

PER-Universal

Protocolo de PCR para la detección del gen *per* en aislamientos de bacilos gram-negativos

| Nombre primer | Gen | Secuencia 5'--3' |
|---------------|-----|-----------------------|
| PER-UF | PER | GGCCTGACGATCTGGAACCTT |
| PER-UR | | TAACCGCTSTGGTCCTGTGGT |

| Tamaño amplicon | Ciclado |
|-----------------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 524 pb | Desnaturalización inicial = 94°C por 5min; Ciclado =30-35 ciclos de:94°C 30seg -- 59° 30seg -- 72°C 30seg; Extensión final = 72°C por 5min |

| Reacción de PCR --> Vol. final = 25ul | |
|---------------------------------------|--------------|
| Reactivos | Volumen |
| ADN | 2,5 ul |
| Buffer 10X | 2,5 ul |
| MgCl2 (50 mM) | 0,75 ul |
| dNTP's (10 mM) | 0,5 ul |
| Taq pol (5U/ml) | 0,15 ul |
| Primer Forward (10 µM) | 0,5 ul |
| Primer Reverse (10 µM) | 0,5 ul |
| H2O | 17,6 ul |
| Vol. Final | 25 ul |

| Referencia |
|---------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Servicio Antimicrobianos, Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas- ANLIS "Dr. Carlos G. Malbran" |

| Comentarios |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Permite amplificar distintas variantes del gen <i>per</i> (<i>per-1, -2, -3, -4, -5, -7</i> y <i>-8</i>) |