

Vigilancia de la Resistencia a los Antimicrobianos
Red Latinoamericana de Vigilancia de la Resistencia a los Antimicrobianos (ReLAVRA)

Favor completar	
Año	2014
Pais	Argentina
Nombre de la institución que reporta	Servicio Antimicrobianos. Laboratorio Nacional de Referencia en Resistencia a los Antimicrobianos. Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas (INEI). ANLIS "Dr. Carlos G. Malbrán"
Nombre de contacto	Alejandra Corso- Marcelo Galas
Telefono	54-11-4303-2812
Fax	54-11-4303-2812
Correo electrónico	acorso@anlis.gov.ar, galasmf@yahoo.com, atb@anlis.gov.ar

Evaluación externa del desempeño de los participantes de la red
Especies enviadas para la evaluación del desempeño

Laboratorios	1er. semestre	2do. semestre
	<i>E. aerogenes</i> (Hiperproducción de AmpC)	<i>E. coli</i> (MBL blaVIM-1 + BLEE blaCTXM-15)
	<i>S. aureus</i> (Meticilinoresistente + MLSb constitutivo)	<i>S. agalactiae</i> (Lincosaminoadenilasa)
	<i>K. pneumoniae</i> (BLEE blaCTX-M15 + impermeabilidad + PMQRs qnrB y AAC 6'-Ibcr)	

N=95

Evaluación del desempeño de las instituciones participantes

Tipo de prueba y resultado	Concordancia	
	Nº	Porcentaje
Diagnóstico microbiológico	382	
Género y especie correctos	366	95,8
Género correcto	2	0,5%
Género correcto y especie incorrecta	4	1,1%
Género incorrecto	10	2,6%
Tamaño del halo del antibiograma	1928	
Dentro del rango de referencia	1699	88,1%
Fuera del rango de referencia	229	11,9%
Interpretación del resultado del antibiograma *		
Sensible	737	98,5%
Resistente	1128	95,0%
Intermedio	23	47,8%
Sensibilidad dosis dependiente (SDD)	87	52,9%
Errores	1975	
Menor	39	2,0%
Grave	7	0,4%
Muy Grave	34	1,7%

CALCULO AUTOMATICO

NOTA: Ubicarse en cada casilla con el ratón en la pestaña roja y aparecerá el comentario de que dato insertar, el cálculo es automatico

Laboratorios	1er. semestre	2do. semestre
	<i>E. aerogenes</i> (Hiperproducción de AmpC)	<i>E. coli</i> (MBL blaVIM-1 + BLEE blaCTXM-15)
	<i>S. aureus</i> (Meticilinoresistente + MLSb constitutivo)	<i>S. agalactiae</i> (Lincosaminoadenilasa)
	<i>K. pneumoniae</i> (BLEE blaCTX-M15 + impermeabilidad + PMQRs qnrB y AAC 6'-Ibcr)	

Programa Control de Calidad, NO WHONET

N=331

Evaluación del desempeño de las instituciones participantes

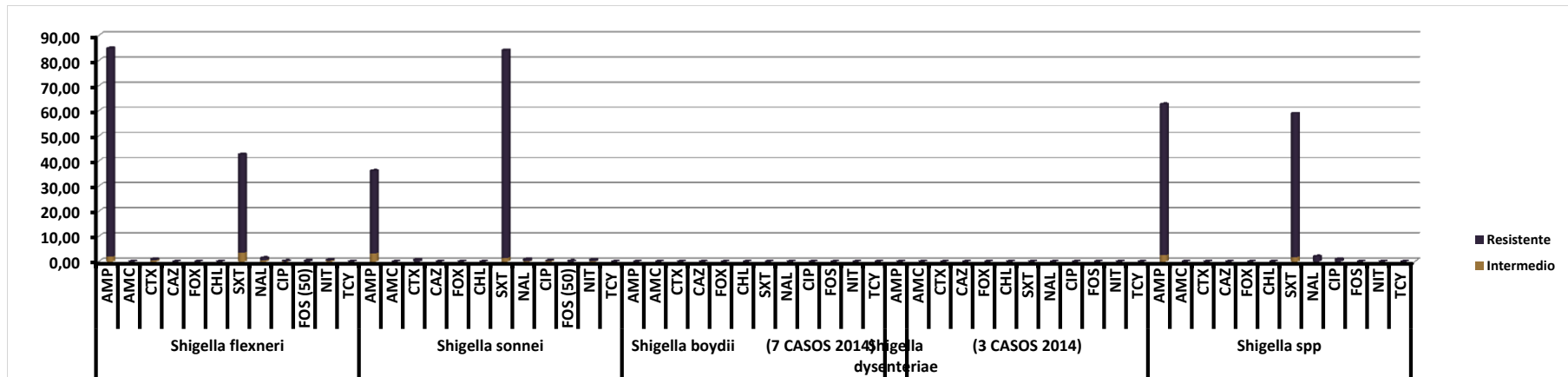
Tipo de prueba y resultado	Concordancia	
	Nº	Porcentaje
Diagnóstico microbiológico	1306	
Género y especie correctos	1214	93,0%
Género correcto	13	1,0%
Género correcto y especie incorrecta	14	1,1%
Género incorrecto	65	4,9%
Tamaño del halo del antibiograma	6669	
Dentro del rango de referencia	5668	85,0%
Fuera del rango de referencia	1001	15,0%
Interpretación del resultado del antibiograma *		
Sensible	2533	97,9%
Resistente	3903	93,1%
Intermedio	60	43,3%
Sensibilidad dosis dependiente (SDD)	296	53,7%
Errores	6792	
Menor	167	2,4%
Grave	44	0,6%
Muy Grave	156	2,3%

CALCULO AUTOMATICO

NOTA: Ubicarse en cada casilla con el ratón en la pestaña roja y aparecerá el comentario de que dato insertar, el cálculo es automatico

Shigella spp. de origen: Comunitarios

Todos N°	Microorganismos	Antibiótico	Porcentaje		
			Intermedio	Resistente	
1868	<i>Shigella flexneri</i>	AMP	2,00	82,90	
NT		AMC	NT	NT	
668		CTX	0,60	0,30	
NT		CAZ	NT	NT	
NT		FOX	NT	NT	
NT		CHL	NT	NT	
1396		SXT	3,60	39,00	
1333		NAL	0,60	0,80	
1388		CIP	0,10	0,10	
879		FOS (50)	0,00	0,30	
1378		NIT	0,40	0,20	
NT		TCY	NT	NT	
795		<i>Shigella sonnei</i>	AMP	3,30	32,80
NT			AMC	NT	NT
301	CTX		0,00	0,70	
NT	CAZ		NT	NT	
NT	FOX		NT	NT	
NT	CHL		NT	NT	
666	SXT		1,50	82,60	
576	NAL		0,20	0,70	
646	CIP		0,30	0,00	
420	FOS (50)		0,00	0,20	
605	NIT		0,20	0,50	
NT	TCY		NT	NT	
NT	<i>Shigella boydii</i> (7 CASOS 2014)		AMP	NT	NT
NT			AMC	NT	NT
NT		CTX	NT	NT	
NT		CAZ	NT	NT	
NT		FOX	NT	NT	
NT		CHL	NT	NT	
NT		SXT	NT	NT	
NT		NAL	NT	NT	
NT		CIP	NT	NT	
NT		FOS	NT	NT	
NT		NIT	NT	NT	
NT		TCY	NT	NT	
NT		<i>Shigella dysenteriae</i> (3 CASOS 2014)	AMP	NT	NT
NT			AMC	NT	NT
NT	CTX		NT	NT	
NT	CAZ		NT	NT	
NT	FOX		NT	NT	
NT	CHL		NT	NT	
NT	SXT		NT	NT	
NT	NAL		NT	NT	
NT	CIP		NT	NT	
NT	FOS		NT	NT	
NT	NIT		NT	NT	
NT	TCY		NT	NT	
115	<i>Shigella spp</i>		AMP	2,60	60,00
NT			AMC	NT	NT
NT		CTX	NT	NT	
NT		CAZ	NT	NT	
NT		FOX	NT	NT	
NT		CHL	NT	NT	
112		SXT	1,80	57,10	
101		NAL	0,00	2,00	
108		CIP	0,00	0,90	
82		FOS	0,00	0,00	
103		NIT	0,00	0,00	
NT		TCY	NT	NT	

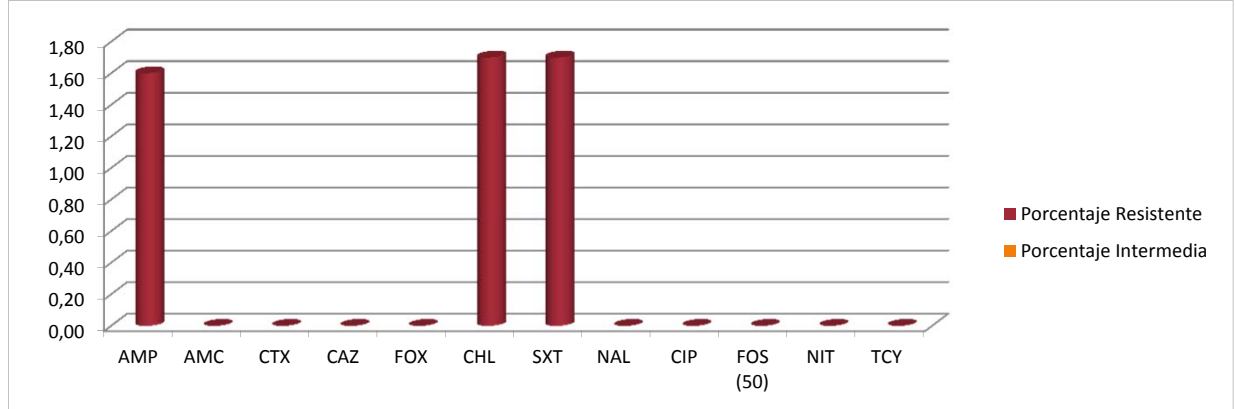
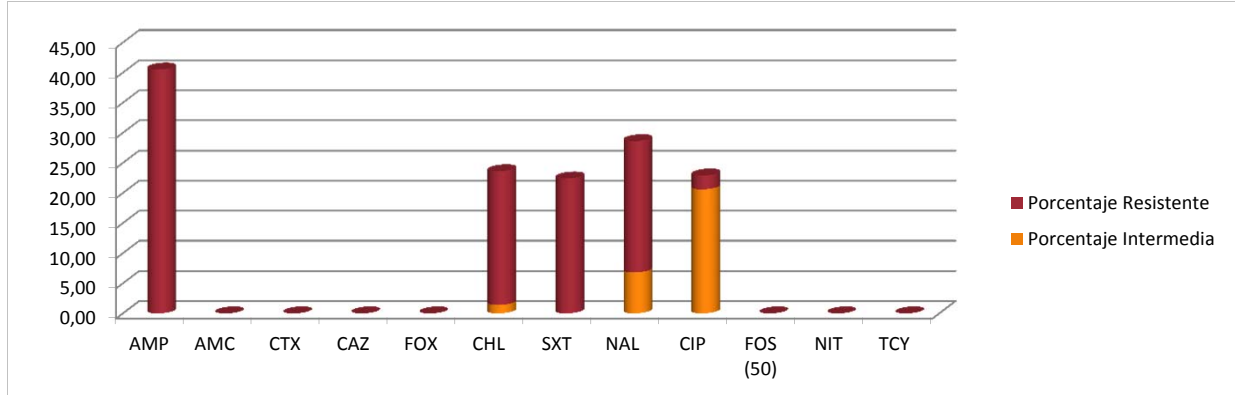
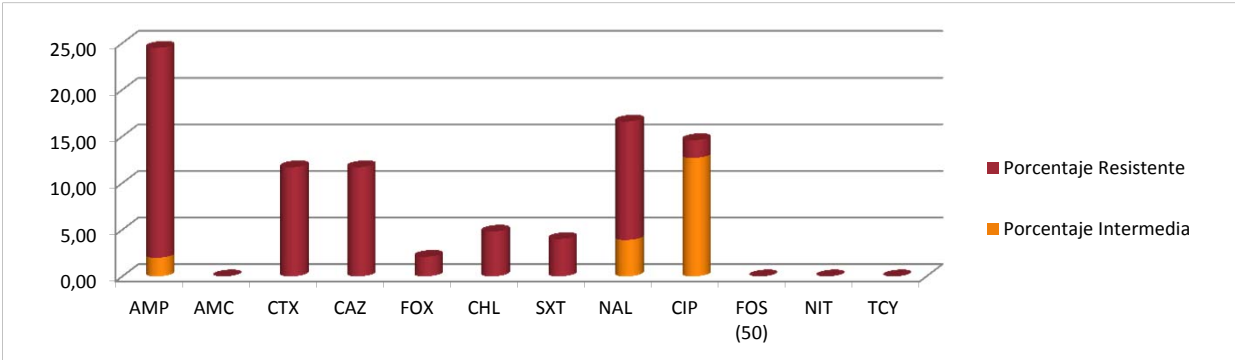


Salmonella por serotipos de origen Comunitarios

Serotipo	Todos N°	Antibiotico	Porcentaje	
			Intermedia	Resistente
SPP	495	AMP	2,00	22,50
	NT	AMC	NT	NT
	495	CTX	0,00	11,70
	495	CAZ	0,00	11,70
	48	FOX	0,00	2,10
	210	CHL	0,00	4,80
	198	SXT	0,00	4,00
	315	NAL	3,9	12,7
	315	CIP	12,7	1,9
	130	FOS (50)	0,00	0,00
	NT	NIT	NT	NT
	NT	TCY	NT	NT

Serotipo	Todos N°	Antibiotico	Porcentaje	
			Intermedia	Resistente
Typhimurium	84	AMP	0,00	40,50
	NT	AMC	NT	NT
	NT	CTX	NT	NT
	NT	CAZ	NT	NT
	NT	FOX	NT	NT
	72	CHL	1,40	22,20
	76	SXT	0,00	22,40
	87	NAL	6,80	21,80
	87	CIP	20,60	2,30
	59	FOS (50)	0,00	0,00
	NT	NIT	NT	NT
	NT	TCY	NT	NT

Serotipo	Todos N°	Antibiotico	Porcentaje	
			Intermedia	Resistente
Enteritidis	64	AMP	0,00	1,60
	NT	AMC	NT	NT
	38	CTX	0,00	0,00
	NT	CAZ	NT	NT
	NT	FOX	NT	NT
	58	CHL	0,00	1,70
	60	SXT	0,00	1,70
	55	NAL	0,00	0,00
	55	CIP	0,00	0,00
	51	FOS (50)	0,00	0,00
	NT	NIT	NT	NT
	NT	TCY	NT	NT

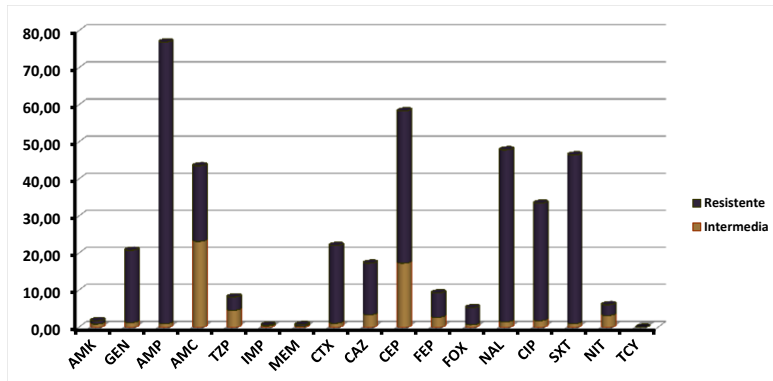
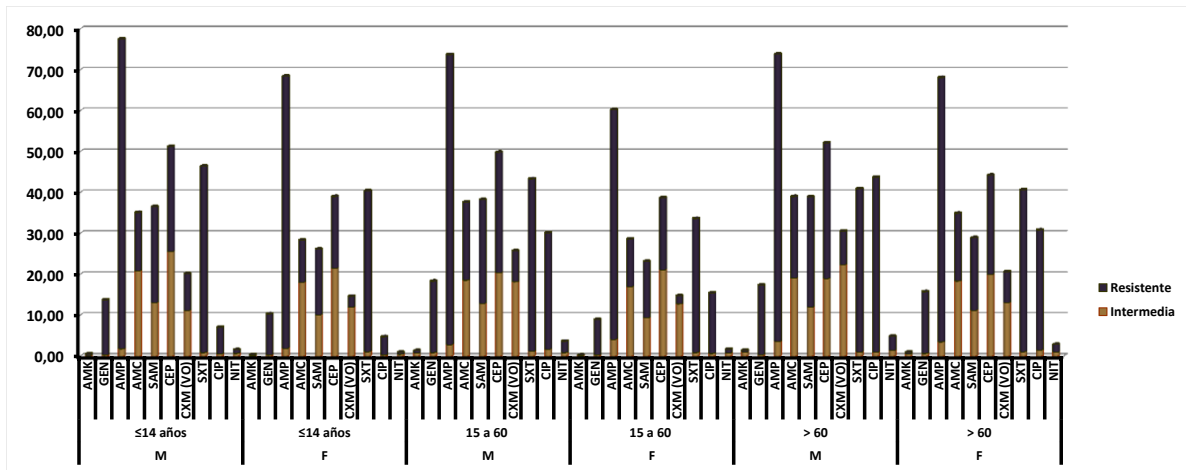


Escherichia coli, de Origen Comunitario

Todos Nº	Sexo	Edad	Antibiotico	Porcentaje			
				Intermedia	Resistente		
1220	M	≤14 años	AMK	0,20	0,40		
1489			GEN	0,30	13,50		
1878			AMP	1,80	75,80		
440			AMC	20,90	14,30		
834			SAM	13,10	23,50		
1236			CEP	25,60	25,70		
365			CXM (VO)	11,20	9,00		
1082			SXT	0,90	45,60		
1069			CIP	0,60	6,50		
960			NIT	0,70	0,90		
4280			AMK	0,10	0,30		
5999			F	≤14 años	GEN	0,30	10,10
8654	AMP	1,90			66,60		
1344	AMC	18,10			10,30		
5014	SAM	10,10			16,10		
6433	CEP	21,50			17,60		
1831	CXM (VO)	12,00			2,70		
5645	SXT	1,10			39,40		
5635	CIP	0,30			4,50		
5533	NIT	0,50			0,50		
1231	M	15 a 60			AMK	0,80	0,60
1419					GEN	0,90	17,50
1724					AMP	2,80	71,00
512			AMC	18,60	19,10		
719			SAM	12,90	25,40		
1040			CEP	20,40	29,50		
66			CXM (VO)	18,20	7,60		
1025			SXT	1,20	42,20		
1056			CIP	1,70	28,50		
756			NIT	0,90	2,80		
5992			F	15 a 60	AMK	0,20	0,10
8621					GEN	0,30	8,70
13035	AMP	4,10			56,20		
2112	AMC	17,00			11,70		
7726	SAM	9,40			13,80		
9171	CEP	21,10			17,70		
745	CXM (VO)	12,80			2,00		
8756	SXT	0,90			32,80		
8935	CIP	0,70			14,80		
8570	NIT	0,80			0,90		
1036	M	> 60			AMK	1,00	0,50
1188					GEN	0,40	17,00
1460			AMP	3,60	70,30		
545			AMC	19,10	20,00		
574			SAM	12,00	27,00		
939			CEP	19,00	33,20		
49			CXM (VO)	22,40	8,20		
925			SXT	1,00	40,00		
934			CIP	1,00	42,80		
623			NIT	1,40	3,50		
1854			F	> 60	AMK	0,60	0,40
2395					GEN	0,70	15,10
3147	AMP	3,50			64,70		
909	AMC	18,40			16,60		
1552	SAM	11,20			17,80		
2136	CEP	20,00			24,30		
145	CXM (VO)	13,10			7,60		
2052	SXT	1,10			39,60		
2105	CIP	1,50			29,40		
1708	NIT	1,00			1,90		

Escherichia coli, de Origen Hospitalario

Todos Nº	Antibiotica	Porcentaje	
		Intermedia	Resistente
2075	AMK	0,90	0,90
2122	GEN	1,30	19,50
2203	AMP	1,00	76,00
770	AMC	23,20	20,40
690	TZP	4,60	3,60
2053	IMP	0,40	0,20
2059	MEM	0,30	0,40
1510	CTX	1,10	21,00
617	CAZ	3,40	13,90
711	CEP	17,30	41,10
441	FEP	2,70	6,60
667	FOX	0,70	4,60
711	NAL	1,50	46,40
773	CIP	1,80	31,70
708	SXT	1,00	45,50
340	NIT	3,20	2,90
NT	TCY	NT	NT

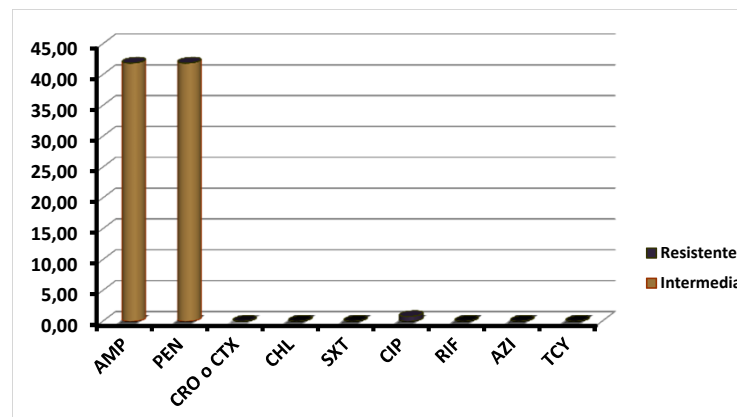


Neisseria meningitidis de origen comunitarios - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

Todos	N°		Antibiotico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
129			AMP	41,90	0,00
129			PEN	41,90	0,00
129			CRO o CTX		0,00
129			CHL	0,00	0,00
NT			SXT	NT	NT
129			CIP	0,00	0,80
129			RIF	0,00	0,00
129			AZI	0,00	0,00
129			TCY	0,00	0,00

No. aislamientos no sensibles

Solo por CIM



Staphylococcus spp de origen Comunitario

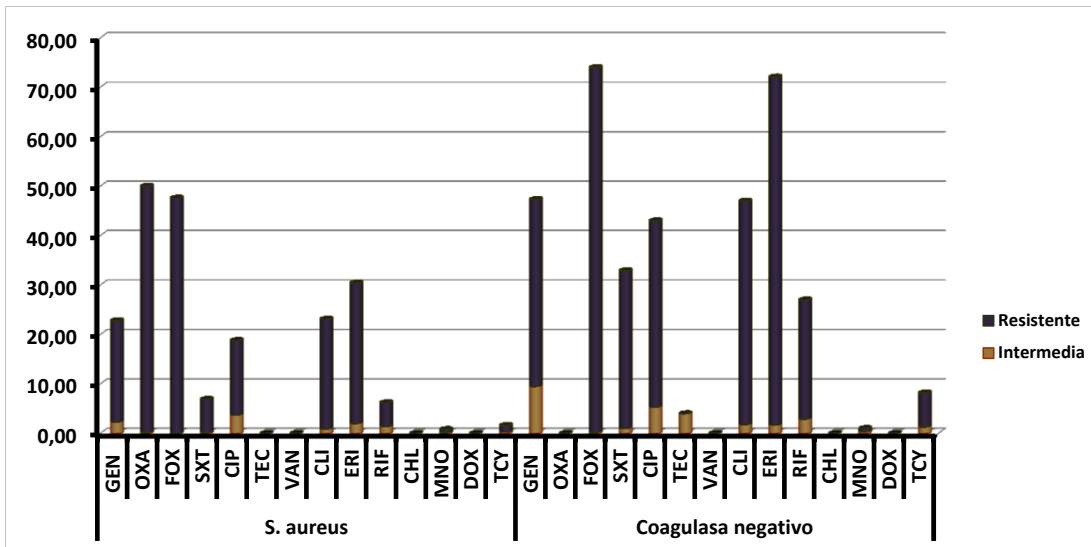
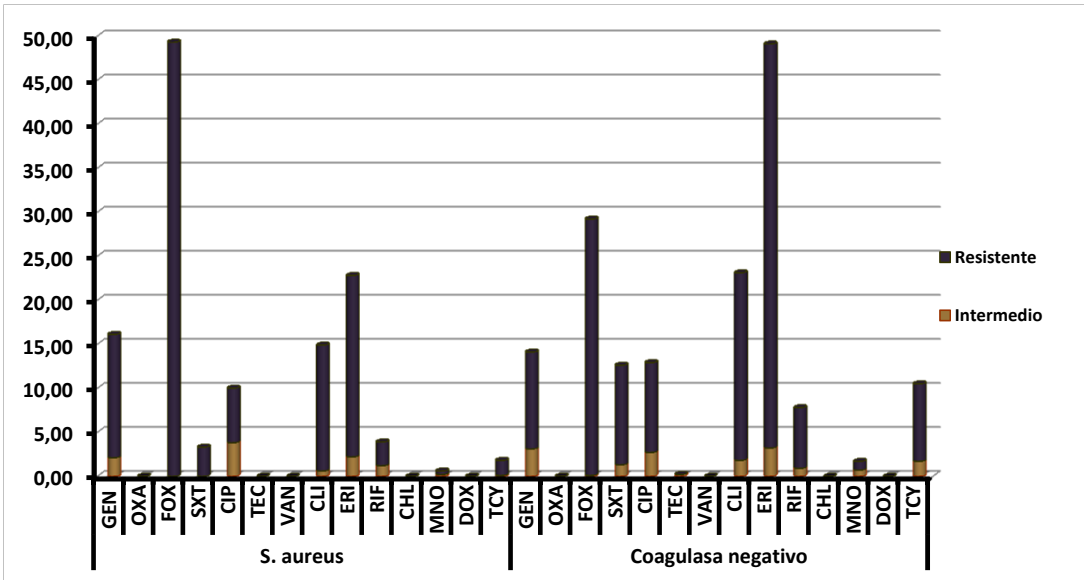
Todos	N°		Especie	Antibiótico	Porcentaje		
	Intermedio	Resistente			Intermedio	Resistente	
2392			S. aureus	GEN	2,10	14,00	
NT				OXA	NT	NT	
2163				FOX	0,00	49,30	
2404				SXT	0,00	3,30	
2047				CIP	3,80	6,20	
1839				TEC	0,00	0,00	
2224				VAN	0,00	0,00	
2310				CLI	0,60	14,30	
2325				ERI	2,20	20,60	
2305				RIF	1,20	2,70	
NT				CHL	NT	NT	
2022				MNO	0,20	0,40	
NT				DOX	NT	NT	
869				TCY	0,10	1,70	
1238				Coagulasa negativo	GEN	3,10	11,00
NT					OXA	NT	NT
1366			FOX		0,10	29,10	
1448			SXT		1,30	11,30	
1283			CIP		2,70	10,20	
418			TEC		0,20	0,00	
694			VAN		0,00	0,00	
656			CLI		1,80	21,30	
652			ERI		3,20	45,90	
670			RIF		0,90	6,90	
NT			CHL		NT	NT	
595			MNO		0,70	1,00	
NT			DOX		NT	NT	
353			TCY		1,70	8,80	

solo por CIM

Staphylococcus spp de origen Hospitalario

Todos	N°		Especie	Antibiotico	Porcentaje		
	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente	
1930			S. aureus	GEN	2,30	20,50	
1561				OXA	0,20	49,80	
1495				FOX	0,00	47,60	
1959				SXT	0,20	6,70	
1551				CIP	3,70	15,10	
1491				TEC	0,00	0,00	
1907				VAN	0,00	0,00	
1981				CLI	0,90	22,20	
1978				ERI	2,00	28,40	
1961				RIF	1,40	4,80	
NT				CHL	NT	NT	
1756				MNO	0,20	0,60	
NT				DOX	NT	NT	
1157				TCY	0,30	1,30	
3676				Coagulasa negativo	GEN	9,50	37,80
NT					OXA	NT	NT
2155			FOX		0,20	73,80	
3716			SXT		1,00	31,90	
2981			CIP		5,30	37,70	
2715			TEC		4,00	0,00	
3570			VAN		0,00	0,00	
3641			CLI		1,80	45,20	
3637			ERI		1,70	70,40	
3620			RIF		2,90	24,10	
NT			CHL		NT	NT	
3422			MNO		0,40	0,60	
NT			DOX		NT	NT	
2538			TCY		1,3	6,9	

solo por CIM

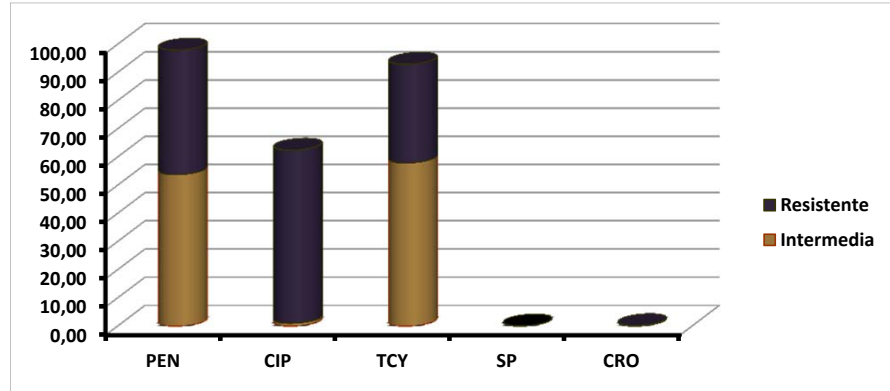


***Neisseria gonorrhoeae* de origen comunitario -PROVGAG - Red ITS**

Todos	Nº		Antibiotico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
679	365	300	PEN	53,76	44,18
679	7	417	CIP	1,03	61,41
679	393	238	TCY	57,88	35,05
NT	NT	NT	SP	NT	NT
679		1	CRO		0,15

VIGILANCIA REALIZADA POR CIM

No de aislamientos no sensibles

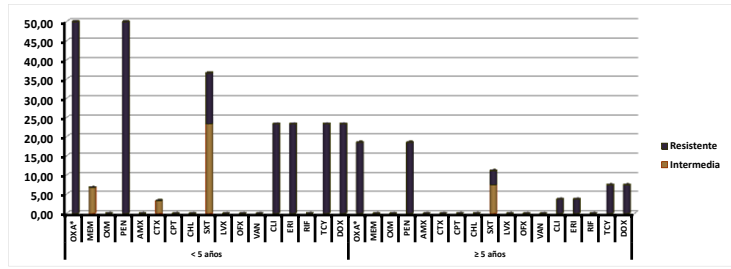


Nombre de la institución que reporta	Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas ANLIS "Dr. Carlos G. Malbran"
Nombre de contacto	Patricia Galarza - Programa de Vigilancia de la Sensibilidad Antimicrobiana de Gonococo (PROVSAG)-Red ITS
Correo electrónico	pgalarza@anlis.gov.ar

Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de Líquido Cefalorraquídeo - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

Todos	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente
30			< 5 años	OXA*	0,00	50,00
30				MEM	6,70	0,00
NT				CXM	NT	NT
30				PEN	0,00	50,00
30				AMX	0,00	0,00
30				CTX	3,30	0,00
30				CPT	0,00	0,00
30				CHL	0,00	0,00
30				SKT	23,30	13,30
30				LVX	0,00	0,00
NT				OFX	NT	NT
30				VAN	0,00	0,00
30				CLI	0,00	23,30
30				ERI	0,00	0,00
30				RIF	0,00	23,30
30				DOX	0,00	23,30
27			≥ 5 años	OXA*	0,00	18,50
27				MEM	0,00	0,00
NT				CXM	NT	NT
27				PEN	0,00	18,50
27				AMX	0,00	0,00
27				CTX	0,00	0,00
27				CPT	0,00	0,00
27				CHL	0,00	0,00
27				SXT	7,40	3,70
27				LVX	0,00	0,00
NT				OFX	NT	NT
27				VAN	0,00	0,00
27				CLI	0,00	3,70
27				ERI	0,00	3,70
27				RIF	0,00	0,00
27				TCY	0,00	7,40
27				DOX	0,00	7,40

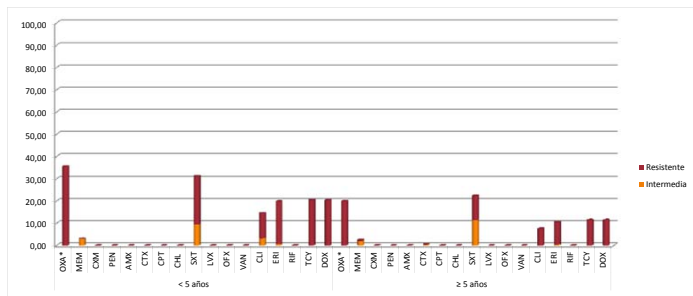
* OXA Solo por disco



Streptococcus pneumoniae de origen comunitario aislamientos de otras muestras invasivas - Red SIREVA II - Método de Dilución (CIM)

Todos	N°		Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente			Intermedia	Resistente
152			< 5 años	OXA*	0,00	35,50
152				MEM	3,00	0,00
NT				CXM	NT	NT
152				PEN	0,00	0,00
152				AMX	0,00	0,00
152				CTX	0,00	0,00
152				CPT	0,00	0,00
152				CHL	0,00	0,00
152				SXT	9,40	21,70
152				LVX	0,00	0,00
NT				OFX	NT	NT
152				VAN	0,00	0,00
152				CLI	3,30	11,20
152				ERI	0,70	19,10
152				RIF	0,00	0,00
152				TCY	0,00	20,40
152				DOX	0,00	20,40
201			≥ 5 años	OXA*	0,00	19,90
201				MEM	2,00	0,50
NT				CXM	NT	NT
201				PEN	0,00	0,00
201				AMX	0,00	0,00
201				CTX	0,50	0,00
201				CPT	0,00	0,00
201				CHL	0,00	0,00
201				SKT	11,40	10,50
201				LVX	0,00	0,00
NT				OFX	NT	NT
201				VAN	0,00	0,00
201				CLI	0,00	7,50
201				ERI	0,50	10,00
201				RIF	0,00	0,00
201				TCY	0,00	11,40
201				DOX	0,00	11,40

* OXA Solo por disco



Haemophilus influenzae (aislamientos Invasivos) - Red SIREVA II - Método de Dilución

Todos Nº	Nº		Invasivos	Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente
153			Invasivos	< 6 años	AMP	1,00	22,00
153					AMC	0,00	1,00
153					CEC	5,00	3,00
153					CXM	1,00	1,00
153					CTX		0,00
153					CHL	0,00	2,00
153					SXT	1,00	14,00
153					LEV		NT
153					CIP		0,00
153				AZM		0,00	
34				≥ 6 años	AMP	0,00	0,00
34					AMC	0,00	0,00
34					CEC	0,00	12,00
34					CXM	6,00	6,00
34					CTX		0,00
34					CHL	0,00	0,00
34					SXT	0,00	21,00
34					LEV		NT
34			CIP			0,00	
34			AZM		0,00		
			No Invasivos	< 6 años	AMP	#DIV/0!	#DIV/0!
					SAM	#DIV/0!	#DIV/0!
					CEC	#DIV/0!	#DIV/0!
					CXM	#DIV/0!	#DIV/0!
					CTX	#DIV/0!	#DIV/0!
					CHL	#DIV/0!	#DIV/0!
					SXT	#DIV/0!	#DIV/0!
					LEV		#DIV/0!
					CIP		#DIV/0!
				AZM		#DIV/0!	
				≥ 6 años	AMP	#DIV/0!	#DIV/0!
					SAM	#DIV/0!	#DIV/0!
					CEC	#DIV/0!	#DIV/0!
					CXM	#DIV/0!	#DIV/0!
					CTX	#DIV/0!	#DIV/0!
					CHL	#DIV/0!	#DIV/0!
					SXT	#DIV/0!	#DIV/0!
					LEV		#DIV/0!
			CIP			#DIV/0!	
			AZM		#DIV/0!		

No. de aislamientos no sensibles

Haemophilus influenzae (aislamientos Invasivos) - Red SIREVA II - Método de Dilución

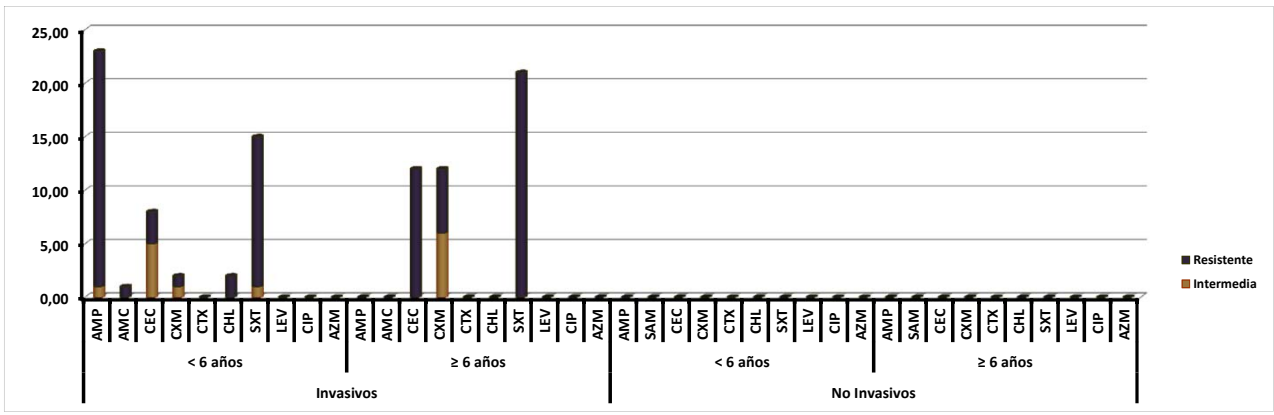
Edad	Nº	NAL		CPT		β-lactamasa Nitrocefina	
		I	R	I	R	POS	NEG
< 6 años	153	0	0	0	0	21	79
≥ 6 años	34	0	0	0	0	29	71

Haemophilus influenzae (aislamientos Invasivos y No-invasivos) - Red WHONET - Método Difusión

Todos Nº	Nº		Invasivos	Edad	Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente				Intermedia	Resistente
53			Invasivos	< 6 años	AMP	1,00	22,60
44					AMC	0,00	4,50
41					CEC	0,00	2,40
40					CXM	0,00	0,00
18					CTX		0,00
47					CHL	4,30	4,30
47					SXT	0,00	19,10
NT					LEV		NT
NT					CIP		NT
39				AZM		0,00	
<30				≥ 6 años	AMP	16,00	20,00
<30					AMC	0,00	18,00
<30					CEC	0,00	12,00
<30					CXM	0,00	7,70
<30					CTX		NT
<30					CHL	0,00	0,00
<30					SXT	0,00	27,00
<30					LEV		NT
<30			CIP			NT	
<30			AZM		0,00		
137			No Invasivos	< 6 años	AMP	3,60	22,00
139					AMC	0,00	0,70
126					CEC	4,80	1,60
118					CXM	0,00	0,80
43					CTX		0,00
134					CHL	4,50	1,50
140					SXT	0,70	28,00
NT					LEV		NT
NT					CIP		NT
125				AZM		0,80	
466				≥ 6 años	AMP	3,00	16,70
342					AMC	0,00	5,60
425					CEC	3,30	4,50
306					CXM	0,70	2,60
NT					CTX		NT
331					CHL	2,70	1,80
471					SXT	5,60	22,70
NT					LEV		NT
NT			CIP			NT	
423			AZM		1,40		

Haemophilus influenzae (aislamientos Invasivos y No-invasivos) - Red WHONET - Método Difusión

Todos Nº	Invasivos	Edad	Antibiótico	Porcentaje		Porcentaje	
				I	R	β-lasa +	β-lasa -
55	Invasivos	< 6 años	NAL	0	1,8		
50			β-lasa			20	80
24	Invasivos	≥ 6 años	NAL	0	0		
19			β-lasa			21	79
140	No Invasivos	< 6 años	NAL	0	0,7		
99			β-lasa			23,4	76,6
472		≥ 6 años	NAL	0,6	0,6		
299			β-lasa			20,4	79,6

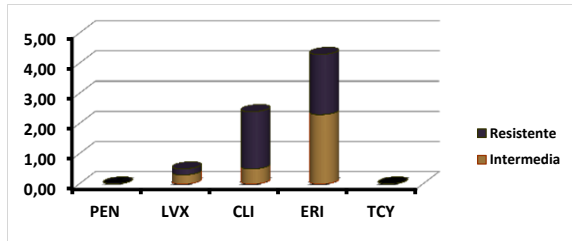


Streptococcus β-hemolítico de origen comunitario Grupo A

Todos	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1528		0	PEN		0,00
1528	5	3	LVX	0,30	0,20
1528	8	29	CLI	0,50	1,90
1528	35	31	ERI	2,30	2,00
1528	NT	NT	TCY	NT	NT

No. de aislamientos no sensibles

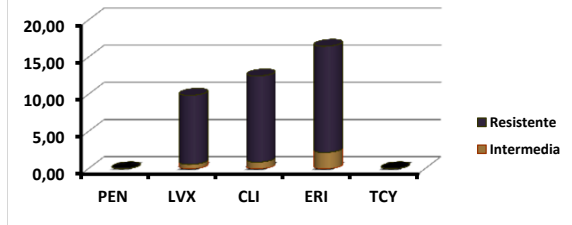
Grupo A



Streptococcus β-hemolítico de origen comunitario Grupo B

Todos	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
1288		0	PEN		0,00
1288	8	120	LVX	0,60	9,30
1288	12	149	CLI	0,90	11,60
1288	28	184	ERI	2,20	14,30
1288	NT	NT	TCY	NT	NT

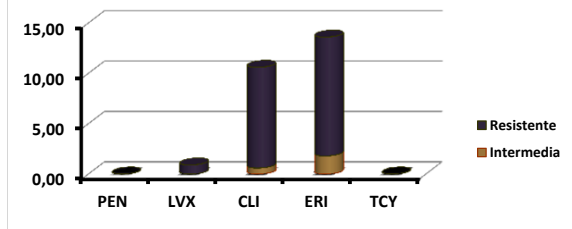
Grupo B



Streptococcus β-hemolítico de origen comunitario Otros β-hemolíticos

Todos	N°		Antibiótico	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
155		0	PEN		0,00
155	0	1	LVX	0,00	0,90
155	1	16	CLI	0,60	10,00
155	3	18	ERI	1,80	11,80
155	NT	NT	TCY	NT	NT

Otros

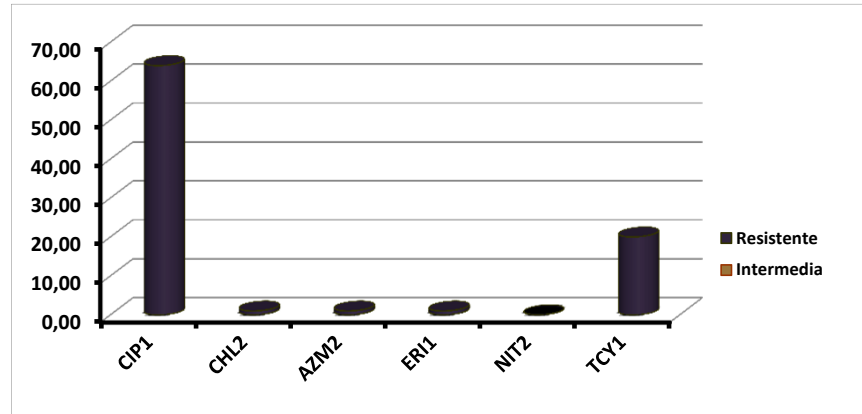


Campylobacter spp de origen comunitario - CIM

Total N°	N°		Antibiotica	Porcentaje	
	Intermedia	Resistente		Intermedia	Resistente
97			CIP ¹	0,00	64,00
97			CHL ²	0,00	1,00
97			AZM ²	0,00	1,00
97			ERI ¹	0,00	1,00
97			NIT ²	0,00	0,00
97			TCY ¹	0,00	20,00

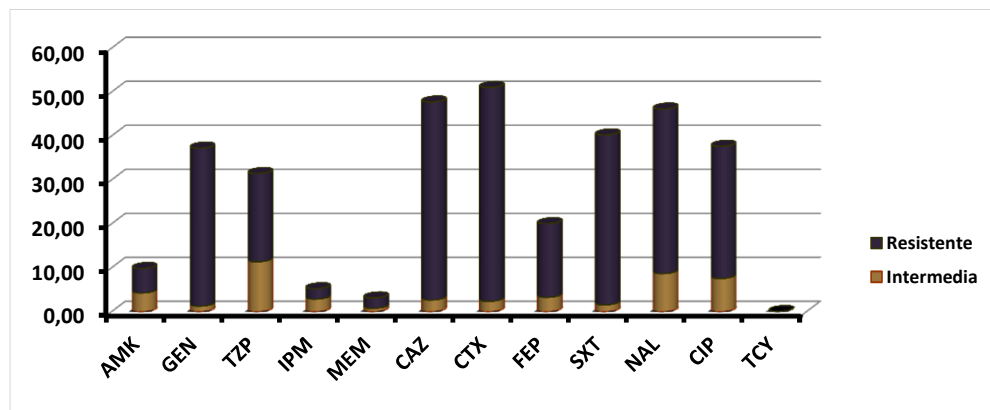
Método dilución en agar.

Puntos de corte: ¹ Tabla 4.M45-A2 CLSI 2014. ² Extraídos de la literatura internacional



Enterobacter cloacae de origen Hospitalario

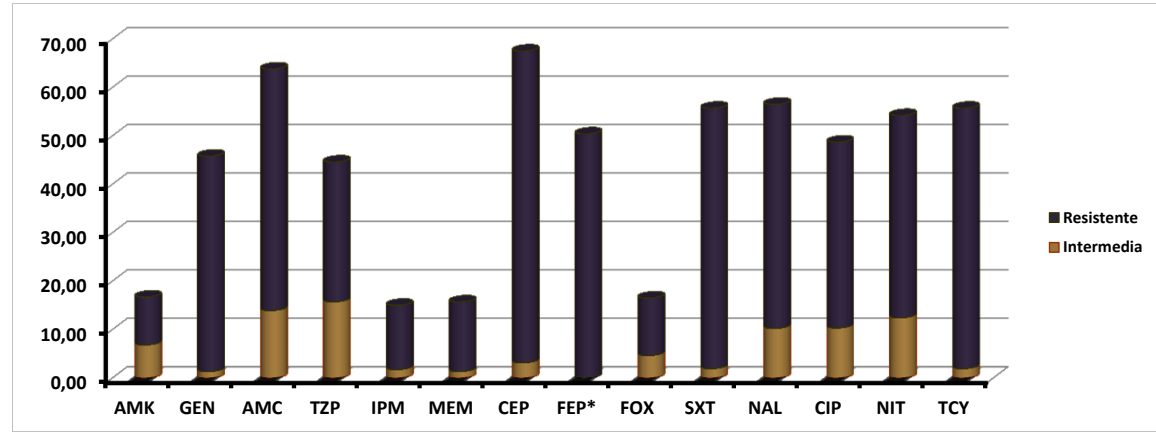
Todos N°	Antibiotico	Porcentaje	
		Intermedia	Resistente
427	AMK	4,20	5,60
422	GEN	1,20	36,00
159	TZP	11,30	20,10
423	IPM	2,80	2,40
422	MEM	0,70	2,40
152	CAZ	2,60	45,10
304	CTX	2,30	48,70
125	FEP	3,20	16,80
137	SXT	1,50	38,70
128	NAL	8,60	37,50
146	CIP	7,50	30,10
NT	TCY	NT	NT



Klebsiella pneumoniae de origen Hospitalario

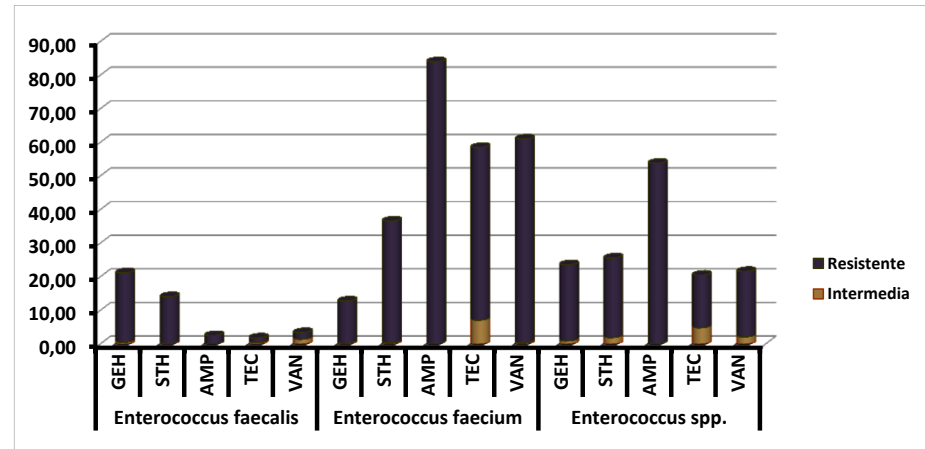
Todos	Antibiotico	Porcentaje	
		Intermedia	Resistente
N°			
1552	AMK	6,80	9,90
1556	GEN	1,30	44,50
605	AMC	13,90	49,90
585	TZP	15,70	28,90
1554	IPM	1,70	13,30
1560	MEM	1,30	14,40
576	CEP	3,10	64,40
1352	FEP*	0,00	50,40
538	FOX	4,60	11,90
526	SXT	1,90	53,80
521	NAL	10,20	46,30
552	CIP	10,30	38,40
153	NIT	12,40	41,80
54	TCY	1,90	53,80

* 1352 BLEE 50,4



Enterococcus spp. de origen Hospitalario

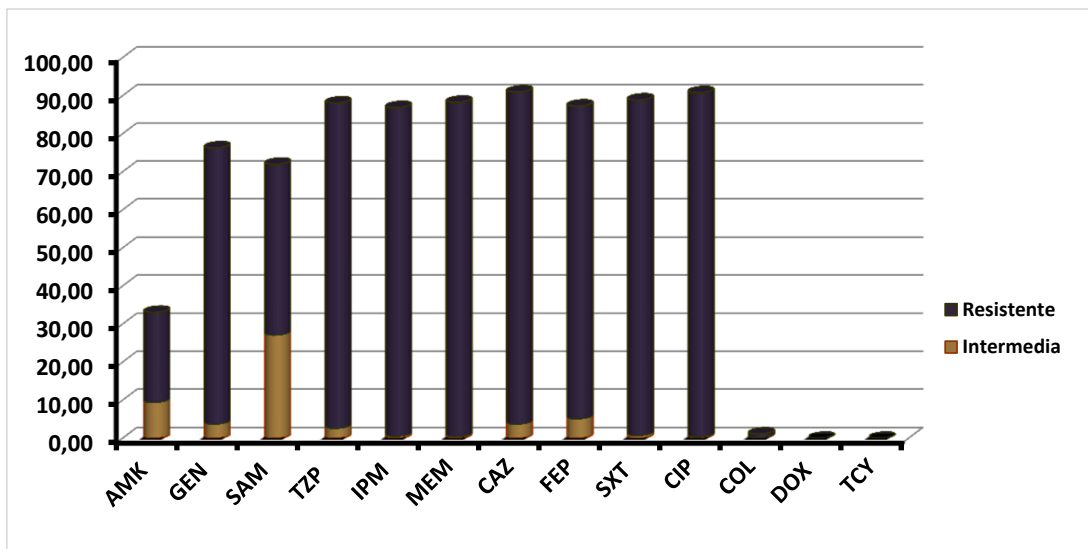
Todos	N°		Microorganismos	Antibiotico	Porcentaje	
	N°	Intermedia			Resistente	Intermedia
1847			Enterococcus faecalis	GEH	0,50	20,70
1819				STH	0,10	14,00
2261				AMP	0,00	2,50
1844				TEC	0,40	1,40
2199				VAN	1,40	2,00
619			Enterococcus faecium	GEH	0,20	12,60
615				STH	0,30	36,30
701				AMP	0,00	84,00
638				TEC	7,10	51,40
737				VAN	0,30	60,70
220			Enterococcus spp.	GEH	0,90	22,70
215				STH	1,90	23,70
439				AMP	0,00	53,80
230				TEC	4,80	15,70
282				VAN	2,10	19,50



Acinetobacter baumannii de origen hospitalario

Nº de muestras	Antibiótico	Porcentaje	
		Intermedia	Resistente
1603	AMK	9,40	23,70
1640	GEN	3,70	72,60
325	SAM	27,10	44,90
344	TZP	2,60	85,50
1649	IPM	0,50	86,40
1640	MEM	0,40	87,90
455	CAZ	3,70	87,30
370	FEP	5,10	82,20
297	SXT	0,70	88,20
337	CIP	0,30	90,50
1413	COL	0,10	1,00
NT	DOX	NT	NT
NT	TCY	NT	NT

COL solo por CIM



Pseudomonas aeruginosa de origen hospitalario				
Todos	N°	Antibiotico	Porcentaje	
N°	Intermedia	Resistente	Intermedia	Resistente
3995		AMK	1,70	14,00
3901		GEN	2,10	22,30
2393		PIP	0,00	20,70
2170		TZP	0,00	14,10
3967		IPM	24,80	22,60
3993		MEM	5,10	28,10
2319		ATM	10,50	19,10
2358		CAZ	6,80	14,20
NT		CFP	NT	NT
2208		FEP	5,30	9,10
3778		COL	0,10	1,40
2048		CIP	2,40	25,00

