

Instructivo para la modificación y creación de nuevos campos Red-WHONET Argentina

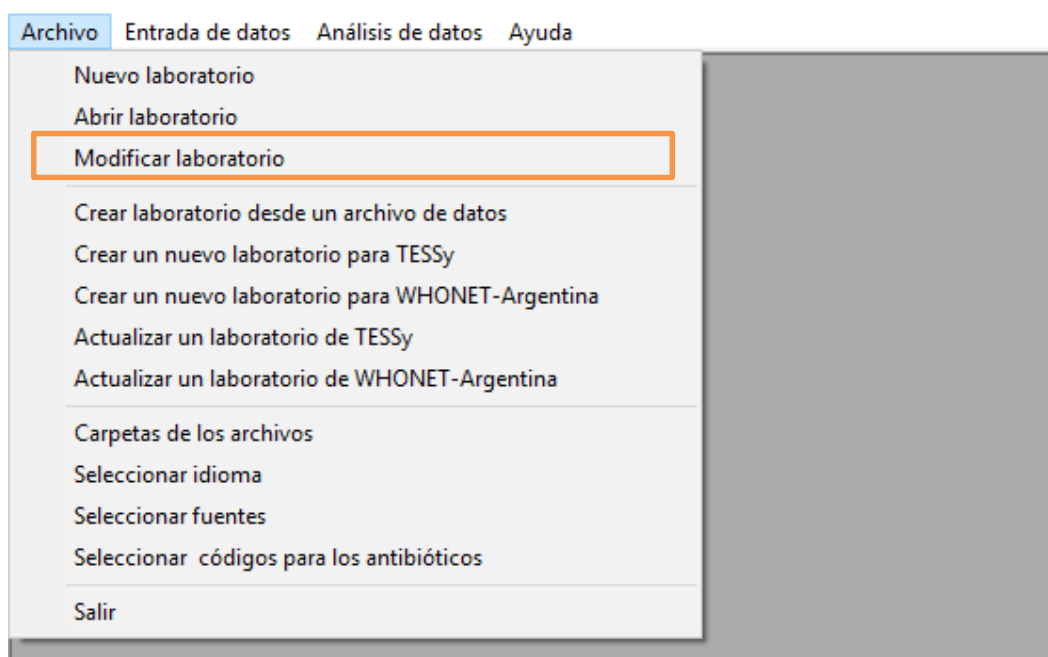
Los cambios de los campos 2017 implica solamente agregar opciones a los campos de resistencia enzimática y PCR / IC.

El nuevo campo a ingresar según protocolo 2019 es el de Sensibilidad a COL.

Nota: Se recomienda realizar los siguientes cambios antes de comenzar a cargar datos en un nuevo archivo/mes de WHONET (preferentemente antes de comenzar a cargar el mes de enero), como siempre que se agreguen o quiten campos en otras circunstancias

1- El campo de **Resistencia enzimática** (R enzimática) que ya existía, **debe agregar la opción**.
Para realizar este cambio a continuación se detalla el procedimiento:

- Abrir el Programa WHONET
- Seleccionar su laboratorio
- En el menú principal superior, elegir la opción **Archivo** y dentro de esta **Modificar el laboratorio**



- En la nueva ventana elegir la opción **Data fields** o **Campo de datos**
- En la proxima ventana, se muestra un listado (a la izquierda) con todos los campos disponibles en WHONET, debemos ubicar al campo R enzimatica y seleccionarlo, como se muestra a continuación:

Sus campos aparecen abajo.
Realice todos los cambios necesarios.
Si quiere agregar o sacar campos, haga click en 'Modificar la list'.

Res todos los lab 2 AUTO

Comentario
Fecha de la entrada de datos
Infección intrahospitalaria
BLEE-Argentina
MLS
Screening de oxacilina
Screening de vancomicina
Tratamiento ATF previo
Recidiva
Marca del medio
Confirmado
Diagnóstico
Enfermedad de base
Metalo-beta lactamasa
R enzimática
Huevo IPM-CAZ
Serin-carbapenemasa
Muestra representativa
Cepa Confirmada
Factor de riesgo
BLEE
SIVILA

Número de campos = 44

Modificar la lista
Imprimir
Mover Arriba
Mover Abajo

R enzimática

Descripción R enzimática
Nombre X_ACTENZ
Tipo Texto
Longitud 1

Lista de códigos Ninguno

Entrada de datos

Sección Microbiología

Humano
 Animal
 Alimento
 Listado de aislamientos

- En esta misma ventana vemos un boton con el nombre **Lista de codigos** hacemos clic en el mismo y en la proxima ventana elejimos la opcion **Usar los codigos de la tabla de abajo**.

Indicar los códigos a poner en el nuevo archivo.

No es obligatorio ingresar descripciones de los códigos.

Sin validación de códigos
 Usar los códigos de la tabla de abajo

Descripción	Código
*	

Eliminar

Usar los códigos de un archivo

Nombre C:\whonet5\CodeList_X_ACTENZ_RE2.dbf
Estructura del dBASE
Códigos WHONETCODE
Descripción DESCRIPT1

Examinar
Revisar los códigos

En esa tabla, agregar el código **resaltado en amarillo** textual como se describe a continuación:

Descripción	Código
Triton Hodge Test Positivo	THTP
Triton Hodge Test Negativo	THTN
Método Colorimétrico Positivo	COLP

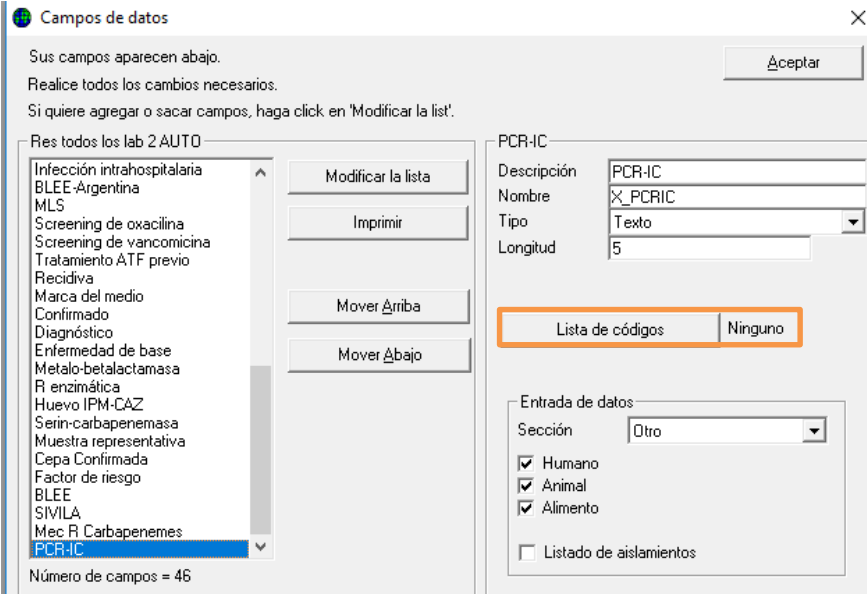
Método Colorimétrico Negativo	COLN
CIM Modificado Positivo	CIMP
CIM Modificado Negativo	CIMN
THT Positivo + Met Color y/o CIM negativos	TPCN

Este agregado se debe a que necesitamos diferenciar las situaciones en que el THT (que puede dar falsos positivos) de positivo pero el Método colorimétrico (BC o CarbaNP) da negativo. En este caso podría tratarse de las OXA-163 que característicamente dan este patrón.

- Una vez cargada la tabla hacer clic en **Aceptar** para volver a la ventana de campos (la que tiene el listado del lado izquierdo)

2- **Modificar el campo de PCR-IC.** Para realizar esta acción se detalla a continuación el procedimiento:

- Abrir el Programa WHONET.
- Seleccionar su laboratorio.
- En el menú principal superior, elegir la opción **Archivo** y dentro de esta **Modificar el laboratorio.**
- En la ventana del listado de campos seleccionar el nuevo campo **PCR-IC** hacer clic en el boton **Lista de codigos** (Asegurarse de estar en el campo con la descripción que aparece en arriba del botón)



- En la ventana siguiente completamos las opciones según el siguiente listado, haciendo clic en la opción **Usar los codigos de la tabla de abajo**, y allí agregamos los nuevos renglones **resaltados en amarillo** en forma textual como se indica abajo:

Códigos de datos: PCR-IC

Indicar los códigos a poner en el nuevo archivo. Aceptar

No es obligatorio ingresar descripciones de los códigos.

Sin validación de códigos

Usar los códigos de la tabla de abajo

	Descripción	Código
*		

Eliminar

Usar los códigos de un archivo

Nombre: Examinar

Estructura del: Revisar los códigos

Códigos:

Descripción:

Descripción	Código
KPC	KPC
VIM	VIM
IMP	IMP
NDM	NDM
OXA-48 like	OXA
OXA-48 (IC)	O48
OXA-163 (IC)	O163
NDM+OXA-48 like	NDO
KPC+OXA-48 like	KPO
mcr-1 Positiva	MCRP
mcr-1 Negativa	MCRN

- Hacer clic en **Aceptar**
- Para finalizar y guardar debemos presionar **Aceptar** en la ventana del listado de datos.
- En la ventana principal de configuración hacer clic en **Save o Guardar** para que todos los campos agregados y sus respectivas opciones de carga queden guardados.

Laboratory configuration

Country: ARG

Laboratory name:

Laboratory code: Archivo de configuración: labarg.re2
Maximum 3 letters

Human
 Human, Animal, Food, Environment

Required: Enter the antibiotics tested in your laboratory.

Optional: Enter your patient locations, departments, and institutions.

Optional: Select the fields to include in your data files.

Optional: Define alert rules

Save Cancel

Con estos pasos acabamos de modificar campos **R enzimática** y **PCR-IC**.

3- Creación del campo **SENSIBILIDAD COL**:

En este campo se incluirán los resultados de los métodos aceptados para la evaluación de la sensibilidad a colistín. (ver <http://antimicrobianos.com.ar/2017/09/desafios-en-los-metodos-de-evaluacion-de-la-sensibilidad-a-polimixinas-colistinapolimixina-b/>).

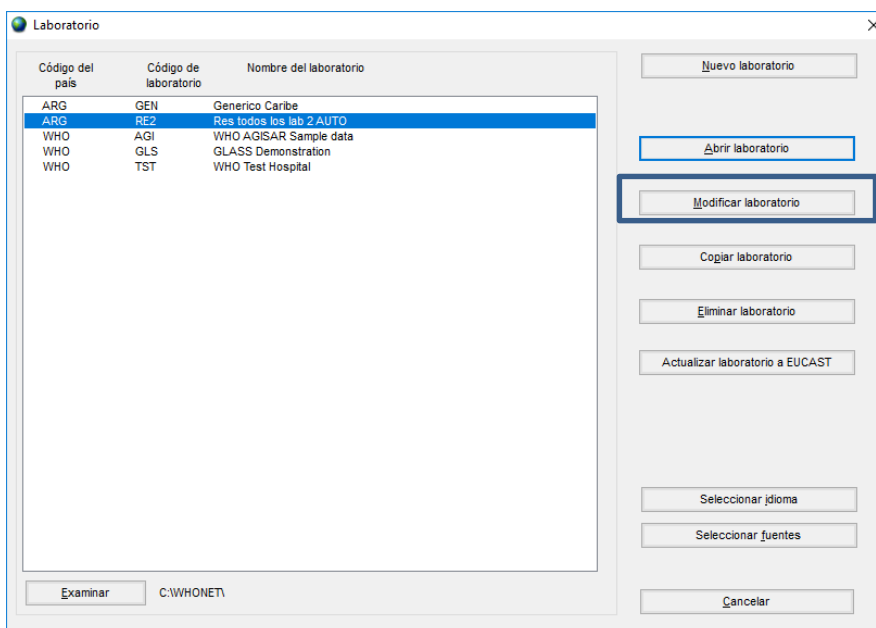
La finalidad del mismo es cargar **sólo** el resultado de los **métodos aceptados** por el LNR, no se cargarán aquí los resultados de métodos cuestionados por su gran cantidad de errores (difusión con discos , Viteck 2C , Phoenix o método epsilométrico, estos resultados se siguen cargando en los campos habituales).

Las opciones de llenado del campo serán:

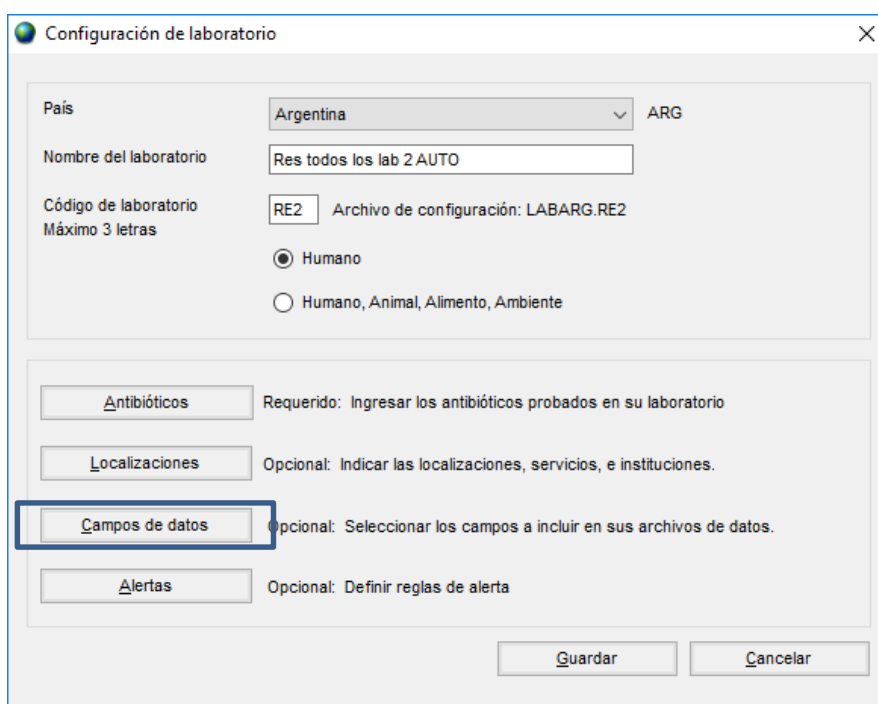
- S (sensible) o R (resistente): se cargarán los resultados de interpretación de Microscan, Sensititre, Elución con discos, Dilución en agar, macro o microdilución en caldo y predifusión. La presencia de crecimiento (más de dos colonias) en Agar Spot, Col Brit o Colistín Drop se cargan como “R” y la ausencia de desarrollo se considera (o presencia de una colonia) “S”.
- I: para las situaciones indeterminadas de las técnicas de elución, micro o macrodilución en caldo (ej: crecimiento en tubos/pocillos salteados) o los intermedios de la predifusión.

- Crear el campo de **Sensibilidad COL** y agregar las posibles respuestas. Para realizar esta acción se detalla a continuación el procedimiento:

- Abrir el Programa WHONET
- Seleccionar su laboratorio
- En el menú principal superior, elegir la opción **Archivo** y dentro de esta **“Modificar el laboratorio”**



-En la siguiente ventana elegir la opción “Campos de Datos”



Configuración de laboratorio

País: Argentina ARG

Nombre del laboratorio: Res todos los lab 2 AUTO

Código de laboratorio: RE2 Archivo de configuración: LABARG.RE2
Máximo 3 letras

Humano
 Humano, Animal, Alimento, Ambiente

Antibióticos Requerido: Ingresar los antibióticos probados en su laboratorio

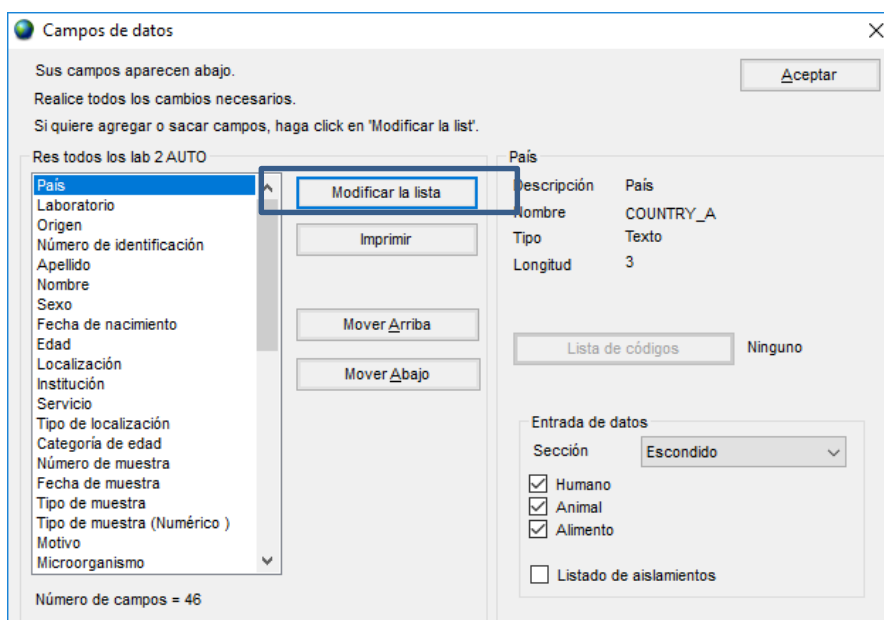
Localizaciones Opcional: Indicar las localizaciones, servicios, e instituciones.

Campos de datos Opcional: Seleccionar los campos a incluir en sus archivos de datos.

Alertas Opcional: Definir reglas de alerta

Guardar Cancelar

- En la próxima ventana elegir la opción “Modificar la lista”



Campos de datos

Sus campos aparecen abajo.
Realice todos los cambios necesarios.
Si quiere agregar o sacar campos, haga click en 'Modificar la list'.

Res todos los lab 2 AUTO

País	Descripción	País
País	Nombre	COUNTRY_A
Laboratorio	Tipo	Texto
Origen	Longitud	3

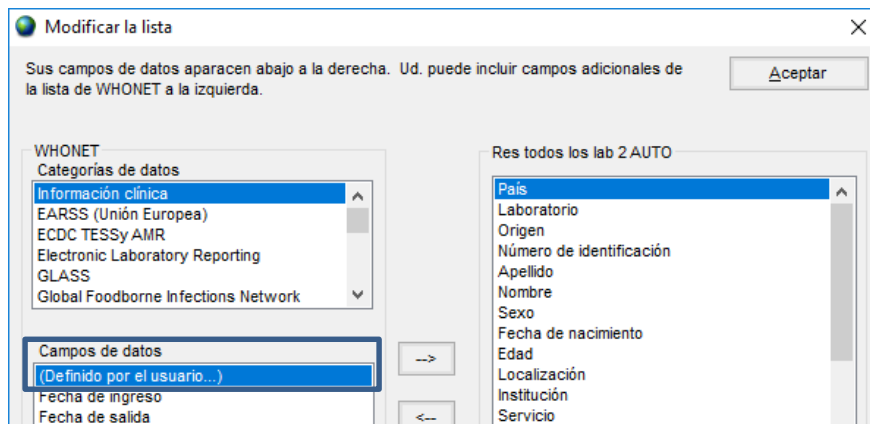
Lista de códigos: Ninguno

Entrada de datos
Sección: Escondido

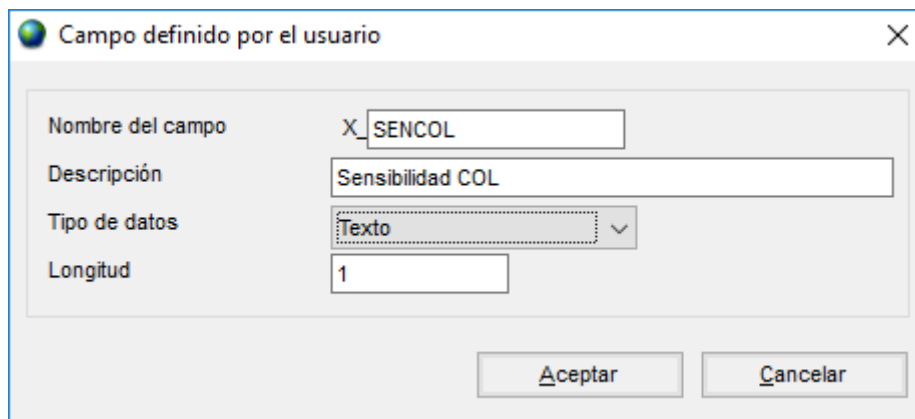
Humano
 Animal
 Alimento
 Listado de aislamientos

Número de campos = 46

-A continuación hacer doble clic en la opción “**Definido por el usuario**” dentro del área “**Campos de datos**”



- En este paso **prestar mucha atención** para completar los siguientes campos:



Nombre de campo: **SENCO** (WHONET agrega automáticamente “X_” quedando “X_SENCO”)

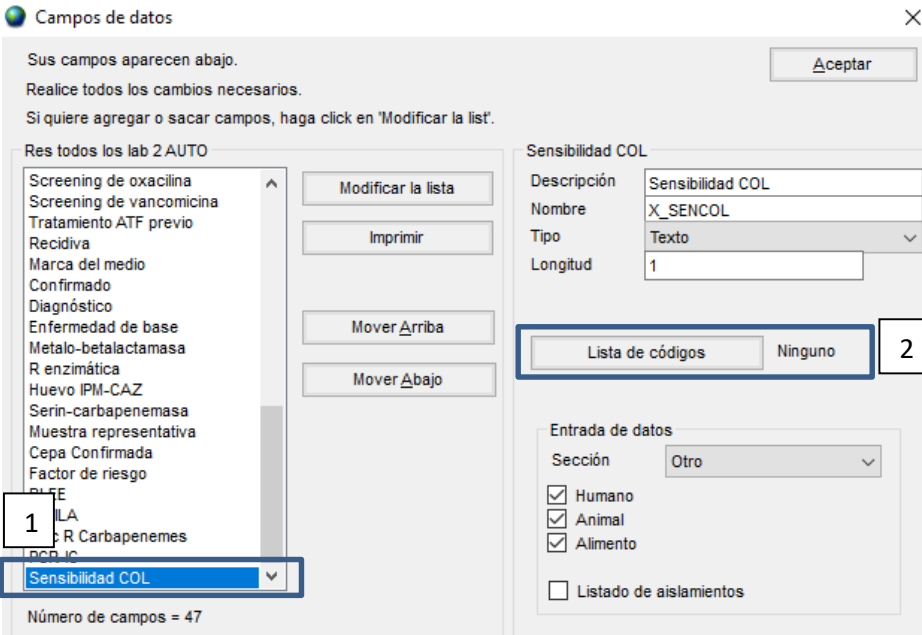
Descripción: **Sensibilidad COL**

Tipo de datos: **Texto**

Longitud: **1**

-Presionar “**Aceptar**” y nuevamente “**Aceptar**” en la próxima pantalla.

- En la ventana campos de datos, (1) ubicar el campo recientemente creado “Sensibilidad COL” (se encuentra al final del listado) y seleccionarlo. (2) Presionar el botón “Lista de códigos”



Sus campos aparecen abajo.
Realice todos los cambios necesarios.
Si quiere agregar o sacar campos, haga click en 'Modificar la list'.

Res todos los lab 2 AUTO

- Screening de oxacilina
- Screening de vancomicina
- Tratamiento ATF previo
- Recidiva
- Marca del medio
- Confirmado
- Diagnóstico
- Enfermedad de base
- Metalo-betalactamasa
- R enzimática
- Huevo IPM-CAZ
- Serin-carbapenemasa
- Muestra representativa
- Cepa Confirmada
- Factor de riesgo
- BLTE
- 1 ILA
- R Carbapenemes
- PCR IC
- Sensibilidad COL

Número de campos = 47

Sensibilidad COL

Descripción: Sensibilidad COL
Nombre: X_SENCO
Tipo: Texto
Longitud: 1

Lista de códigos: Ninguno

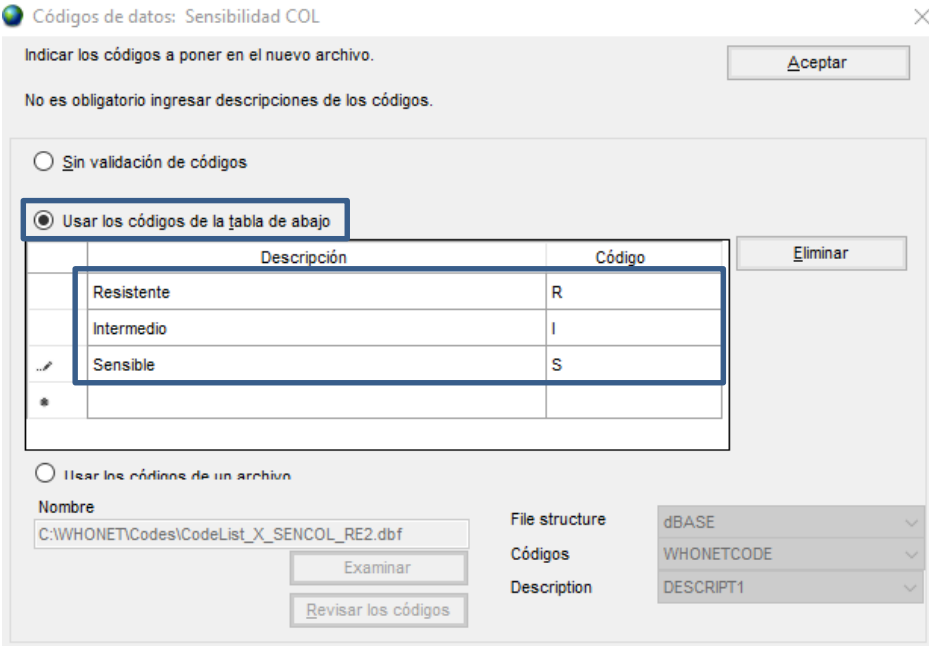
Entrada de datos
Sección: Otro

- Humano
- Animal
- Alimento
- Listado de aislamientos

-En la ventana siguiente elegir la opción “Usar los código de la tabla de abajo”

Se habilita la tabla donde debemos completar las siguientes opciones:

Descripción	Código
Resistente	R
Intermedio	I
Sensible	S



Indicar los códigos a poner en el nuevo archivo.

No es obligatorio ingresar descripciones de los códigos.

Sin validación de códigos

Usar los códigos de la tabla de abajo

Descripción	Código
Resistente	R
Intermedio	I
Sensible	S
*	

Usar los códigos de un archivo

Nombre: C:\WHONET\Codes\CodeList_X_SENCO_RE2.dbf

File structure: dBASE

Códigos: WHONETCODE

Description: DESCRIPT1

- A continuación presionar **“Aceptar”**, nuevamente **“Aceptar”** en la ventana de “lista de campos”
- Por ultimo presionar en **“Guardar”**, para salvar los cambios realizados

NOTA: Recuerde que los cambios realizador serán guardados en el archivo **“LABARG.XXX”** donde **XXX** es su código de laboratorio WHONET.