI	#,VALORI



Neisseria meningitidis de origen comunitario - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

Total N°	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
76	50	0	AMP	65,79	0,00
76	43	0	PEN	56,58	0,00
76	0	0	CRO o CTX	0,00	0,00
76	0	0	CHL	0,00	0,00
76	0	0	SXT	0,00	0,00
76	0	1	CIP	0,00	1,32
76	0	0	RIF	0,00	0,00
76	0	0	AZM	0,00	0,00
76	0	0	MNO	0,00	0,00

N° aislamientos no sensibles



Staphylococcus spp de origen comunitario

Total	N°		Especie	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente			Intermedio	Resistente
2330	90	326	<i>S. aureus</i>	GEN	3,86	13,99
NT	NT	NT		OXA	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
1887	0	952		FOX	0,00	50,45
2366	1	64		SXT	0,04	2,70
2172	63	126		CIP	2,90	5,80
1882	0	0		TEC	0,00	0,00
2157	0	0		VAN	0,00	0,00
2309	12	333		CLI	0,52	14,42
2310	41	464		ERI	1,77	20,09
2295	14	48		RIF	0,61	2,09
NT	NT	NT		CHL	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
2015	0	0		LNZ	0,00	0,00
2098	7	12		MNO	0,33	0,57
NT	NT	NT		DOX	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
1214	2	19		TCY	0,16	1,57
1339	24	133		GEN	1,79	9,93
NT	NT	NT		OXA	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
1513	0	498		FOX	0,00	32,91
1618	23	192		SXT	1,42	11,87
1529	32	165		CIP	2,09	10,79
566	3	0	TEC	0,53	0,00	
769	3	0	VAN	0,39	0,00	
790	6	158	CLI	0,76	20,00	
792	20	342	ERI	2,53	43,18	
798	4	32	RIF	0,50	4,01	
NT	NT	NT	CHL	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!	
764	0	0	LNZ	0,00	0,00	
752	2	8	MNO	0,27	1,06	
NT	NT	NT	DOX	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!	
516	4	65	TCY	0,78	12,60	

VAN solo por CIM

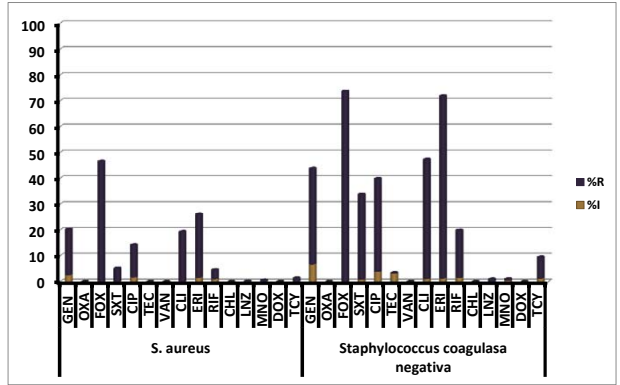
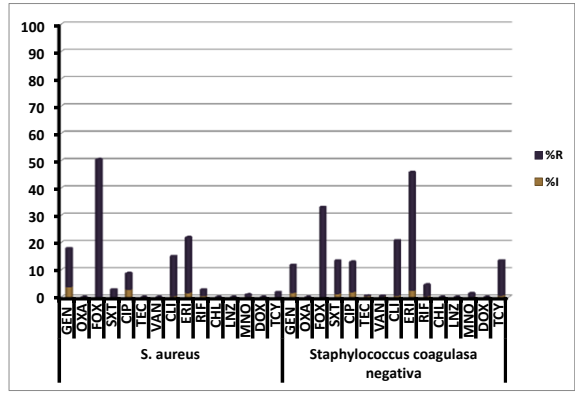
Ceftarolina y *S. aureus* (n=1294): Sensible: 98,4%, Intermedio: 1,6%, Resistente: 0%

Staphylococcus spp de origen hospitalario

Total	N°		Especie	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente
2196	61	383	<i>S. aureus</i>	GEN	2,78	17,44
NT	NT	NT		OXA	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
1625	0	756		FOX	0,00	46,52
2174	3	109		SXT	0,14	5,01
1708	32	210		CIP	1,87	12,30
1712	0	0		TEC	0,00	0,00
2091	0	0		VAN	0,00	0,00
2201	5	420		CLI	0,23	19,08
2200	39	534		ERI	1,77	24,27
2188	26	74		RIF	1,19	3,38
NT	NT	NT		CHL	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
2006	0	3		LNZ	0,00	0,15
2088	6	5		MNO	0,29	0,24
NT	NT	NT		DOX	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
1506	1	19		TCY	0,07	1,26
4130	286	1523		GEN	6,92	36,88
NT	NT	NT		OXA	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!
2602	2	1915		FOX	0,08	73,60
4151	42	1361		SXT	1,01	32,79
3281	132	1174		CIP	4,02	35,78
2902	97	0	TEC	3,34	0,00	
3886	0	0	VAN	0,00	0,00	
4018	49	1851	CLI	1,22	46,07	
4081	60	2872	ERI	1,47	70,37	
4056	66	741	RIF	1,63	18,27	
NT	NT	NT	CHL	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!	
3767	0	35	LNZ	0,00	0,93	
3887	25	13	MNO	0,64	0,33	
NT	NT	NT	DOX	# ₁ VALOR!	# ₁ VALOR!	
2488	36	199	TCY	1,45	8,00	

VAN solo por CIM

Ceftarolina y *S. aureus* (n=1183): Sensible: 97,7%, Intermedio: 2,4%, Resistente: 0%



Neisseria gonorrhoeae de origen comunitario

El estándar oro para la vigilancia de la susceptibilidad a los antimicrobianos en *N. gonorrhoeae* es la determinación de la concentración inhibitoria mínima sea por el método de dilución en agar o por la utilización de tiras de gradiente (p ej. E-test, Mice, Liofilichem). Teniendo en cuenta que muchos países se encuentran en proceso de implementación de la metodología para determinar la CIM, se consideraran los datos provenientes de la difusión por discos, hasta que la metodología de vigilancia sea implementada. Para aquellos países que tengan implementada las dos metodologías sólo deberá cargar los datos de CIM

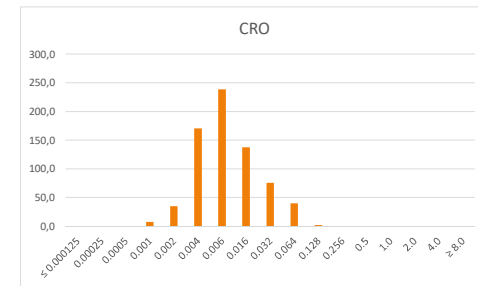
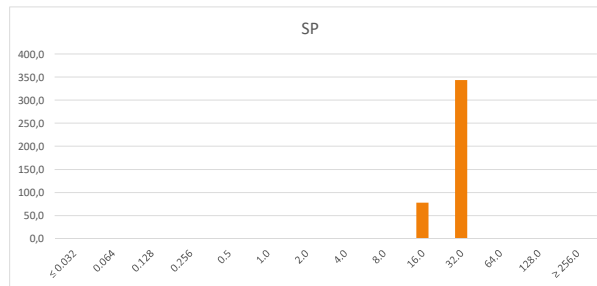
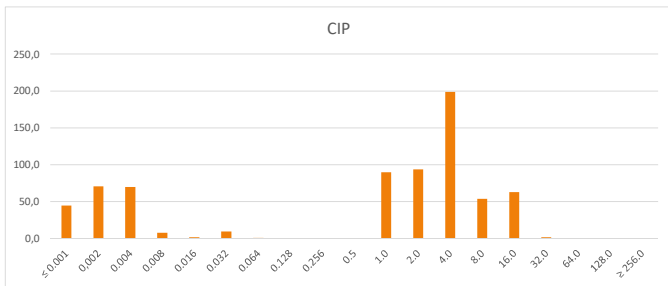
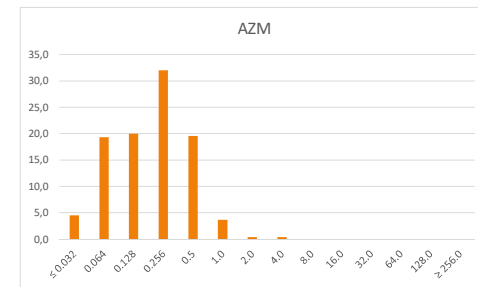
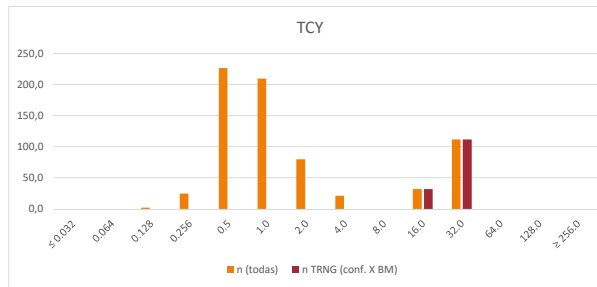
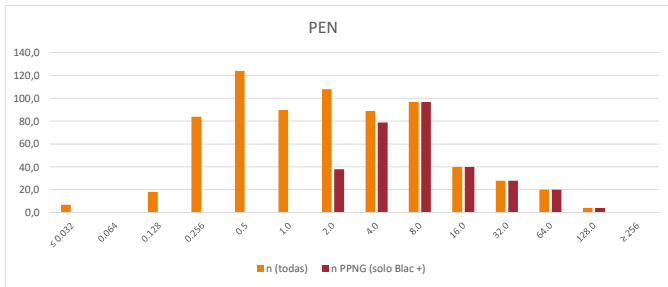
Prueba de Concentración Inhibitoria Mínima (CIM)

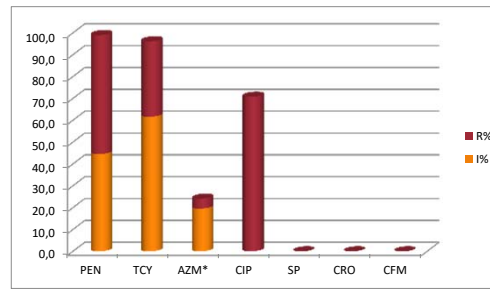
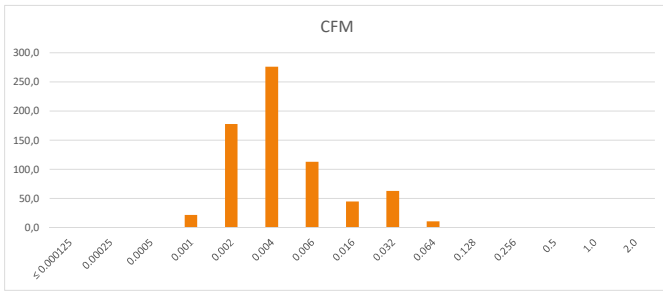
Método utilizado: Dilución en agar [X] E-test []

ANTIMICROBIANO	n	CONCENTRACIÓN INHIBITORIA MÍNIMA (µg/mL)																S	I	R
		Número de aislamientos incluidos en cada dilución de CIM (n)																		
PEN		≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0					
n (todas)	709	7,0	0,0	18,0	84,0	124,0	90,0	108,0	89,0	97,0	40,0	28,0	20,0	4,0	0,0					
%	100	1,0	0,0	2,5	11,8	17,5	12,7	15,2	12,6	13,7	5,6	3,9	2,8	0,6	0,0					
n PPNG (solo Blac +)	306	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	38,0	79,0	97,0	40,0	28,0	20,0	4,0	0,0					
%	100	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	12,4	25,8	31,7	13,1	9,2	6,5	1,3	0,0					
TCY		≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0					
n (todas)	709	0,0	0,0	2,0	25,0	227,0	210,0	80,0	21,0	0,0	32,0	112,0	0,0	0,0	0,0					
%	100	0,0	0,0	0,3	3,5	32,0	29,6	11,3	3,0	0,0	4,5	15,8	0,0	0,0	0,0					
n TRNG (conf. X BM)	144	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	32,0	112,0	0,0	0,0	0,0					
%	100	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	22,2	77,8	0,0	0,0	0,0					
AZM*		≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0					
n	709	32,0	137,0	142,0	227,0	139,0	26,0	3,0	3,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0					
%	100	4,5	19,3	20,0	32,0	19,6	3,7	0,4	0,4	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0					
CIP		≤ 0.001	0.002	0.004	0.008	0.016	0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0
n	709	45,0	71,0	70,0	8,0	2,0	10,0	1,0	0,0	0,0	0,0	90,0	94,0	199,0	54,0	63,0	2,0	0,0	0,0	0,0
%	100	6,3	10,0	9,9	1,1	0,3	1,4	0,1	0,0	0,0	0,0	12,7	13,3	28,1	7,6	8,9	0,3	0,0	0,0	0,0
SP		≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0					
n	424	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	1,0	1,0	78,0	344,0	0,0	0,0	0,0					
%	100	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,2	0,2	18,4	81,1	0,0	0,0	0,0					
CRO		≤ 0.000125	0.00025	0.0005	0.001	0.002	0.004	0.006	0.016	0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	≥ 8.0		
n	709	0,0	0,0	0,0	8,0	35,0	171,0	239,0	138,0	76,0	40,0	2,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0		
%	100	0,0	0,0	0,0	1,1	4,9	24,1	33,7	19,5	10,7	5,6	0,3	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0		
CFM		≤ 0.000125	0.00025	0.0005	0.001	0.002	0.004	0.006	0.016	0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	≥ 8.0		
n	709	0,0	0,0	0,0	0,0	1,0	22,0	178,0	276,0	113,0	45,0	63,0	11,0	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0		
%	100	0,0	0,0	0,0	0,0	0,1	3,1	25,1	38,9	15,9	6,3	8,9	1,6	0,0	0,0	0,0	0,0	0,0		

Abreviaturas: "Blac +": beta-lactamasa positiva; "Conf. X BM": confirmados por métodos de biología molecular

*** Debido a que CLSI no desarrolló puntos de corte clínicos para AZM, se utiliza el propuesto por EUCAST (S ≤0,25µg/ml; I=0,5µg/ml; R≥1µg/ml).**



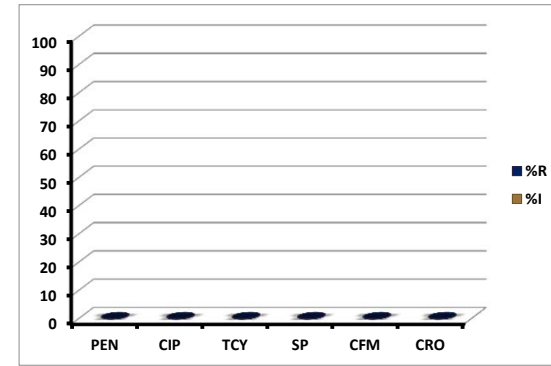


Prueba de difusión con discos

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje		contenido del disco (µg)	Puntos de corte		
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia		Resistente	S (mm)	I (mm)
			PEN	#iDIV/0!	#iDIV/0!	10	≥47	27-46	≤26
			CIP	#iDIV/0!	#iDIV/0!	5	≥41	28-40	≤27
			TCY	#iDIV/0!	#iDIV/0!	30	≥38	31-37	≤30
			SP	#iDIV/0!	#iDIV/0!	100	≥18	15-17	≤14
			CFM	#iDIV/0!	#iDIV/0!	30	≥31	-	<31
			CRO	#iDIV/0!	#iDIV/0!	30	≥35	-	<35

N° de aislamientos no sensibles

Nombre de la institución que reporta	Servicio de Enfermedades de Transmisión Sexual - INEI - ANLIS "Dr. C. G. Malbrán"
Nombre de contacto	Patricia Galarza - Programa de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG)-Red ITS
Correo electrónico	pgalarza@anlis.gov.ar

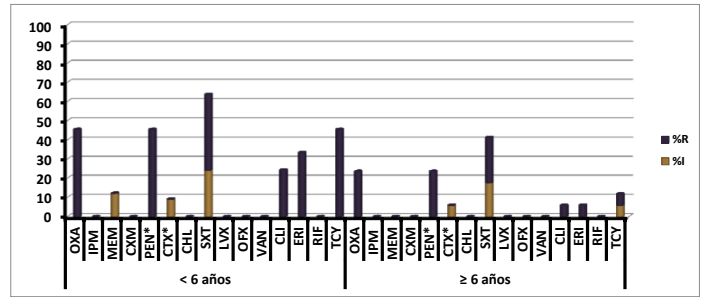


Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de meningitis - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

Total	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje		
	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente	
33	0	15	< 6 años	OXA	0,00	45,45	
NT	NT	NT		IPM	#IVALORI	#IVALORI	
33	4	0		MEM	12,12	0,00	
NT	NT	NT		CXM	#IVALORI	#IVALORI	
33	0	15		PEN*	0,00	45,45	
33	3	0		CTX*	9,09	0,00	
33	0	0		CHL	0,00	0,00	
33	8	13		SXT	24,24	39,39	
33	0	0		LVX	0,00	0,00	
NT	NT	NT		OFX	#IVALORI	#IVALORI	
33	0	0		VAN	0,00	0,00	
33	0	8		CLI	0,00	24,24	
33	0	11		ERI	0,00	33,33	
33	0	0		RIF	0,00	0,00	
33	0	15		TCY	0,00	45,45	
17	0	4		≥ 6 años	OXA	0,00	23,53
NT	NT	NT			IPM	#IVALORI	#IVALORI
17	0	0			MEM	0,00	0,00
NT	NT	NT			CXM	#IVALORI	#IVALORI
17	0	4			PEN*	0,00	23,53
17	1	0	CTX*		5,88	0,00	
17	0	0	CHL		0,00	0,00	
17	3	4	SXT		17,65	23,53	
17	0	0	LVX		0,00	0,00	
NT	NT	NT	OFX		#IVALORI	#IVALORI	
17	0	1	VAN		0,00	0,00	
17	0	1	CLI		0,00	5,88	
17	0	1	ERI		0,00	5,88	
17	0	0	RIF		0,00	0,00	
17	1	1	TCY		5,88	5,88	

*PEN y CTX: BP sitio meningeo

Ceftarolina: 100% Sensible en todas las edades



Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de infecciones no meningéas - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

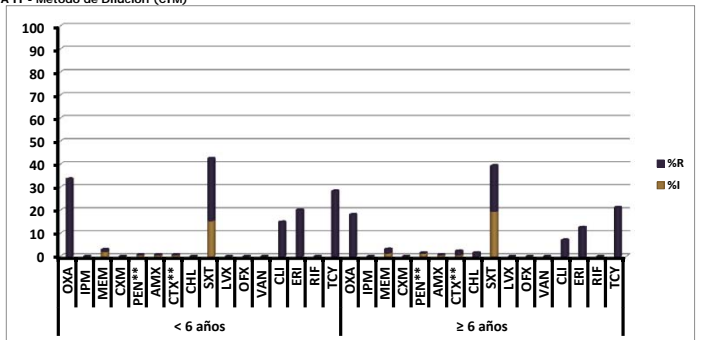
Total	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje		
	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente	
134	0	45	< 6 años	OXA	0,00	33,58	
NT	NT	NT		IPM	#IVALORI	#IVALORI	
134	3	1		MEM	2,24	0,75	
NT	NT	NT		CXM	#IVALORI	#IVALORI	
134	1	0		PEN**	0,75	0,00	
134	1	0		AMX	0,75	0,00	
134	1	0		CTX**	0,75	0,00	
134	0	0		CHL	0,00	0,00	
134	21	36		SXT	15,67	26,87	
134	0	0		LVX	0,00	0,00	
NT	NT	NT		OFX	#IVALORI	#IVALORI	
134	0	0		VAN	0,00	0,00	
134	0	20		CLI	0,00	14,93	
134	0	27		ERI	0,00	20,15	
134	0	0		RIF	0,00	0,00	
134	0	38		TCY	0,00	28,36	
127	0	23		≥ 6 años	OXA	0,00	18,11
NT	NT	NT			IPM	#IVALORI	#IVALORI
127	2	2			MEM	1,57	1,57
NT	NT	NT			CXM	#IVALORI	#IVALORI
127	2	0	PEN**		1,57	0,00	
127	1	0	AMX		0,79	0,00	
127	1	2	CTX**		0,79	1,57	
127	0	2	CHL		0,00	1,57	
127	25	25	SXT		19,69	19,69	
127	0	0	LVX		0,00	0,00	
NT	NT	NT	OFX		#IVALORI	#IVALORI	
127	0	0	VAN		0,00	0,00	
127	0	9	CLI		0,00	7,09	
127	0	16	ERI		0,00	12,60	
127	0	0	RIF		0,00	0,00	
127	0	27	TCY		0,00	21,26	

**PEN y CTX: BP sitio No-meningeo

PEN según BP de sitio meningeo: <6 años: R= 32,8%; ≥6 años: R=18,9%

CTX según BP de sitio meningeo <6 años: R= 0,7%, I=2,2%; ≥6 años: R=0,8, I=2,4%

Ceftarolina: 100% Sensible en todas las edades



Haemophilus influenzae de origen comunitario - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

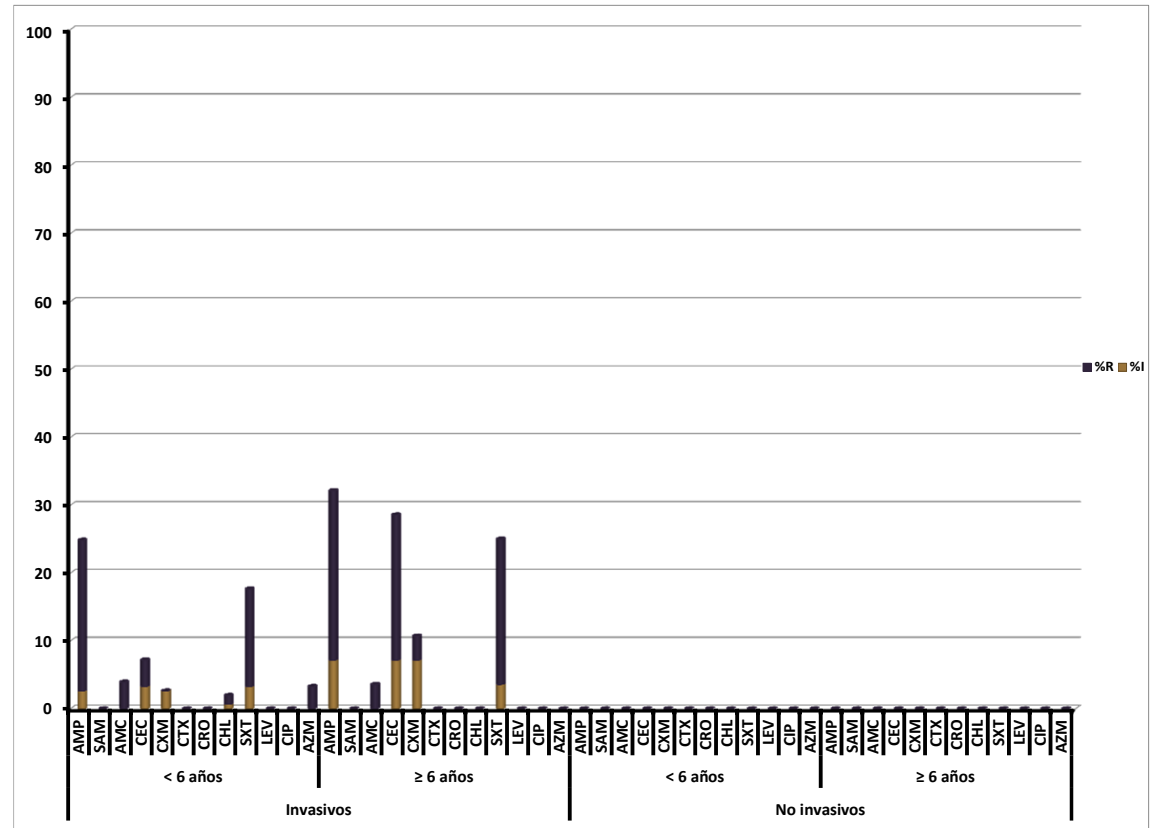
Total Nº	Nº		Procedencia	Edad	Antibiótico	Porcentaje		
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente	
153	4	34	Invasivos	< 6 años	AMP	2,61	22,22	
NT	NT	NT			SAM	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
153	0	6			AMC	0,00	3,92	
153	5	6			CEC	3,27	3,92	
153	4	0			CXM	2,61	0,00	
153	0	0			CTX		0,00	
NT	NT	NT			CRO		#¡VALOR!	
153	1	2			CHL	0,65	1,31	
153	5	22			SXT	3,27	14,38	
NT	NT	NT			LEV		#¡VALOR!	
153	0	0		CIP		0,00		
153	5	5		AZM		3,27		
28	2	7		≥ 6 años	AMP	7,14	25,00	
NT	NT	NT				SAM	#¡VALOR!	#¡VALOR!
28	0	1				AMC	0,00	3,57
28	2	6				CEC	7,14	21,43
28	2	1				CXM	7,14	3,57
28	0	0				CTX		0,00
NT	NT	NT				CRO		#¡VALOR!
28	0	0				CHL	0,00	0,00
28	1	6	SXT			3,57	21,43	
NT	NT	NT	LEV				#¡VALOR!	
28	0	0	CIP		0,00			
28	0	0	AZM		0,00			
NT	NT	NT	No invasivos	< 6 años	AMP	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT			SAM	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT			AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT			CEC	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT			CXM	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT		CTX		#¡VALOR!		
NT	NT	NT		CRO		#¡VALOR!		
NT	NT	NT		CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT	NT	NT		SXT	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT	NT	NT		LEV		#¡VALOR!		
NT	NT	NT	CIP		#¡VALOR!			
NT	NT	NT	≥ 6 años	AMP	#¡VALOR!	#¡VALOR!		
NT	NT	NT			SAM	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT			AMC	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT			CEC	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT			CXM	#¡VALOR!	#¡VALOR!	
NT	NT	NT	CTX		#¡VALOR!			
NT	NT	NT	CRO		#¡VALOR!			
NT	NT	NT	CHL	#¡VALOR!	#¡VALOR!			
NT	NT	NT	SXT	#¡VALOR!	#¡VALOR!			
NT	NT	NT	LEV		#¡VALOR!			
NT	NT	NT	CIP		#¡VALOR!			
NT	NT	NT	AZM		#¡VALOR!			

Ceftarolina: 100% Sensible en todas las edades

Nº de aislamientos no sensibles

Haemophilus influenzae de origen comunitario - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

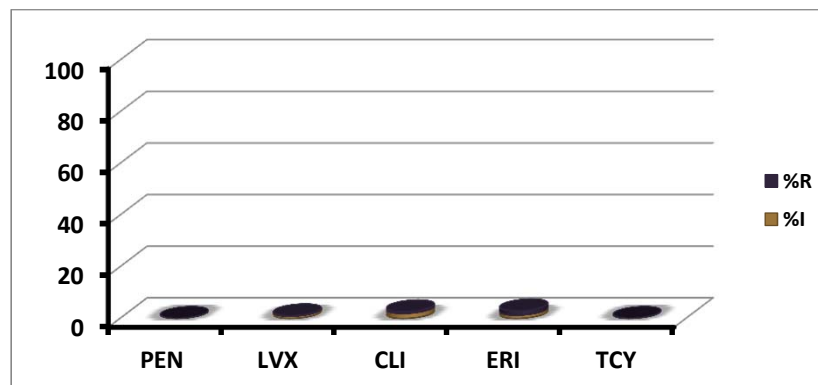
Todos Nº	Invasivos	Edad	Antibiótico	Porcentaje		Porcentaje	
				I	R	β-iasa +	β-iasa -
153	Invasivos	< 6 años	NAL	0	0		
			β-iasa			22,2	77,7
28	Invasivos	≥ 6 años	NAL	0	0		
			β-iasa			25	75



Streptococcus β-hemolítico del grupo A (S. pyogenes) de origen comunitario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
1016		0	PEN		0,00
882	7	2	LVX	0,79	0,23
1242	23	9	CLI	1,85	0,72
1264	15	22	ERI	1,19	1,74
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

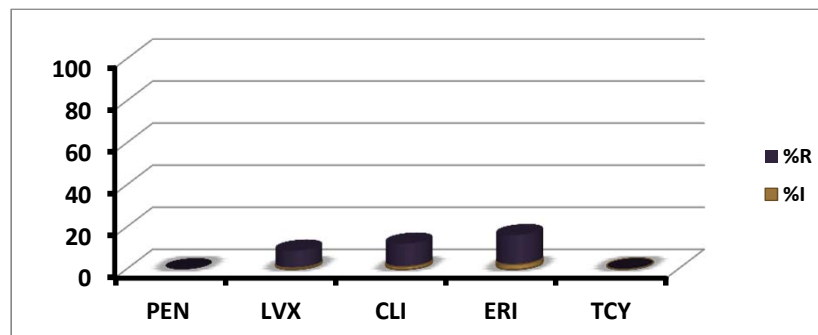
N° de aislamientos no sensibles



Streptococcus β-hemolítico del grupo B (S. agalactiae) de origen comunitario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
849		0	PEN		0,00
889	6	73	LVX	0,67	8,21
917	12	100	CLI	1,31	10,91
915	21	128	ERI	2,30	13,99
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

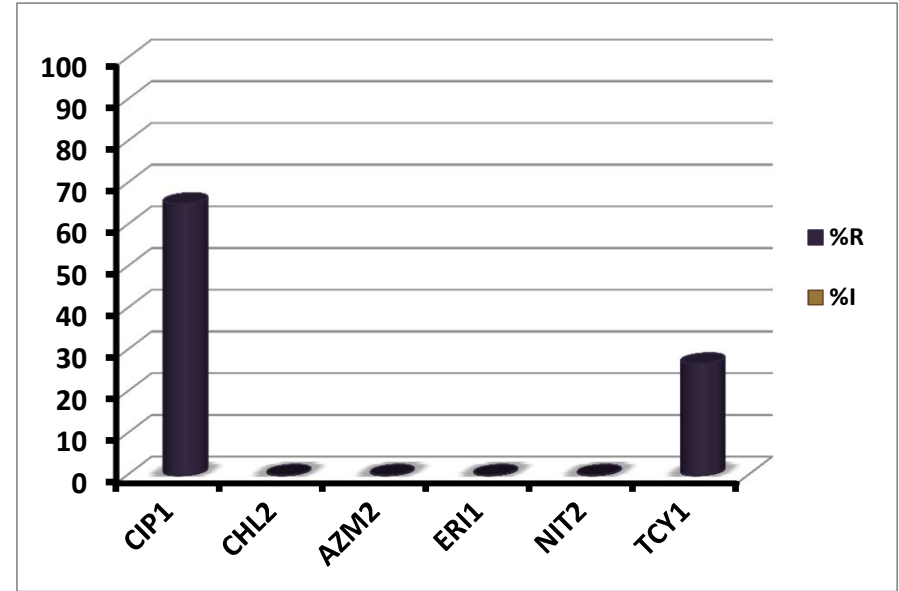
N° de aislamientos no sensibles



Campylobacter spp de origen comunitario - Método de Dilución (CIM)

Total Nº	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
86	0	56	CIP¹	0,00	65,12
86	0	0	CHL²	0,00	0,00
86	0	0	AZM²	0,00	0,00
86	0	0	ERI¹	0,00	0,00
86	0	0	NIT²	0,00	0,00
86	0	23	TCY¹	0,00	26,74

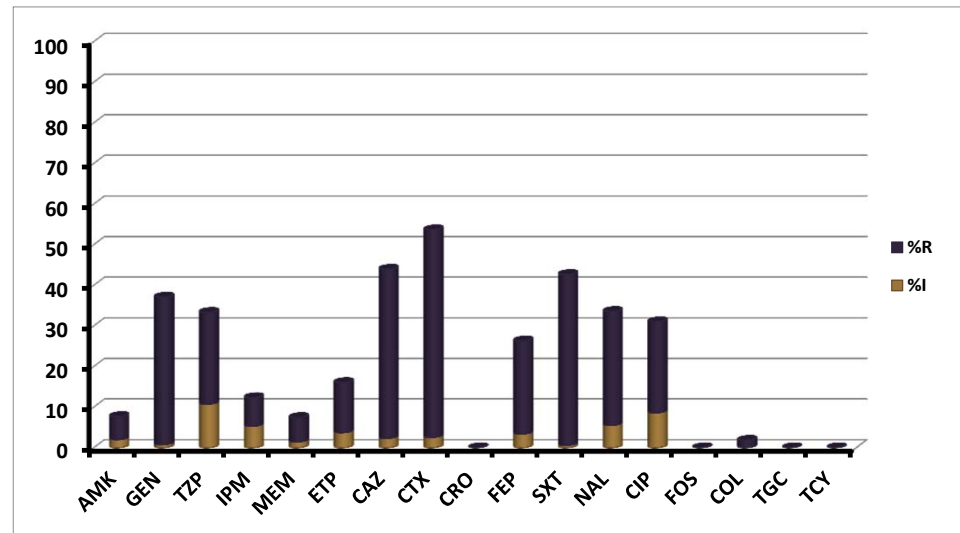
Puntos de corte: ¹ Tabla 4.M45-A3 CLSI 2016. ² Extraídos de la literatura internacional



Enterobacter cloacae de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia		Resistente	Intermedia
716	14	41	AMK	1,96	5,73
709	5	258	GEN	0,71	36,39
711	76	161	TZP	10,69	22,64
722	38	51	IPM	5,26	7,06
712	10	43	MEM	1,40	6,04
598	22	74	ETP	3,68	12,37
703	16	293	CAZ	2,28	41,68
477	12	244	CTX	2,52	51,15
NT	NT	NT	CRO	#¡VALOR!	#¡VALOR!
688	23	158	FEP	3,34	22,97
715	4	301	SXT	0,56	42,10
712	39	200	NAL	5,48	28,09
735	63	165	CIP	8,57	22,45
NT	NT	NT	FOS	#¡VALOR!	#¡VALOR!
706	0	13	COL	0,00	1,84
NT	NT	NT	TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

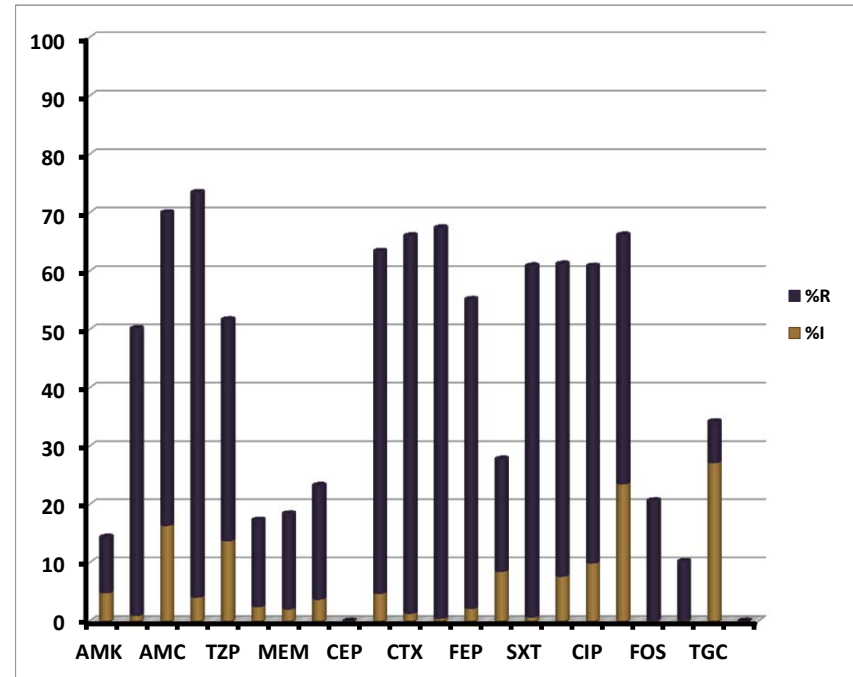
COL solo por CIM



Klebsiella pneumoniae de origen hospitalario

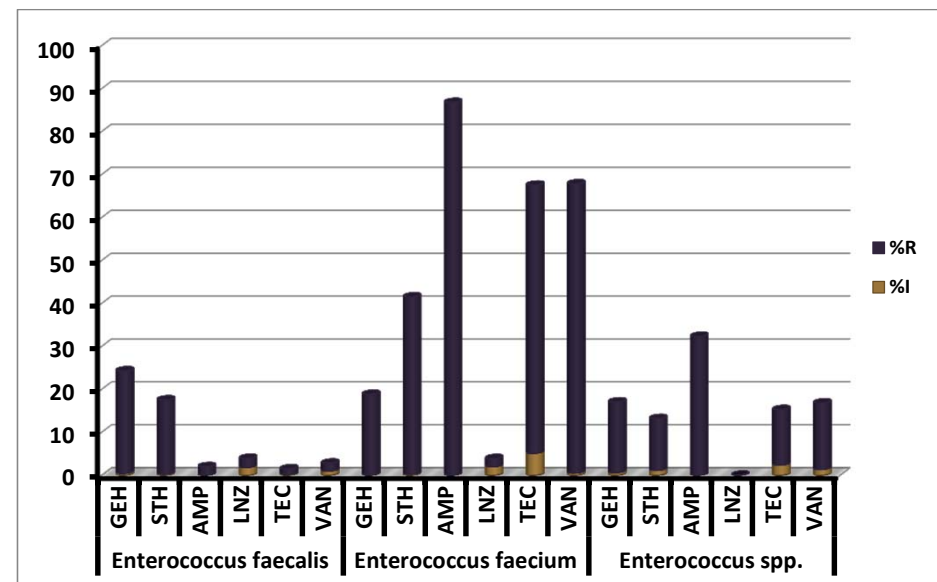
Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
2085	102	198	AMK	4,89	9,50
2075	21	1020	GEN	1,01	49,16
960	158	514	AMC	16,46	53,54
1648	68	1143	AMS	4,13	69,36
2100	290	796	TZP	13,81	37,90
2103	53	311	IPM	2,52	14,79
2087	44	340	MEM	2,11	16,29
1796	68	350	ETP	3,79	19,49
NT	NT	NT	CEP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
2042	98	1197	CAZ	4,80	58,62
1382	19	894	CTX	1,37	64,69
798	4	534	CRO	0,50	66,92
1990	44	1054	FEP	2,21	52,96
1540	132	296	FOX	8,57	19,22
2085	15	1255	SXT	0,72	60,19
2058	159	1101	NAL	7,73	53,50
2129	213	1083	CIP	10,00	50,87
1612	380	687	NIT	23,57	42,62
905	1	186	FOS	0,11	20,55
1496	2	151	COL	0,13	10,09
871	237	61	TGC	27,21	7,00
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

COL solo por CIM



Enterococcus spp. de origen hospitalario

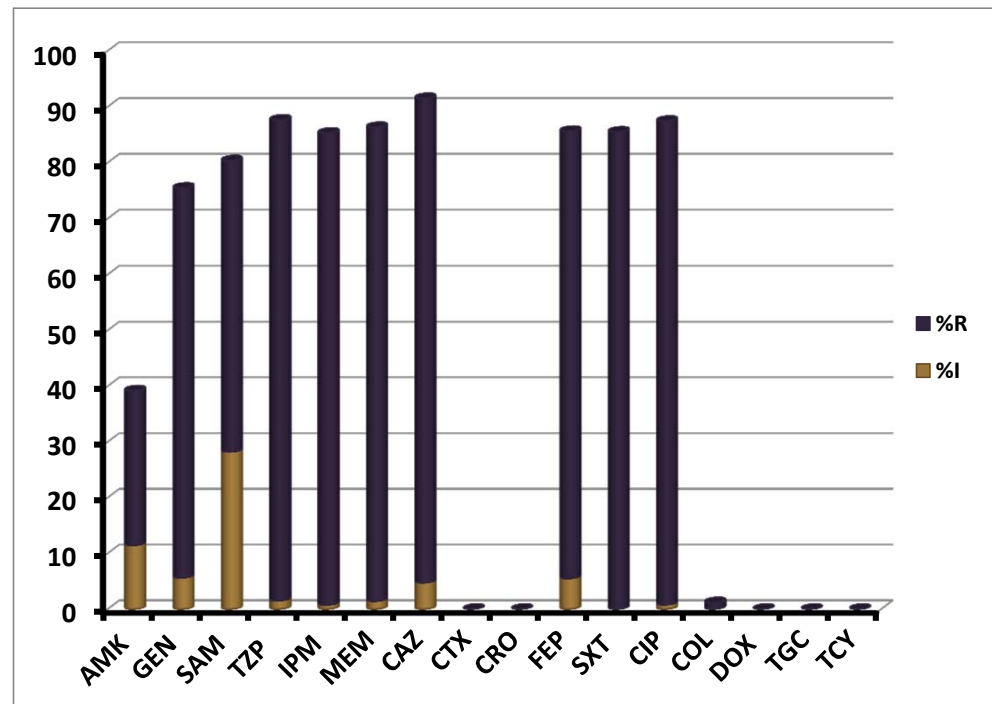
Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente
2202	9	526	<i>Enterococcus faecalis</i>	GEH	0,41	23,89
2226	4	386		STH	0,18	17,34
2730	0	54		AMP	0,00	1,98
1738	31	37		LNZ	1,78	2,13
2109	2	29		TEC	0,09	1,38
2674	25	50		VAN	0,93	1,87
648	0	122	<i>Enterococcus faecium</i>	GEH	0,00	18,83
648	1	268		STH	0,15	41,36
763	0	662		AMP	0,00	86,76
673	13	13		LNZ	1,93	1,93
711	36	444		TEC	5,06	62,45
858	4	578	<i>Enterococcus spp.</i>	VAN	0,47	67,37
176	1	29		GEH	0,57	16,48
182	2	22		STH	1,10	12,09
229	0	74		AMP	0,00	32,31
NT	NT	NT		LNZ	#¡VALOR!	#¡VALOR!
216	5	28		TEC	2,31	12,96
232	3	36	VAN	1,29	15,52	



Acinetobacter baumannii de origen hospitalario

Total N°	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1462	167	406	AMK	11,42	27,77
1464	82	1023	GEN	5,60	69,88
1426	402	744	SAM	28,19	52,17
1409	21	1214	TZP	1,49	86,16
1504	11	1272	IPM	0,73	84,57
1493	21	1268	MEM	1,41	84,93
1462	69	1269	CAZ	4,72	86,80
NT	NT	NT	CTX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	CRO	#¡VALOR!	#¡VALOR!
1462	80	1172	FEP	5,47	80,16
1353	0	1157	SXT	0,00	85,51
1434	11	1243	CIP	0,77	86,68
1173	0	14	COL	0,00	1,19
NT	NT	NT	DOX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	TGC	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

COL solo por CIM



<i>Pseudomonas aeruginosa</i> de origen hospitalario					
Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
3959	63	562	AMK	1,59	14,20
3897	74	850	GEN	1,90	21,81
2514	0	520	PIP	0,00	20,68
3942	378	587	TZP	9,59	14,89
4028	105	798	IPM	2,61	19,81
3992	243	743	MEM	6,09	18,61
2735	254	520	ATM	9,29	19,01
3994	304	403	CAZ	7,61	10,09
NT	NT	NT	CFP	#¡VALOR!	#¡VALOR!
3906	309	453	FEP	7,91	11,60
1934	0	54	COL	0,00	2,79
3897	109	1017	CIP	2,80	26,10

