

CALIDAD BACTERIOLÓGICA DEL AGUA DE DIÁLISIS Y SU RELACIÓN CON EL BROTE DE *Stenotrophomona maltophilia* EN UN SERVICIO DE HEMODIÁLISIS.

M. A. Rossetti¹, L. J. Fernández¹, D. Lanzetta¹, D. Faccione², M. O. Straccia¹, A. Corso².

1. Unidad de Microbiología. H.I.G.A. Pte. Perón. Anatole France 773. Avellaneda.

2. Servicio Antimicrobianos. Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas ANLIS

“Dr. Carlos Malbrán”. Av. Vélez Sársfield 563. Buenos Aires. aderossetti@yahoo.com.ar

Introducción. La Ley Nacional de Diálisis (LND) 22.853 establece que los recuentos microbianos viables totales a la salida del tratamiento de agua no deberán exceder las 200 UFC/ml, y las 2.000 UFC/ml a la entrada del último puesto. Durante el período enero-junio de 2004 se registraron 100 hemocultivos (H) positivos de pacientes dializados en 26 (43,3%) se identificó *Stenotrophomona maltophilia* (*Stm*), en 10 (16,7%) otros bacilos gram-negativos no fermentadores (BGNNF), y en 24 (40%) otros gérmenes. Frente a un posible brote por *Stm* y luego de distintos procesos de desinfección del equipo de diálisis se procedió al análisis bacteriológico de 60 muestras de agua y líquido de diálisis (A/LD).

Objetivo. Determinar si existió una contaminación cruzada entre pacientes y/o entre pacientes y el sistema de diálisis.

Materiales y Métodos. El control bacteriológico del agua se realizó por placa invertida utilizando agar tripticasa soya. El sistema automatizado Microscan se utilizó para la identificación bioquímica y la sensibilidad antimicrobiana de los aislamientos. La tipificación molecular de *Stm* se realizó por electroforesis en campo pulsado (PFGE) utilizando la enzima *XbaI*, en un equipo CHEF-DRIII.

Resultados. Todas las A/LD analizadas presentaban *Stm* con recuentos <200 UFC/ml. 22 aislamientos de *Stm* fueron seleccionados para el estudio fenotípico y molecular: 11 fueron aislados de H de 9 pacientes y 11 de A/LD. Los aislamientos de *Stm* presentaron sensibilidad a trimetropima-sulfametoxazol y levofloxacina, y resistencia variable a ceftacidima (12/22 no sensibles). Los aislamientos de *Stm* provenientes de H se agruparon en dos tipos clonales, A (n=8) y B (n=3), mientras que las cepas de *Stm* de A/LD pertenecían a los clones B (n=8) y C (n=3).

Conclusiones. Se detectó contaminación cruzada entre 2 pacientes (3 H) y el sistema de diálisis (8 muestras de distintos puntos del sistema) debido a *Stm* del clon B. Se determinó la diseminación de *Stm* clon A entre 8 pacientes dializados, pero la misma no fue debido a una contaminación cruzada con el sistema de diálisis (clones B y C).

Creemos que la legislación debería contemplar la ausencia de BGNNF, *Escherichia coli* y demás coliformes en líquido de diálisis a fin de conseguir un grado de pureza microbiológica similar al exigido para soluciones parenterales.