

mecA

Protocolo de PCR para la detección del gen *mecA* en aislamientos de *Staphylococcus* spp.

| Nombre primer | Gen | Secuencia 5'--3' |
|---------------|------|----------------------------|
| MEC-A-Plus | mecA | TGG CTA TCG TGT CAC AAT CG |
| MEC-A-Minus | | CTG GAA CTT GTT GAG CAG AG |

| Tamaño amplicon | Ciclado |
|-----------------|--|
| 310 pb | Desnaturalización inicial = 94°C por 5min; Ciclado =30-35 ciclos de:94°C 30seg -- 52° 30seg -- 72°C 30seg; Extensión final = 72°C por 5min |

| Reacción de PCR --> Vol. final = 25ul | |
|---------------------------------------|--------------|
| Reactivo | Volumen |
| ADN | 2,5 ul |
| Buffer 10X | 2,5 ul |
| MgCl ₂ (50 mM) | 0,75 ul |
| dNTP's (10 mM) | 0,5 ul |
| Taq pol (5U/ul) | 0,15 ul |
| Primer Forward (10 µM) | 0,5 ul |
| Primer Reverse (10 µM) | 0,5 ul |
| H ₂ O | 17,6 ul |
| Vol. Final | 25 ul |

| Referencia |
|--|
| Vannuffel et al. Journal of Clinical Microbiology. 1995 33:2864-2867 |