

Vigilancia de la Resistencia a los Antimicrobianos**Red Latinoamericana de Vigilancia de la Resistencia a los Antimicrobianos (ReLAVRA)****Favor completar**

Año	2017
País	Argentina

Nombre de la institución que reporta	Servicio Antimicrobianos - INEI - ANLIS "Dr. C. G. Malbrán"
Nombre de contacto	Alejandra Corso, Fernando Pasteran, Celeste Lucero, Ezequiel Tuduri
Teléfono	+54-11-43032812
Fax	+54-11-43032812
Correo electrónico	acorso@anlis.gov.ar, fpasteran@gmail.com, clucero@anlis.gov.ar, etuduri@anlis.gov.ar

Evaluación externa del desempeño de los participantes de la red
Especies enviadas para la evaluación del desempeño

Laboratorios Tipo A
Mayor complejidad

Red Nacional de Vigilancia de la Resistencia a los Antimicrobianos
 WHONET-ARGENTINA
 (n=90 Laboratorios)

1er. semestre	2do. semestre
	Ochrobactrum anthropi
	Proteus mirabilis
	Escherichia coli

Evaluación del desempeño de las instituciones participantes

Concordancia de resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos

Diagnóstico microbiológico	Nº	%
Género y especie correctos	249	92,2
Género correcto	2	0,7
Género correcto y especie incorrecta	7	2,6
Género incorrecto	12	4,4
Nº total de identificaciones	270	

Tamaño del halo del antibiograma	Nº	%
Dentro del rango de referencia	694	85,0
Fuera del rango de referencia	122	15,0
Nº total de halos de inhibición	816	

Interpretación del resultado del antibiograma *	Laboratorio de referencia	Laboratorio clínico	Laboratorio clínico	%
	Nº (Esperado)	Nº (Informado)	Nº (Informado correctamente)	
Sensible	701	695	691	99,4
Resistente	174	175	167	95,4
Intermedio	5	8	3	37,5
Nº total de resultados de antibiograma	880	878	861	98,1

Errores de interpretación	Nº	%
Menor	5	0,6
Grave	8	0,9
Muy grave	4	0,5
No total de errores de interpretación	17	1,9

NOTA: Ubicarse en cada casilla con el ratón en la pestaña roja y aparecerá el comentario de que dato insertar, el cálculo es automático

***Interpretación del resultado del antibiograma**

En esta parte, se debe colocar la información sobre la concordancia de los resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos que se evaluaron. Por favor, coloque aquí solo el número de pruebas que coincidieron con el resultados esperado por el laboratorio nacional de referencia. Ej.: de acuerdo a las cepas enviadas y al nro de laboratorios participantes de la encuesta el laboratorio de referencia espera un total de 100 interpretaciones "sensible" pero solo 90 interpretaciones fueron recibidas. De estas 90, 80 fueron correctamente informadas como "sensible". Por lo tanto, los números a reportar serían: 100 (esperado), 90 (informado), 80 (informado correctamente). Por favor, no incluir en "informado correctamente" los resultados "sensible" que fueron reportados erróneamente para antibióticos cuyo resultado esperado es "intermedio" o "resistente". Proceder de la misma manera para las interpretaciones de "resistente" e "intermedio".

Errores de interpretación

ERROR MENOR: Definido como un resultado intermedio que se informa erróneamente como susceptible o resistente o un resultado sensible o resistente se informa erróneamente como intermedio.

ERROR GRAVE: Definido como un resultado sensible que se informa erróneamente como resistente.

ERROR MUY GRAVE: Definido como un resultado resistente que se informa erróneamente como sensible.

Laboratorios Tipo B
Menor complejidad

Programa Nacional de Control de Calidad en Bacteriología (PCC-NAC);
 NO WHONET
 (n=343 laboratorios)

1er. semestre	2do. semestre
	Ochrobactrum anthropi
	Proteus mirabilis
	Escherichia coli

Evaluación del desempeño de las instituciones participantes

Concordancia de resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos

Diagnóstico microbiológico	Nº	%
Género y especie correctos	766	87,1
Género correcto	3	0,3
Género correcto y especie incorrecta	34	3,9
Género incorrecto	76	8,6
Nº total de identificaciones	879	

Tamaño del halo del antibiograma	Nº	%
Dentro del rango de referencia	2522	78,6
Fuera del rango de referencia	686	21,4
Nº total de halos de inhibición	3208	

Interpretación del resultado del antibiograma *	Laboratorio de referencia	Laboratorio clínico	Laboratorio clínico	
	Nº (Esperado)	Nº (Informado)	Nº (Informado correctamente)	%
Sensible	2339	2302	2289	99,4
Resistente	581	598	560	93,6
Intermedio	19	34	14	41,2
Nº total de resultados de antibiograma	2939	2934	2863	97,6

Errores de interpretación	Nº	%
Menor	20	0,7
Grave	38	1,3
Muy grave	13	0,4
No total de errores de interpretación	71	2,4

NOTA: Ubicarse en cada casilla con el ratón en la pestaña roja y aparecerá el comentario de que dato insertar, el cálculo es automático

*Interpretación del resultado del antibiograma

En esta parte, se debe colocar la información sobre la concordancia de los resultados entre el laboratorio de referencia y los laboratorios clínicos que se evaluaron. Por favor, coloque aquí solo el número de pruebas que coincidieron con el resultados esperado por el laboratorio nacional de referencia. Ej.: de acuerdo a las cepas enviadas y al nro de laboratorios participantes de la encuesta el laboratorio de referencia espera un total de 100 interpretaciones "sensible" pero solo 90 interpretaciones fueron recibidas. De estas 90, 80 fueron correctamente informadas como "sensible". Por lo tanto, los números a reportar serían: 100 (esperado), 90 (informado), 80 (informado correctamente). Por favor, no incluir en "informado correctamente" los resultados "sensible" que fueron reportados erróneamente para antibióticos cuyo resultado esperado es "intermedio" o "resistente". Proceder de la misma manera para las interpretaciones de "resistente" e "intermedio".

Errores de interpretación

ERROR MENOR: Definido como un resultado intermedio que se informa erróneamente como susceptible o resistente o un resultado sensible o resistente se informa erróneamente como intermedio.

ERROR GRAVE: Definido como un resultado sensible que se informa erróneamente como resistente.

ERROR MUY GRAVE: Definido como un resultado resistente que se informa erróneamente como sensible.

Shigella spp. de origen comunitario

Total Nº	Nº		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedio	Resistente			Intermedio	Resistente
1422	9	1163	<i>Shigella flexneri</i>	AMP	0,6	81,8
NT	NT	NT		AMC	# iVALOR!	# iVALOR!
845	3	2		POD	0,4	0,0
NT	NT	NT		CTX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CAZ	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		FOX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CHL	# iVALOR!	# iVALOR!
1469	17	497		SXT	1,2	33,8
NT	NT	NT		NAL	# iVALOR!	# iVALOR!
1425	2	6		CIP	0,1	0,4
1090	0	2		FOS	0,0	0,2
1388	10	4		NIT	0,7	0,3
NT	NT	NT		TCY	# iVALOR!	# iVALOR!
736	6	459		<i>Shigella sonnei</i>	AMP	0,8
NT	NT	NT	AMC		# iVALOR!	# iVALOR!
396	3	7	POD		0,8	1,8
NT	NT	NT	CTX		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	CAZ		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	FOX		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	CHL		# iVALOR!	# iVALOR!
743	13	503	SXT		1,7	67,7
NT	NT	NT	NAL		# iVALOR!	# iVALOR!
741	2	2	CIP		0,3	0,3
578	0	3	FOS		0,0	0,5
711	3	5	NIT		0,4	0,7
NT	NT	NT	TCY		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	<i>Shigella boydii</i>		AMP	# iVALOR!
NT	NT	NT		AMC	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		POD	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CTX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CAZ	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		FOX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CHL	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		SXT	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		NAL	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CIP	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		FOS	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		NIT	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		TCY	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		<i>Shigella dysenteriae</i>	AMP	# iVALOR!
NT	NT	NT	AMC		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	POD		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	CTX		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	CAZ		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	FOX		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	CHL		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	SXT		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	NAL		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	CIP		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	FOS		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	NIT		# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT	TCY		# iVALOR!	# iVALOR!
95	2	68	<i>Shigella spp</i>		AMP	2,1
NT	NT	NT		AMC	# iVALOR!	# iVALOR!
33	0	0		POD	0,0	0,0
NT	NT	NT		CTX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CAZ	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		FOX	# iVALOR!	# iVALOR!
NT	NT	NT		CHL	# iVALOR!	# iVALOR!
99	3	29		SXT	3,0	29,3
NT	NT	NT		NAL	# iVALOR!	# iVALOR!
94	1	1		CIP	1,1	1,1
78	0	2		FOS	0,0	2,6
99	2	1		NIT	2,0	1,0
NT	NT	NT		TCY	# iVALOR!	# iVALOR!

Salmonella por serotipos de origen comunitario

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
spp	353	4	73	AMP	1,1	20,7
	NT	NT	NT	AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
	132	1	3	POD	0,8	2,3
	240	0	6	CTX	0,0	2,5
	205	0	6	CAZ	0,0	2,9
	NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	350	0	21	SXT	0,0	6,0
	NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
	363	54	11	CIP	14,9	3,0
	251	1	2	FOS	0,4	0,8
	171	6	55	NIT	3,5	32,2
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Typhimurium	57	0	14	AMP	0,0	24,6
	NT	NT	NT	AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
	40	0	2	POD	0,0	5,0
	NT	NT	NT	CTX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	57	0	2	SXT	0,0	3,5
	NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
	57	14	4	CIP	24,6	7,0
	47	0	0	FOS	0,0	0,0
	NT	NT	NT	NIT	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

Serotipo	Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
Enteritidis	32	0	2	AMP	0,0	6,3
	NT	NT	NT	AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
	20	0	0	POD	0,0	0,0
	NT	NT	NT	CTX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	FOX	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	CHL	#iVALOR!	#iVALOR!
	34	0	0	SXT	0,0	0,0
	NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
	32	3	0	CIP	9,4	0,0
	30	0	0	FOS	0,0	0,0
	NT	NT	NT	NIT	#iVALOR!	#iVALOR!
	NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

Escherichia coli, de infección urinaria de origen comunitario

Total	N°		Sexo	Edad	Antibiótico	Porcentaje			
	N°	Intermedia				Resistente	Intermedia	Resistente	
673	0	1	M	≤14 años	AMK	0,0	0,1		
673	1	22			GEN	0,1	3,3		
1044	3	793			AMP	0,3	76,0		
NT	NT	NT			AMC	#iVALOR!	#iVALOR!		
1005	242	343			SAM	24,1	34,1		
NT	NT	NT			CEP	#iVALOR!	#iVALOR!		
719	0	72			CZO	0,0	10,0		
NT	NT	NT			CXM	#iVALOR!	#iVALOR!		
1053	0	83			CFM	0,0	7,9		
1051	3	475			SXT	0,3	45,2		
1023	9	88			CIP	0,9	8,6		
NT	NT	NT			NOR	#iVALOR!	#iVALOR!		
978	16	8			NIT	1,6	0,8		
3878	1	2			F	≤14 años	AMK	0,0	0,1
4165	4	57					GEN	0,1	1,4
6858	73	4558	AMP	1,1			66,5		
NT	NT	NT	AMC	#iVALOR!			#iVALOR!		
6856	1392	1635	SAM	20,3			23,8		
NT	NT	NT	CEP	#iVALOR!			#iVALOR!		
5238	0	299	CZO	0,0			5,7		
NT	NT	NT	CXM	#iVALOR!			#iVALOR!		
6941	0	296	CFM	0,0			4,3		
6869	24	2834	SXT	0,3			41,3		
6766	42	490	CIP	0,6			7,2		
NT	NT	NT	NOR	#iVALOR!			#iVALOR!		
6635	77	20	NIT	1,2			0,3		
482	3	2	M	15 a 60			AMK	0,6	0,4
500	3	28					GEN	0,6	5,6
748	7	525			AMP	0,9	70,2		
NT	NT	NT			AMC	#iVALOR!	#iVALOR!		
704	146	235			SAM	20,7	33,4		
NT	NT	NT			CEP	#iVALOR!	#iVALOR!		
557	0	78			CZO	0,0	14,0		
NT	NT	NT			CXM	#iVALOR!	#iVALOR!		
771	0	92			CFM	0,0	11,9		
749	3	313			SXT	0,4	41,8		
766	6	246			CIP	0,8	32,1		
NT	NT	NT			NOR	#iVALOR!	#iVALOR!		
725	16	10			NIT	2,2	1,4		
5199	1	6			F	15 a 60	AMK	0,0	0,1
5772	14	115					GEN	0,2	2,0
9891	176	5544	AMP	1,8			56,1		
NT	NT	NT	AMC	#iVALOR!			#iVALOR!		
9530	1829	1819	SAM	19,2			19,1		
NT	NT	NT	CEP	#iVALOR!			#iVALOR!		
7815	0	461	CZO	0,0			5,9		
NT	NT	NT	CXM	#iVALOR!			#iVALOR!		
10093	0	564	CFM	0,0			5,6		
9705	34	3307	SXT	0,4			34,1		
9988	64	1846	CIP	0,6			18,5		
NT	NT	NT	NOR	#iVALOR!			#iVALOR!		
9765	128	49	NIT	1,3			0,5		
453	0	5	M	> 60			AMK	0,0	1,1
416	6	27					GEN	1,4	6,5
632	7	470			AMP	1,1	74,4		
NT	NT	NT			AMC	#iVALOR!	#iVALOR!		
575	131	209			SAM	22,8	36,3		
NT	NT	NT			CEP	#iVALOR!	#iVALOR!		
472	0	73			CZO	0,0	15,5		
NT	NT	NT			CXM	#iVALOR!	#iVALOR!		
660	0	103			CFM	0,0	15,6		

641	2	270			SXT	0,3	42,1
652	9	294			CIP	1,4	45,1
NT	NT	NT			NOR	#iVALOR!	#iVALOR!
609	10	8			NIT	1,6	1,3
1082	2	3	F	> 60	AMK	0,2	0,3
1171	6	60			GEN	0,5	5,1
1829	23	1129			AMP	1,3	61,7
NT	NT	NT			AMC	#iVALOR!	#iVALOR!
1725	321	444			SAM	18,6	25,7
NT	NT	NT			CEP	#iVALOR!	#iVALOR!
1477	0	154			CZO	0,0	10,4
NT	NT	NT			CXM	#iVALOR!	#iVALOR!
1884	0	185			CFM	0,0	9,8
1835	6	743			SXT	0,3	40,5
1883	13	647			CIP	0,7	34,4
NT	NT	NT			NOR	#iVALOR!	#iVALOR!
1785	22	20			NIT	1,2	1,1

Escherichia coli, de origen hospitalario

Total N°	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
3851	24	28	AMK	0,6	0,7
4034	25	631	GEN	0,6	15,6
4083	58	2971	AMP	1,4	72,8
1988	377	382	AMC	19,0	19,2
3749	173	174	TZP	4,6	4,6
3833	8	17	IMP	0,2	0,4
3777	10	15	MEM	0,3	0,4
NT	NT	NT	CEP	#iVALOR!	#iVALOR!
2353	480	754	CZO	20,4	32,0
NT	NT	NT	CFM	#iVALOR!	#iVALOR!
4100	25	906	CTX	0,6	22,1
3768	105	445	CAZ	2,8	11,8
3457	199	387	FEP	5,8	11,2
2786	54	74	FOX	1,9	2,7
NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
4289	56	1421	CIP	1,3	33,1
NT	NT	NT	NOR	#iVALOR!	#iVALOR!
4260	15	1971	SXT	0,4	46,3
3098	72	51	NIT	2,3	1,6
NT	NT	NT	FOS	#iVALOR!	#iVALOR!
2122	0	42	COL	0,0	2,0
NT	NT	NT	TGC	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

Neisseria meningitidis de origen comunitario - RED SIREVA II - Método de dilución (CIM)

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
74	53	0	AMP	71,6	0,0
74	44	0	PEN	59,5	0,0
74			CRO o CTX		0,0
74	0	0	CHL	0,0	0,0
74	1	67	SXT	1,4	90,5
74	0	0	CIP	0,0	0,0
74	0	0	RIF	0,0	0,0
74	0	0	AZM	0,0	0,0
74	0	0	MNO	0,0	0,0

Nº aislamientos no sensibles

AMP y PEN solo por CIM

Staphylococcus spp de origen comunitario

Total	Nº		Especie	Antibiótico	Porcentaje		
	Nº	Intermedio			Resistente	Intermedio	Resistente
2590	94	375	<i>S. aureus</i>	GEN	3,6	14,5	
NT	NT	NT		OXA	#iVALOR!	#iVALOR!	
1995	0	984		FOX	0,0	49,3	
2299	2	70		SXT	0,1	3,0	
2298	56	106		CIP	2,4	4,6	
2088	0	0		TEC	0,0	0,0	
2378	0	0		VAN	0,0	0,0	
2549	14	388		CLI	0,5	15,2	
2470	34	547		ERI	1,4	22,1	
2635	13	62		RIF	0,5	2,4	
NT	NT	NT		CHL	#iVALOR!	#iVALOR!	
2280	0	0		LNZ	0,0	0,0	
2183	7	12		MNO	0,3	0,5	
NT	NT	NT		DOX	#iVALOR!	#iVALOR!	
1372	3	24		TCY	0,2	1,7	
1507	40	160		<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	2,7	10,6
NT	NT	NT			OXA	#iVALOR!	#iVALOR!
1535	0	375			FOX	0,0	24,4
1663	16	207			SXT	1,0	12,4
1592	25	165			CIP	1,6	10,4
689	6	0	TEC		0,9	0,0	
952	0	0	VAN		0,0	0,0	
961	11	203	CLI		1,1	21,1	
958	22	482	ERI		2,3	50,3	
962	3	47	RIF		0,3	4,9	
NT	NT	NT	CHL		#iVALOR!	#iVALOR!	
923	0	0	LNZ		0,0	0,0	
851	5	2	MNO		0,6	0,2	
NT	NT	NT	DOX		#iVALOR!	#iVALOR!	
726	5	67	TCY		0,7	9,2	

VAN solo por CIM

Ceftarolina y *S. aureus* (n=982): Sensible:99,2%, Intermedio: 0,8%, Resistente: 0%

Staphylococcus spp de origen hospitalario

Total	Nº		Especie	Antibiótico	Porcentaje		
	Nº	Intermedia			Resistente	Intermedia	Resistente
2180	39	348	<i>S. aureus</i>	GEN	1,8	16,0	
NT	NT	NT		OXA	#iVALOR!	#iVALOR!	
1748	0	734		FOX	0,0	42,0	
2180	2	103		SXT	0,1	4,7	
1671	28	138		CIP	1,7	8,3	
1622	0	0		TEC	0,0	0,0	
2099	0	0		VAN	0,0	0,0	
2177	10	394		CLI	0,5	18,1	
2169	40	525		ERI	1,8	24,2	
2168	14	65		RIF	0,6	3,0	
NT	NT	NT		CHL	#iVALOR!	#iVALOR!	
1977	0	0		LNZ	0,0	0,0	
2082	9	4		MNO	0,4	0,2	
NT	NT	NT		DOX	#iVALOR!	#iVALOR!	
1432	3	19		TCY	0,2	1,3	
4841	392	1613		<i>Staphylococcus coagulasa negativa</i>	GEN	8,1	33,3
NT	NT	NT			OXA	#iVALOR!	#iVALOR!
2822	0	1838			FOX	0,0	65,1
4687	40	1615			SXT	0,9	34,5
3911	144	1516			CIP	3,7	38,8
3436	33	0	TEC		1,0	0,0	
4589	0	0	VAN		0,0	0,0	
4770	70	2239	CLI		1,5	46,9	
4748	96	2369	ERI		2,0	49,9	
4705	89	873	RIF		1,9	18,6	
NT	NT	NT	CHL		#iVALOR!	#iVALOR!	
4446	0	54	LNZ		0,0	1,2	
4487	14	22	MNO		0,3	0,5	
NT	NT	NT	DOX		#iVALOR!	#iVALOR!	
3274	30	238	TCY		0,9	7,3	

VAN solo por CIM

Ceftarolina y *S. aureus* (n=882): Sensible:96,7%, Intermedio: 3,3%, Resistente: 0%

Neisseria gonorrhoeae de origen comunitario

El estándar oro para la vigilancia de la susceptibilidad a los antimicrobianos *N. gonorrhoeae* es la determinación de la concentración inhibitoria mínima sea por el método de dilución en agar o por la utilización de tiras de gradiente (p.ej. E-test, Mice, Liofichem). Teniendo en cuenta que muchos países se encuentran en proceso de implementación de la metodología para determinar la CIM, se consideraran los datos provenientes de la difusión por discos, hasta que la metodología de vigilancia sea implementada. Para aquellos países que tengan implementada las dos metodologías sólo deberá cargar los datos de CIM.

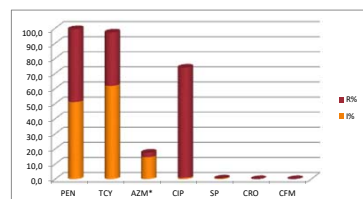
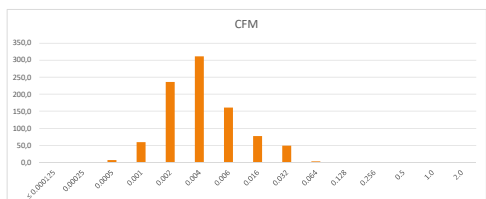
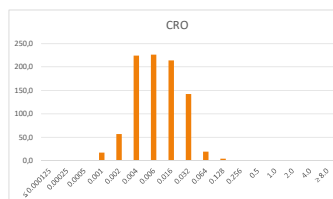
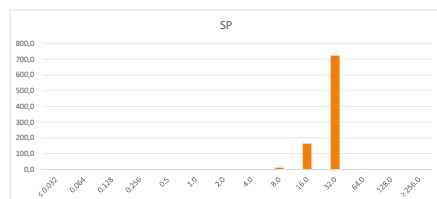
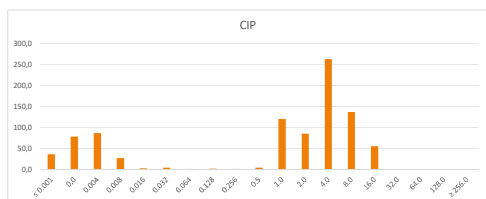
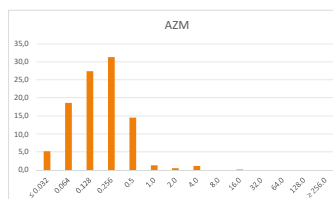
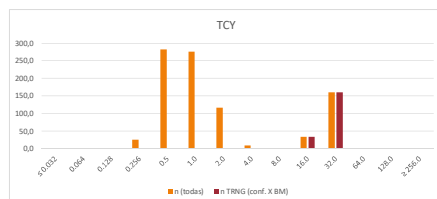
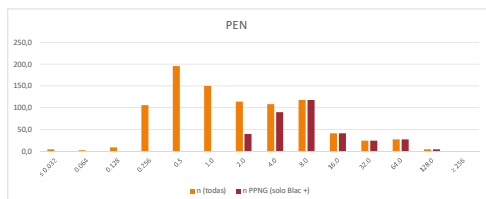
Prueba de Concentración Inhibitoria Mínima (CIM)

Método utilizado: Dilución en agar [X] E-test []

ANTIMICROBIANO		CONCENTRACIÓN INHIBITORIA MÍNIMA (µg/mL)																S	I	R			
		Número de aislamientos incluidos en cada dilución de CIM (n)																					
PEN	n	≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0								
	n (todas)	903	4.0	2.0	9.0	106.0	196.0	150.0	114.0	108.0	118.0	41.0	24.0	27.0	4.0								
	%	100	0.4	0.2	1.0	11.7	21.7	16.6	12.6	12.0	13.1	4.5	2.7	3.0	0.4	0.0		0.7	51.1	48.3			
TCY	n	≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0								
	n (todas)	903		1.0	25.0	282.0	276.0	116.0	9.0	1.0	33.0	160.0											
	%	100	0.0	0.0	0.1	2.8	31.2	30.8	12.8	1.0	0.1	3.7	17.7	0.0	0.0	0.0		2.9	61.8	36.3			
AZM*	n	≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0								
	n (todas)	903	47.0	188.0	247.0	233.0	131.0	12.0	4.0	10.0	0.0	1.0	0.0	0.0	0.0								
	%	100	5.2	18.6	27.4	31.3	14.5	1.3	0.4	1.1	0.0	0.1	0.0	0.0	0.0			82.5	14.5	3.0			
CIP	n	≤ 0.001	0.0	0.004	0.008	0.016	0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0			
	n (todas)	903	36.0	78.0	87.0	27.0	3.0	4.0	1.0	2.0	1.0	4.0	120.0	85.0	283.0	137.0	55.0						
	%	100	4.0	8.6	9.6	3.0	0.3	0.4	0.1	0.2	0.1	0.4	13.3	9.4	29.1	15.2	6.1	0.0	0.0	0.0	26.1	0.8	73.1
SP	n	≤ 0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	8.0	16.0	32.0	64.0	128.0	≥ 256.0								
	n (todas)	903						12.0	163.0	723.0													
	%	100	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	1.3	18.1	80.1	0.4	0.0	0.0	0.0	0.0						99.6	0.4	0.0
CRO	n	≤ 0.000125	0.00025	0.0005	0.001	0.002	0.004	0.006	0.016	0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	≥ 8.0					
	n (todas)	903			17.0	57.0	224.0	226.0	214.0	142.0	19.0	4.0											
	%	100	0.0	0.0	1.9	6.3	24.8	25.0	23.7	15.7	2.1	0.4	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	0.0	100.0	0.0	0.0
CFM	n	≤ 0.000125	0.00025	0.0005	0.001	0.002	0.004	0.006	0.016	0.032	0.064	0.128	0.256	0.5	1.0	2.0	4.0	≥ 8.0					
	n (todas)	903																					
	%	100	0.0	0.0	0.0	0.0	0.8	6.5	59.0	236.0	311.0	181.0	77.0	49.0	3.0								100.0

Abreviaturas: "Blac +": beta-lactamasa positiva; "Conf. X BM": confirmados por métodos de biología molecular

*** Debido a que CLSI no desarrolló puntos de corte clínicos para AZM, se utiliza el propuesto por EUCAST (S≤0,25µg/ml; I=0,5µg/ml; R≥1µg/ml).**



Nombre de la institución que reporta	Servicio de Enfermedades de Transmisión Sexual - INEI - ANALIS "Dr. C. G. Malbran"
Nombre de contacto	Patricia Galarza - Programa de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG)-Red ITS
Correo electrónico	pgalarza@anlis.gov.ar

Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de meningitis - RED SIREVA II

Total	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje		
	N°	Intermedia			Resistente	Intermedia	Resistente
30	0	7	< 6 años	OXA	0,0	23,3	
NT	NT	NT		IPM	#iVALOR!	#iVALOR!	
30	1	1		MEM	3,3	3,3	
NT	NT	NT		CXM	#iVALOR!	#iVALOR!	
30	0	7		PEN*	0,0	23,3	
30	2	0		CTX*	6,7	0,0	
30	0	0		CHL	0,0	0,0	
30	8	8		SXT	26,7	26,7	
30	0	0		LVX	0,0	0,0	
NT	NT	NT		OFX	#iVALOR!	#iVALOR!	
30	0	0		VAN	0,0	0,0	
30	0	5		CLI	0,0	16,7	
30	0	7		ERI	0,0	23,3	
30	0	0		RIF	0,0	0,0	
30	0	8		TCY	0,0	26,7	
17	0	4		≥ 6 años	OXA	0,0	23,5
NT	NT	NT			IPM	#iVALOR!	#iVALOR!
17	1	1			MEM	5,9	5,9
NT	NT	NT			CXM	#iVALOR!	#iVALOR!
17	0	3	PEN*		0,0	17,6	
17	1	0	CTX*		5,9	0,0	
17	0	0	CHL		0,0	0,0	
17	4	3	SXT		23,5	17,6	
17	0	0	LVX		0,0	0,0	
NT	NT	NT	OFX		#iVALOR!	#iVALOR!	
17	0	0	VAN		0,0	0,0	
17	0	1	CLI		0,0	5,9	
17	0	2	ERI		0,0	11,8	
17	0	0	RIF		0,0	0,0	
17	0	4	TCY		0,0	23,5	

IPM, CXM, PEN y CTX solo por CIM

* PEN y CTX: BP Sitio meníngeo

Ceftarolina: 100% sensible en todas las edades

Haemophilus influenzae de origen comunitario

Aislamientos Invasivos: RED SIREVA II - Método de dilución (CIM)

Aislamientos No invasivos: RED WHONET-Argentina Metodo de Difusion

Total Nº	Nº		Procedencia	Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente
115	4	23	Invasivos	< 6 años	AMP	3,5	20,0
NT	NT	NT			SAM	#iVALOR!	#iVALOR!
115	0	0			AMC	0,0	0,0
115	5	1			CEC	4,3	0,9
115	0	0			CXM	0,0	0,0
115		0			CTX		0,0
NT		NT			CRO		#iVALOR!
115	2	1			CHL	1,7	0,9
115	6	16			SXT	5,2	13,9
NT		NT			LEV		#iVALOR!
115		0			CIP		0,0
115		2			AZM		1,7
NT	NT	NT		AMP	#iVALOR!	#iVALOR!	
NT	NT	NT		SAM	#iVALOR!	#iVALOR!	
NT	NT	NT		AMC	#iVALOR!	#iVALOR!	
NT	NT	NT		CEC	#iVALOR!	#iVALOR!	
NT	NT	NT		CXM	#iVALOR!	#iVALOR!	
NT		NT		CTX		#iVALOR!	
NT		NT		CRO		#iVALOR!	
NT	NT	NT		CHL	#iVALOR!	#iVALOR!	
NT	NT	NT		SXT	#iVALOR!	#iVALOR!	
NT		NT		LEV		#iVALOR!	
NT		NT		CIP		#iVALOR!	
NT		NT		AZM		#iVALOR!	
282	6	67	No invasivos	< 6 años	AMP	2,1	23,8
158	0	2			SAM	0,0	1,3
138	0	8			AMC	0,0	5,8
253	3	10			CEC	1,2	4,0
100	0	2			CXM	0,0	2,0
NT		NT			CTX		#iVALOR!
NT		NT			CRO		#iVALOR!
156	2	8			CHL	1,3	5,1
201	2	63			SXT	1,0	31,3
NT		NT			LEV		#iVALOR!
159		0			CIP		0,0
238		1			AZM		0,4
552	23	92		AMP	4,2	16,7	
46	0	1		SAM	0,0	2,2	
311	0	23		AMC	0,0	7,4	
478	10	19		CEC	2,1	4,0	
229	2	10		CXM	0,9	4,4	
NT		NT		CTX		#iVALOR!	
NT		NT		CRO		#iVALOR!	
292	13	11		CHL	4,5	3,8	
532	4	127		SXT	0,8	23,9	
NT		NT		LEV		#iVALOR!	
58		1		CIP		1,7	
269		1		AZM		0,4	

Ceftarolina: 100% Sensible en todas las edades

Nº de aislamientos no sensibles

Streptococcus B-hemolítico del grupo A (S. pyogenes) de origen comunitario

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1150		0	PEN		0,0
1042	11	2	LVX	1,1	0,2
1283	7	24	CLI	0,5	1,9
1275	29	30	ERI	2,3	2,4
NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

Nº de aislamientos no sensibles

Streptococcus B-hemolítico del grupo B (S. agalactiae) de origen comunitario

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
732		0	PEN		0,0
807	8	58	LVX	1,0	7,2
827	10	130	CLI	1,2	15,7
827	33	152	ERI	4,0	18,4
NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

Nº de aislamientos no sensibles

***Campylobacter* spp de origen comunitario**

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
70	0	47	CIP¹	0,0	67,1
70	1	0	CHL²	1,4	0,0
70	0	5	AZM²	0,0	7,1
70	0	5	ERI¹	0,0	7,1
70	0	0	NIT²	0,0	0,0
70	0	19	TCY¹	0,0	27,1

Puntos de corte: ¹ Tabla 4.M45-A3 CLSI 2016. ² Extraídos de la literatura internacional

Enterobacter cloacae de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1631	24	52	AMK	1,5	3,2
1612	15	450	GEN	0,9	27,9
1567	160	302	TZP	10,2	19,3
1611	55	101	IPM	3,4	6,3
1620	11	84	MEM	0,7	5,2
1191	55	137	ETP	4,6	11,5
NT	NT	NT	CAZ	#iVALOR!	#iVALOR!
1223	31	530	CTX	2,5	43,3
NT	NT	NT	CRO	#iVALOR!	#iVALOR!
1175	101	271	FEP	8,6	23,1
1630	3	629	SXT	0,2	38,6
NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
1657	117	341	CIP	7,1	20,6
NT	NT	NT	FOS	#iVALOR!	#iVALOR!
1245	0	30	COL	0,0	2,4
NT	NT	NT	TGC	#iVALOR!	#iVALOR!
NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

COL solo por CIM

***Klebsiella pneumoniae* de origen hospitalario**

Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
5847	187	426	AMK	3,2	7,3
5800	41	2209	GEN	0,7	38,1
2023	237	961	AMC	11,7	47,5
4912	206	2711	AMS	4,2	55,2
5653	548	1859	TZP	9,7	32,9
5793	98	782	IPM	1,7	13,5
5780	64	838	MEM	1,1	14,5
4143	95	725	ETP	2,3	17,5
NT	NT	NT	CEP	#iVALOR!	#iVALOR!
5691	51	2953	CAZ	0,9	51,9
4594	18	2517	CTX	0,4	54,8
1454	2	696	CRO	0,1	47,9
5387	161	2580	FEP	3,0	47,9
3530	116	1602	FOX	3,3	45,4
5896	35	2930	SXT	0,6	49,7
NT	NT	NT	NAL	#iVALOR!	#iVALOR!
6087	499	2361	CIP	8,2	38,8
4375	1124	1426	NIT	25,7	32,6
1262	19	146	FOS	1,5	11,6
3999	0	283	COL	0,0	7,1
2706	0	148	TGC	0,0	5,5
NT	NT	NT	TCY	#iVALOR!	#iVALOR!

COL solo por CIM

Enterococcus spp. de origen hospitalario

Total	N°		Microorganismo	Antibiótico	Porcentaje	
	N°	Intermedia			Resistente	Intermedia
2373	7	570	<i>Enterococcus faecalis</i>	GEH	0,3	24,0
2367	15	429		STH	0,6	18,1
3061	0	51		AMP	0,0	1,7
2035	33	20		LNZ	1,6	1,0
2319	6	17		TEC	0,3	0,7
2945	34	40		VAN	1,2	1,4
688	2	133		<i>Enterococcus faecium</i>	GEH	0,3
688	2	242	STH		0,3	35,2
861	0	742	AMP		0,0	86,2
778	9	9	LNZ		1,2	1,2
775	44	456	TEC		5,7	58,8
909	2	595	VAN		0,2	65,5
192	2	26	<i>Enterococcus spp.</i>		GEH	1,0
189	3	28		STH	1,6	14,8
236	0	49		AMP	0,0	20,8
132	4	5		LNZ	3,0	3,8
207	4	18		TEC	1,9	8,7
224	1	25		VAN	0,4	11,2

Acinetobacter baumannii de origen hospitalario

Total	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1381	128	399	AMK	9,3	28,9
1539	89	1026	GEN	5,8	66,7
1485	410	806	SAM	27,6	54,3
1473	22	1272	TZP	1,5	86,4
1560	6	1328	IPM	0,4	85,1
1548	2	1320	MEM	0,1	85,3
1546	70	1258	CAZ	4,5	81,4
NT	NT	NT	CTX	#¡VALOR!	#¡VALOR!
NT	NT	NT	CRO	#¡VALOR!	#¡VALOR!
1498	69	1228	FEP	4,6	82,0
1465	0	1236	SXT	0,0	84,4
1531	6	1313	CIP	0,4	85,8
1279	0	14	COL	0,0	1,1
996	74	48	MNO	7,4	4,8
910	0	93	TGC	0,0	10,2
NT	NT	NT	TCY	#¡VALOR!	#¡VALOR!

COL solo por CIM

<i>Pseudomonas aeruginosa</i> de origen hospitalario					
Total	Nº		Antibiótico	Porcentaje	
Nº	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
3928	75	566	AMK	1,9	14,4
3835	100	851	GEN	2,6	22,2
NT	NT	NT	PIP	#iVALOR!	#iVALOR!
3792	345	636	TZP	9,1	16,8
3943	91	860	IPM	2,3	21,8
3910	250	747	MEM	6,4	19,1
2570	465	375	ATM	18,1	14,6
3915	290	442	CAZ	7,4	11,3
NT	NT	NT	CFP	#iVALOR!	#iVALOR!
3828	302	471	FEP	7,9	12,3
2341	0	65	COL	0,0	2,8
3916	110	1018	CIP	2,8	26,0