

ermA

Protocolo de PCR para la detección del gen *ermA*

| Nombre primer | Gen | Secuencia 5'--3' |
|---------------|------|-------------------------|
| ermA-F | ermA | GGATCAGGAAAAGGACATTTTAC |
| ermA-R | | GTTCAAGAACAATCAATACAGAG |

| Tamaño amplicon | Ciclado |
|-----------------|--|
| 421 pb | Desnaturalización inicial = 94°C por 5min; Ciclado= 30-35 ciclos: 94°C 30seg -- 42° 30seg -- 72°C 30seg; Extension final = 72°C por 5min |

| Reacción de PCR --> Vol. final = 25ul | |
|---------------------------------------|--------------|
| Reactivo | Volumen |
| ADN | 2,5 ul |
| Buffer 10X | 2,5 ul |
| MgCl ₂ (50 mM) | 0,75 ul |
| dNTP's (10 mM) | 0,5 ul |
| Taq pol (5U/ul) | 0,15 ul |
| Primer Forward (10 µM) | 0,5 ul |
| Primer Reverse (10 µM) | 0,5 ul |
| H ₂ O | 17,6 ul |
| Vol. Final | 25 ul |

| Referencia |
|---|
| Lina G, et al. Distribution of Genes Encoding Resistance to Macrolides, Lincosamides, and Streptogramins among Staphylococci. AAC 43:1062-1066 (1999). doi:10.1128/AAC.43.5.1062 |