

CAM-ALAM 2016 – 26-30/09 ROSARIO, STA FE

MI-0685

Staphylococcus resistentes a meticilina y multiresistentes en cerdos de cría intensiva: estudio longitudinal en un establecimiento de la Provincia de Buenos Aires.

G Giacoboni, P Gaggeti, F Pasterán, J Cappuccio, G Vigo, C Perfumo, A Corso

Los estafilococos de origen animal (coagulasa positivos y negativos) pueden albergar genes de resistencia a los antimicrobianos. La resistencia a meticilina es la de mayor impacto en Salud Pública, por los inconvenientes que ocasiona en el tratamiento de infecciones en medicina humana y veterinaria. La meticilino-resistencia en *S. aureus* asociada a animales de granja (LA-MRSA) es endémica en algunos países europeos, en particular en porcinos de cría intensiva.

El objetivo del trabajo fue determinar en una población de cerdos de cría intensiva la presencia de estafilococos resistentes a meticilina y otras drogas de impacto clínico en humanos y animales.

Estudio longitudinal: se tomaron 25 hisopados nasales de porcinos de 21 días de edad en un establecimiento de provincia de Buenos Aires en junio, julio, septiembre y noviembre de 2011. Cada hisopo se colocó en caldo de enriquecimiento selectivo adaptado de van Duijkeren y col, EID 2007 (caldo tripticasa soya 30 g, ClNa 40 g, manitol 10 g, rojo de fenol 16 g, ceftriaxona 5 mg, agua CSP: 1000 ml) y se incubó a 37°C por 24 h. Se sembró una anisada de 10 µl en agar sangre, se incubó a 37°C por 24 h, y se repicó un máximo de 3 colonias sospechosas de estafilococo en agar tripticasa soya.

Identificación por pruebas bioquímicas: coloración de Gram, catalasa, coagulasa, Voges-Proskauer, urea, arabinosa, celobiosa, maltosa, lactosa, manosa, xilosa, trealosa, rafinosa, sacarosa, manitol, oxidasa y PYR. La identificación se confirmó por MALDITOFF (Bruker). Se realizó sensibilidad por difusión en agar (CLSI M100-S25) a ceftioxitina, eritromicina, clindamicina, gentamicina, ciprofloxacina, tetraciclina, rifampicina, teicoplanina y nitrofurantoina. Por D-test se evaluó el fenotipo de resistencia a macrólidos, y por PCR la presencia del gen *mecA*.

No se detectaron *S. aureus* meticilino-resistentes en ninguna muestra estudiada. Sin embargo se aislaron 34 *S. coagulans* negativa (SCN): 16 *S. haemolyticus*, 14 *S. sciuri*, 1 *S. lentus*, y 3 no identificados por ninguna metodología. Todos se caracterizaron fenotípicamente como meticilino-resistentes y se confirmó la presencia del gen *mecA*.

29/34 (85.3%) aislamientos presentaron resistencia a eritromicina y clindamicina, con fenotipo MLS_B constitutivo. 21/34 (61.8%) fueron resistentes a trimetoprima/sulfametoxazol, 19/34 (55.9%) a gentamicina y ciprofloxacina, 4/34 (11.8%) a tetraciclina y cloranfenicol. Todos fueron sensibles a nitrofurantoina, teicoplanina y rifampicina. 62% de los aislamientos (21/34) presentó multiresistencia (resistencia ≥ 3 familias de antibióticos), perfil más frecuente resistencia a oxacilina, eritromicina, clindamicina, gentamicina, ciprofloxacina y trimetoprima/sulfametoxazol (38,2%).

Si bien no se encontraron *S. aureus* meticilino-resistentes durante el período de estudio, se detectaron SCN multiresistentes. A pesar de que los SCN son colonizantes habituales de animales y humanos, no se puede descartar su rol como reservorio de genes de resistencia.