

Tromboflebitis supurada de la vena yugular (Síndrome de Lemierre-SL) por SAMR-AC: primer reporte de dos casos en Argentina

Espínola L*, Corso A#, Querci M*, Gagetti P#, Boutureira M**, Olarte G##, De Zan M##, Gargiulo R", Serpulveda F", Nacinovich F*.

*Servicio de Infectología Sanatorio Sagrado Corazón

#Servicio Antimicrobianos, INEI-ANLIS

**Bacteriología Sanatorio Sagrado Corazón

##Servicio de Clínica Médica y Terapia Intensiva Sanatorio Sagrado Corazón

"Servicio de Diagnóstico por Imágenes Sanatorio Sagrado Corazón

Introducción

El SL es infrecuente en la actualidad. Los patógenos habitualmente descriptos corresponden a estreptococos anaerobios y bacteroides spp. El SL por SAMR-AC ha sido recientemente descripto en EUA asociado al clon USA300.

Casos Clínicos:

Caso 1: varón de 17 años sin antecedentes relevantes, que se interna en septiembre de 2011 con diagnóstico de trombosis de la vena yugular interna y del seno cavernoso derecho, abscesos cerebrales y embolias pulmonares sépticas. Se recupera SAMR en 3/4 hemocultivos. Recibe tratamiento antibiótico y anticoagulación con recuperación completa.

Caso 2: varón de 34 años sin antecedentes relevantes, que se interna en noviembre de 2011 con diagnóstico de trombosis yugular bilateral y del seno transversal y embolias pulmonares sépticas. Se recupera SAMR de 2/2 hemocultivos y lavado bronquioalveolar. Recibe anticoagulación y tratamiento antibiótico, fallece luego de múltiples complicaciones.

Estudios realizados:

Se determinó la presencia de PVL por PCR, la caracterización molecular de *SCCmec* por PCR multiplex y la relación genética entre los aislamientos por PFGE. Ambos presentaron fenotipo y genotipo de SAMR-AC, con *SCCmec* tipo IV y PVL(+), pero se diferenciaron dos tipos clonales, por lo que no se encontraron ni genética ni epidemiológicamente relacionados. Por medio de PFGE se determinó que solo uno de los aislamientos (Caso 2) estaba genéticamente relacionado al clon de CA-MRSA ST5-*SCCmec*IV-PVL+ que circula en Argentina desde el año 2000 y ninguno con otros minoritarios como el clon USA300(ST8) y el clon Southwest Pacific (ST30).

Discusión y comentarios

El estudio genético de los aislamientos demuestra la presencia de clones no relacionados entre sí ni tampoco con las cepas descriptas en EUA. Se describe por primera vez la emergencia de esta grave enfermedad causada por SAMR-CA en Argentina, con la particularidad de que uno de los aislamientos se encontró genéticamente relacionado al clon epidémico que circula en nuestro país.